

Differential Expression of miRNAS_IR					
mature	structure	chromoso	start	stop	strand
hsa-miR-320a	miRNA	chr8	22244975	22244996	-
hsa-let-7d-5p	miRNA	chr9	94178841	94178862	+
hsa-miR-4284	miRNA	chr7	73711327	73711344	+
hsa-let-7a-5p	miRNA	chr22	46112752	46112773	+
hsa-miR-374a-5p	miRNA	chrX	74287325	74287346	-
hsa-let-7g-5p	miRNA	chr3	52268336	52268357	-
hsa-miR-185-5p	miRNA	chr22	20033153	20033174	+
hsa-miR-142-3p	miRNA	chr17	58331245	58331267	-
hsa-let-7b-5p	miRNA	chr22	46113691	46113712	+
hsa-miR-15b-5p	miRNA	chr3	1,6E+08	1,6E+08	+
hsa-miR-4791	miRNA	chr3	19314907	19314924	-
hsa-let-7f-5p	miRNA	chrX	53557246	53557267	-
hsa-miR-190a-5p	miRNA	chr15	62823971	62823992	+
hsa-miR-16-2-3p	miRNA	chr3	1,6E+08	1,6E+08	+
p-hsa-miR-256	novelmirna	chr6	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-425-5p	miRNA	chr3	49020199	49020221	-
hsa-miR-30c-5p	miRNA	chr1	40757300	40757322	+
hsa-miR-130a-3p	miRNA	chr11	57641252	57641273	+
hsa-miR-106b-5p	miRNA	chr7	1E+08	1E+08	-
hsa-miR-181a-2-3p	miRNA	chr9	1,25E+08	1,25E+08	+
hsa-miR-27b-3p	miRNA	chr9	95085505	95085525	+
hsa-miR-363-3p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-let-7d-3p	miRNA	chr9	94178895	94178916	+
hsa-miR-5096	miRNA	chr4	78820764	78820784	+
hsa-miR-26b-5p	miRNA	chr2	2,18E+08	2,18E+08	+
hsa-miR-143-3p	miRNA	chr5	1,49E+08	1,49E+08	+
hsa-miR-139-5p	miRNA	chr11	72615102	72615124	-
hsa-miR-150-5p	miRNA	chr19	49500832	49500853	-
hsa-miR-411-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-106a-5p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-486-5p	miRNA	chr8	41660444	41660465	+
p-hsa-miR-336	novelmirna	chr6_GL00	97089	97106	-
hsa-miR-18b-5p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-4286	miRNA	chr8	10666988	10667004	+
hsa-miR-93-5p	miRNA	chr7	1E+08	1E+08	-
hsa-miR-181a-5p	miRNA	chr1	1,99E+08	1,99E+08	-
hsa-miR-619-5p	miRNA	chr12	1,09E+08	1,09E+08	-
hsa-miR-4485-3p	miRNA	chr11	10508277	10508296	-
hsa-miR-92a-3p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-15b-3p	miRNA	chr3	1,6E+08	1,6E+08	+
hsa-miR-22-3p	miRNA	chr17	1713914	1713935	-
hsa-miR-146a-5p	miRNA	chr5	1,6E+08	1,6E+08	+
hsa-miR-484	miRNA	chr16	15643301	15643322	+
hsa-miR-181c-5p	miRNA	chr19	13874725	13874746	+
hsa-miR-191-5p	miRNA	chr3	49020672	49020694	-
hsa-miR-140-3p	miRNA	chr16	69933142	69933162	+
p-hsa-miR-124	novelmirna	chr22_K127	167965	167985	+
hsa-miR-451a	miRNA	chr17	28861403	28861424	-
hsa-miR-1260b	miRNA	chr11	96341447	96341465	+
hsa-miR-26a-5p	miRNA	chr12	57824658	57824679	-
hsa-miR-148a-3p	miRNA	chr7	25949922	25949943	-
hsa-miR-454-5p	miRNA	chr17	59137828	59137849	-
hsa-miR-3200-3p	miRNA	chr22	30731610	30731631	+
hsa-miR-194-5p	miRNA	chr11	64891404	64891425	-

hsa-miR-10a-5p	miRNA	chr17	48579904	48579926	-
hsa-miR-874-3p	miRNA	chr5	1,38E+08	1,38E+08	-
hsa-miR-29c-3p	miRNA	chr1	2,08E+08	2,08E+08	-
hsa-miR-197-3p	miRNA	chr1	1,1E+08	1,1E+08	+
hsa-miR-21-5p	miRNA	chr17	59841273	59841294	+
hsa-miR-106b-3p	miRNA	chr7	1E+08	1E+08	-
hsa-miR-381-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-144-5p	miRNA	chr17	28861583	28861604	-
hsa-miR-29b-3p	miRNA	chr1	2,08E+08	2,08E+08	-
hsa-miR-30b-5p	miRNA	chr8	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-335-5p	miRNA	chr7	1,3E+08	1,3E+08	+
p-hsa-miR-330	novelmirna	chr7	1,49E+08	1,49E+08	+
hsa-miR-4454	miRNA	chr4	1,63E+08	1,63E+08	-
hsa-miR-3609	miRNA	chr7	98881700	98881723	+
hsa-let-7i-5p	miRNA	chr12	62603691	62603712	+
hsa-miR-1248	miRNA	chr3	1,87E+08	1,87E+08	+
hsa-miR-1304-3p	miRNA	chr11	93733691	93733712	-
hsa-miR-24-2-5p	miRNA	chr19	13836326	13836347	-
hsa-miR-32-5p	miRNA	chr9	1,09E+08	1,09E+08	-
hsa-miR-181a-3p	miRNA	chr1	1,99E+08	1,99E+08	-
p-hsa-miR-103	novelmirna	chr20	30514127	30514150	-
hsa-miR-744-3p	miRNA	chr17	12081966	12081987	+
hsa-miR-3653-3p	miRNA	chr22	29333176	29333193	-
hsa-miR-16-5p	miRNA	chr3	1,6E+08	1,6E+08	+
hsa-miR-223-3p	miRNA	chrX	66018937	66018958	+
hsa-miR-17-3p	miRNA	chr13	91350655	91350676	+
hsa-miR-27a-3p	miRNA	chr19	13836447	13836467	-
hsa-miR-24-3p	miRNA	chr19	13836289	13836310	-
hsa-miR-425-3p	miRNA	chr3	49020159	49020180	-
hsa-miR-654-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-5701	miRNA	chr15	21951251	21951269	+
hsa-miR-100-5p	miRNA	chr11	1,22E+08	1,22E+08	-
hsa-miR-5100	miRNA	chr10	42997630	42997651	+
hsa-miR-127-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-324-3p	miRNA	chr17	7223308	7223327	-
hsa-miR-126-5p	miRNA	chr9	1,37E+08	1,37E+08	+
hsa-miR-502-5p	miRNA	chrX	50014613	50014633	+
p-hsa-miR-121	novelmirna	chr2	49229713	49229736	-
hsa-miR-21-3p	miRNA	chr17	59841311	59841331	+
hsa-miR-25-3p	miRNA	chr7	1E+08	1E+08	-
p-hsa-miR-6	novelmirna	chr10	1,02E+08	1,02E+08	+
hsa-miR-107	miRNA	chr10	89592756	89592778	-
hsa-miR-628-5p	miRNA	chr15	55372991	55373012	-
hsa-miR-223-5p	miRNA	chrX	66018895	66018916	+
hsa-miR-186-5p	miRNA	chr1	71067681	71067702	-
hsa-miR-4508	miRNA	chr15	23562107	23562123	-
hsa-miR-96-5p	miRNA	chr7	1,3E+08	1,3E+08	-
hsa-miR-4685-3p	miRNA	chr10	98431292	98431313	-
hsa-miR-20a-5p	miRNA	chr13	91351072	91351094	+
hsa-miR-29a-3p	miRNA	chr7	1,31E+08	1,31E+08	-
hsa-miR-181d-5p	miRNA	chr19	13874910	13874932	+
hsa-miR-26b-3p	miRNA	chr2	2,18E+08	2,18E+08	+
hsa-miR-134-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-545-5p	miRNA	chrX	74287164	74287185	-
hsa-miR-4742-3p	miRNA	chr1	2,24E+08	2,24E+08	-
hsa-miR-15a-5p	miRNA	chr13	50049167	50049188	-

hsa-miR-221-3p	miRNA	chrX	45746180	45746202	-
hsa-miR-101-5p	miRNA	chr1	65058477	65058498	-
hsa-miR-152-3p	miRNA	chr17	48037174	48037194	-
hsa-miR-1972	miRNA	chr16	70030393	70030414	+
hsa-miR-378a-5p	miRNA	chr5	1,5E+08	1,5E+08	+
hsa-miR-192-5p	miRNA	chr11	64891203	64891223	-
hsa-miR-151a-5p	miRNA	chr8	1,41E+08	1,41E+08	-
hsa-let-7i-3p	miRNA	chr12	62603747	62603768	+
hsa-miR-199a-5p	miRNA	chr1	1,72E+08	1,72E+08	-
hsa-miR-130b-3p	miRNA	chr22	21653354	21653375	+
p-hsa-miR-232	novelmirna	chr10	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-2355-5p	miRNA	chr2	2,07E+08	2,07E+08	-
hsa-miR-301a-3p	miRNA	chr17	59151149	59151171	-
hsa-miR-324-5p	miRNA	chr17	7223342	7223364	-
hsa-miR-362-5p	miRNA	chrX	50008968	50008991	+
hsa-miR-744-5p	miRNA	chr17	12081909	12081930	+
hsa-miR-4497	miRNA	chr12	1,1E+08	1,1E+08	+
hsa-miR-340-5p	miRNA	chr5	1,8E+08	1,8E+08	-
hsa-miR-136-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-576-5p	miRNA	chr4	1,09E+08	1,09E+08	+
p-hsa-miR-338	novelmirna	chr17	81346226	81346245	-
hsa-miR-652-3p	miRNA	chrX	1,1E+08	1,1E+08	+
hsa-miR-181c-3p	miRNA	chr19	13874763	13874784	+
hsa-miR-145-3p	miRNA	chr5	1,49E+08	1,49E+08	+
hsa-miR-3960	miRNA	chr9	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-598-3p	miRNA	chr8	11035221	11035242	-
hsa-miR-301b-3p	miRNA	chr22	21653025	21653047	+
hsa-miR-103a-2-5p	miRNA	chr20	3917504	3917526	+
hsa-miR-27b-5p	miRNA	chr9	95085463	95085484	+
hsa-miR-6124	miRNA	chr11	12163692	12163711	+
hsa-miR-93-3p	miRNA	chr7	1E+08	1E+08	-
hsa-miR-18a-5p	miRNA	chr13	91350756	91350778	+
hsa-miR-574-3p	miRNA	chr4	38868092	38868113	+
hsa-miR-140-5p	miRNA	chr16	69933103	69933124	+
hsa-miR-500a-3p	miRNA	chrX	50008482	50008503	+
hsa-miR-629-5p	miRNA	chr15	70079427	70079447	-
hsa-let-7e-5p	miRNA	chr19	51692793	51692814	+
hsa-miR-7-1-3p	miRNA	chr9	83969771	83969792	-
hsa-miR-1273h-3p	miRNA	chr16	24203186	24203207	+
hsa-miR-29c-5p	miRNA	chr1	2,08E+08	2,08E+08	-
hsa-miR-4677-3p	miRNA	chr1	2,43E+08	2,43E+08	+
hsa-miR-941	miRNA	chr20	63919914	63919936	+
hsa-miR-1273g-3p	miRNA	chr1	52940370	52940390	+
hsa-miR-1271-5p	miRNA	chr5	1,76E+08	1,76E+08	+
hsa-miR-101-3p	miRNA	chr9	4850345	4850365	+
hsa-miR-28-5p	miRNA	chr3	1,89E+08	1,89E+08	+
hsa-miR-99b-5p	miRNA	chr19	51692618	51692639	+
hsa-miR-5585-3p	miRNA	chr1	32086986	32087007	+
hsa-miR-20b-5p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-23a-3p	miRNA	chr19	13836595	13836615	-
hsa-miR-3620-5p	miRNA	chr1	2,28E+08	2,28E+08	+
hsa-miR-221-5p	miRNA	chrX	45746221	45746242	-
hsa-miR-1277-5p	miRNA	chrX	1,18E+08	1,18E+08	+
hsa-miR-4732-3p	miRNA	chr17	28861668	28861688	-
hsa-miR-454-3p	miRNA	chr17	59137787	59137809	-
hsa-let-7c-5p	miRNA	chr21	16539838	16539859	+

hsa-miR-5480-3p	miRNA	chr20	38516607	38516628	+
hsa-miR-330-5p	miRNA	chr19	45639049	45639070	-
hsa-miR-641	miRNA	chr19	40282603	40282626	-
hsa-miR-3607-3p	miRNA	chr5	86620547	86620566	+
hsa-miR-3912-3p	miRNA	chr5	1,71E+08	1,71E+08	-
hsa-miR-30e-3p	miRNA	chr1	40754413	40754434	+
hsa-miR-331-5p	miRNA	chr12	95308445	95308466	+
hsa-miR-33b-5p	miRNA	chr17	17813897	17813916	-
hsa-miR-548e-3p	miRNA	chr10	1,11E+08	1,11E+08	+
hsa-miR-23b-3p	miRNA	chr9	95085265	95085285	+
hsa-miR-195-5p	miRNA	chr17	7017667	7017687	-
hsa-miR-17-5p	miRNA	chr13	91350618	91350640	+
hsa-miR-410-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-148b-3p	miRNA	chr12	54337278	54337299	+
hsa-miR-1273d	miRNA	chr1	10227727	10227751	+
hsa-miR-33a-3p	miRNA	chr22	41900989	41901010	+
hsa-miR-3136-5p	miRNA	chr3	69049004	69049026	-
hsa-miR-374b-3p	miRNA	chrX	74218557	74218578	-
hsa-miR-7157-5p	miRNA	chr2	1,41E+08	1,41E+08	-
hsa-miR-7706	miRNA	chr15	85380639	85380662	+
hsa-miR-6723-5p	miRNA	chr1	632382	632403	-
hsa-miR-486-3p	miRNA	chr8	41660486	41660506	+
hsa-miR-1273e	miRNA	chr17	64425136	64425157	-
p-hsa-miR-12	novelmirna	chr7_K1270	458135	458155	+
hsa-miR-532-5p	miRNA	chrX	50003167	50003188	+
hsa-miR-6516-3p	miRNA	chr17	77089469	77089490	+
hsa-miR-545-3p	miRNA	chrX	74287126	74287147	-
hsa-miR-542-3p	miRNA	chrX	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-3176	miRNA	chr16	543336	543354	+
hsa-miR-584-5p	miRNA	chr5	1,49E+08	1,49E+08	-
hsa-miR-342-3p	miRNA	chr14	1E+08	1E+08	+
hsa-miR-15a-3p	miRNA	chr13	50049130	50049151	-
hsa-miR-450b-5p	miRNA	chrX	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-200b-3p	miRNA	chr1	1167160	1167181	+
hsa-miR-338-5p	miRNA	chr17	81125923	81125944	-
hsa-miR-4504	miRNA	chr14	50299871	50299892	-
hsa-miR-532-3p	miRNA	chrX	50003204	50003225	+
hsa-miR-582-3p	miRNA	chr5	59703630	59703651	-
hsa-miR-4461	miRNA	chr5	1,35E+08	1,35E+08	+
hsa-miR-580-3p	miRNA	chr5	36147907	36147928	-
hsa-miR-4781-3p	miRNA	chr1	54054124	54054145	+
hsa-miR-145-5p	miRNA	chr5	1,49E+08	1,49E+08	+
hsa-miR-3157-5p	miRNA	chr10	96064369	96064390	-
hsa-miR-624-5p	miRNA	chr14	31014706	31014727	-
hsa-miR-7641	miRNA	chr14	75604211	75604229	+
hsa-miR-129-2-3p	miRNA	chr11	43581450	43581471	+
hsa-miR-222-3p	miRNA	chrX	45747036	45747056	-
hsa-miR-196b-5p	miRNA	chr7	27169528	27169549	-
hsa-miR-582-5p	miRNA	chr5	59703666	59703688	-
hsa-miR-3653-5p	miRNA	chr22	29333226	29333245	-
hsa-miR-6073	miRNA	chr11	15969555	15969574	-
hsa-miR-146b-3p	miRNA	chr10	1,02E+08	1,02E+08	+
hsa-miR-1287-5p	miRNA	chr10	98395271	98395292	-
hsa-miR-1296-5p	miRNA	chr10	63373012	63373033	-
hsa-miR-3940-3p	miRNA	chr19	6416434	6416455	-
hsa-miR-6793-3p	miRNA	chr19	10829016	10829035	+

hsa-miR-548f-5p	miRNA	chr10	54607926	54607947	-
hsa-miR-6749-3p	miRNA	chr11	64902387	64902407	-
hsa-miR-361-3p	miRNA	chrX	85903641	85903663	-
hsa-miR-3677-3p	miRNA	chr16	2270751	2270772	+
hsa-miR-4672	miRNA	chr9	1,28E+08	1,28E+08	-
hsa-miR-665	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6089	miRNA	chrY	2609229	2609252	+
hsa-miR-1273h-5p	miRNA	chr16	24203148	24203168	+
hsa-miR-636	miRNA	chr17	76736466	76736488	-
hsa-miR-1303	miRNA	chr5	1,55E+08	1,55E+08	+
hsa-miR-199b-5p	miRNA	chr9	1,28E+08	1,28E+08	-
hsa-miR-146b-5p	miRNA	chr10	1,02E+08	1,02E+08	+
hsa-miR-18b-3p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-let-7f-2-3p	miRNA	chrX	53557196	53557217	-
hsa-miR-432-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-409-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-155-5p	miRNA	chr21	25573983	25574005	+
hsa-miR-431-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-3656	miRNA	chr11	1,19E+08	1,19E+08	+
hsa-miR-30d-3p	miRNA	chr8	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-1294	miRNA	chr5	1,54E+08	1,54E+08	+
hsa-miR-7976	miRNA	chr3	1,28E+08	1,28E+08	-
p-hsa-miR-9	novelmirna	chr10	31551106	31551126	+
hsa-miR-625-3p	miRNA	chr14	65471153	65471174	+
hsa-miR-29b-2-5p	miRNA	chr1	2,08E+08	2,08E+08	-
hsa-miR-3200-5p	miRNA	chr22	30731569	30731590	+
hsa-miR-3182	miRNA	chr16	83508349	83508365	+
hsa-miR-33a-5p	miRNA	chr22	41900949	41900969	+
hsa-miR-3196	miRNA	chr20	63238788	63238805	+
hsa-miR-3184-5p	miRNA	chr17	30117128	30117151	-
hsa-miR-6724-5p	miRNA	chr21	8432540	8432562	+
hsa-miR-331-3p	miRNA	chr12	95308480	95308500	+
hsa-miR-210-3p	miRNA	chr11	568112	568133	-
hsa-miR-323b-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6842-3p	miRNA	chr8	27433413	27433434	+
p-hsa-miR-225	novelmirna	chr3	1,64E+08	1,64E+08	-
hsa-miR-423-3p	miRNA	chr17	30117131	30117153	+
hsa-miR-6802-3p	miRNA	chr19	55239912	55239933	-
hsa-miR-590-3p	miRNA	chr7	74191253	74191273	+
hsa-miR-181b-5p	miRNA	chr9	1,25E+08	1,25E+08	+
hsa-miR-378a-3p	miRNA	chr5	1,5E+08	1,5E+08	+
hsa-miR-6513-3p	miRNA	chr2	2,18E+08	2,18E+08	-
hsa-miR-1278	miRNA	chr1	1,93E+08	1,93E+08	+
hsa-miR-1307-3p	miRNA	chr10	1,03E+08	1,03E+08	-
hsa-miR-4448	miRNA	chr3	1,84E+08	1,84E+08	+
hsa-miR-3135a	miRNA	chr3	20137574	20137595	+
p-hsa-miR-335	novelmirna	chr7	1,19E+08	1,19E+08	-
hsa-miR-6852-5p	miRNA	chr9	35710716	35710736	-
hsa-miR-200c-3p	miRNA	chr12	6963742	6963764	+
hsa-miR-3613-5p	miRNA	chr13	49996465	49996486	-
hsa-miR-1285-5p	miRNA	chr7	92204067	92204087	-
hsa-miR-6734-5p	miRNA	chr1	43364688	43364710	-
hsa-miR-550a-5p	miRNA	chr7	32733002	32733024	+
hsa-miR-548u	miRNA	chr6	57390180	57390202	+
hsa-miR-3605-3p	miRNA	chr1	33332405	33332427	-
hsa-miR-6501-5p	miRNA	chr21	33550664	33550685	+

hsa-miR-616-5p	miRNA	chr12	57519223	57519244	-
hsa-miR-6503-5p	miRNA	chr11	60209118	60209140	-
hsa-miR-5189-5p	miRNA	chr16	88468943	88468966	+
hsa-miR-193a-3p	miRNA	chr17	31560050	31560071	+
hsa-miR-192-3p	miRNA	chr11	64891159	64891180	-
hsa-miR-651-5p	miRNA	chrX	8126980	8127001	+
hsa-miR-3117-3p	miRNA	chr1	66628485	66628505	+
hsa-miR-148a-5p	miRNA	chr7	25949960	25949981	-
hsa-miR-4659a-3p	miRNA	chr8	6745212	6745233	+
hsa-miR-125a-5p	miRNA	chr19	51693268	51693291	+
hsa-miR-5001-3p	miRNA	chr2	2,33E+08	2,33E+08	-
hsa-miR-3615	miRNA	chr17	74748663	74748683	+
hsa-miR-6855-5p	miRNA	chr9	1,3E+08	1,3E+08	+
hsa-miR-627-5p	miRNA	chr15	42199630	42199651	-
hsa-miR-1246	miRNA	chr2	1,77E+08	1,77E+08	-
hsa-miR-4485-5p	miRNA	chr11	10508305	10508320	-
hsa-miR-576-3p	miRNA	chr4	1,09E+08	1,09E+08	+
hsa-let-7g-3p	miRNA	chr3	52268280	52268300	-
hsa-miR-3139	miRNA	chr4	1,43E+08	1,43E+08	+
hsa-miR-6511b-3p	miRNA	chr16	15134076	15134098	-
hsa-miR-6511a-3p	miRNA	chr16	18344015	18344036	-
hsa-miR-2355-3p	miRNA	chr2	2,07E+08	2,07E+08	-
hsa-miR-1273f	miRNA	chr1	52928698	52928716	+
hsa-miR-32-3p	miRNA	chr9	1,09E+08	1,09E+08	-
hsa-miR-660-5p	miRNA	chrX	50013256	50013277	+
p-hsa-miR-135	novelmirna	chr10	61012641	61012659	-
hsa-miR-579-3p	miRNA	chr5	32394392	32394414	-
hsa-miR-92b-3p	miRNA	chr1	1,55E+08	1,55E+08	+
hsa-let-7f-1-3p	miRNA	chr9	94176409	94176430	+
hsa-miR-6879-3p	miRNA	chr11	65018550	65018570	+
hsa-miR-7704	miRNA	chr2	1,76E+08	1,76E+08	+
hsa-miR-224-5p	miRNA	chrX	1,52E+08	1,52E+08	-
hsa-miR-148b-5p	miRNA	chr12	54337240	54337261	+
hsa-miR-193a-5p	miRNA	chr17	31560016	31560037	+
hsa-miR-142-5p	miRNA	chr17	58331283	58331303	-
hsa-miR-6821-5p	miRNA	chr22	49962866	49962888	+
hsa-miR-1275	miRNA	chr6	34000018	34000034	-
hsa-miR-132-3p	miRNA	chr17	2049929	2049950	-
hsa-miR-6133	miRNA	chr7	1,33E+08	1,33E+08	+
hsa-miR-7705	miRNA	chr8	1,01E+08	1,01E+08	-
hsa-miR-1468-5p	miRNA	chrX	63786055	63786075	-
hsa-miR-664b-3p	miRNA	chrX	1,55E+08	1,55E+08	+
hsa-miR-659-5p	miRNA	chr22	37847732	37847753	-
hsa-miR-200a-3p	miRNA	chr1	1167916	1167937	+
hsa-miR-1226-3p	miRNA	chr3	47849608	47849629	+
hsa-miR-548aq-5p	miRNA	chr3	1,86E+08	1,86E+08	-
hsa-miR-590-5p	miRNA	chr7	74191213	74191234	+
p-hsa-miR-133	novelmirna	chr1	1,93E+08	1,93E+08	-
hsa-miR-30c-1-3p	miRNA	chr1	40757339	40757360	+
p-hsa-miR-73	novelmirna	chr16	8968181	8968201	+
hsa-miR-190b	miRNA	chr1	1,54E+08	1,54E+08	-
hsa-miR-4646-3p	miRNA	chr6	31701029	31701049	-
hsa-miR-3613-3p	miRNA	chr13	49996426	49996449	-
hsa-miR-188-5p	miRNA	chrX	50003517	50003537	+
hsa-miR-548at-5p	miRNA	chr17	42494773	42494794	+
hsa-miR-548j-3p	miRNA	chr22	26555239	26555259	-

hsa-miR-589-3p	miRNA	chr7	5495834	5495857	-
hsa-miR-20a-3p	miRNA	chr13	91351108	91351129	+
hsa-miR-370-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-191-3p	miRNA	chr3	49020631	49020652	-
hsa-miR-296-5p	miRNA	chr20	58817661	58817681	-
hsa-miR-610	miRNA	chr11	28056830	28056850	+
hsa-miR-6735-5p	miRNA	chr1	43448544	43448568	+
hsa-miR-671-3p	miRNA	chr7	1,51E+08	1,51E+08	+
hsa-miR-27a-5p	miRNA	chr19	13836487	13836508	-
hsa-miR-889-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-1285-3p	miRNA	chr2	70252933	70252954	-
hsa-miR-3909	miRNA	chr22	35335710	35335731	+
hsa-miR-3141	miRNA	chr5	1,55E+08	1,55E+08	-
hsa-miR-3605-5p	miRNA	chr1	33332449	33332471	-
hsa-miR-141-3p	miRNA	chr12	6964155	6964176	+
hsa-miR-3127-5p	miRNA	chr2	96798288	96798310	+
p-hsa-miR-113	novelmirna	chr2	2,32E+08	2,32E+08	+
hsa-miR-2277-5p	miRNA	chr5	93620748	93620771	-
hsa-miR-500a-5p	miRNA	chrX	50008443	50008465	+
hsa-miR-6873-3p	miRNA	chr6	33287227	33287249	-
hsa-miR-4645-3p	miRNA	chr6	2854040	2854061	-
hsa-miR-5695	miRNA	chr19	12920373	12920394	+
hsa-miR-3173-5p	miRNA	chr14	95137961	95137982	-
hsa-miR-450a-5p	miRNA	chrX	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-6826-3p	miRNA	chr3	1,29E+08	1,29E+08	+
hsa-miR-548e-5p	miRNA	chr10	1,11E+08	1,11E+08	+
hsa-miR-4488	miRNA	chr11	61508599	61508616	+
hsa-miR-31-5p	miRNA	chr9	21512158	21512178	-
hsa-miR-5189-3p	miRNA	chr16	88468984	88469004	+
hsa-miR-548a1	miRNA	chr11	74399301	74399322	+
hsa-miR-451b	miRNA	chr17	28861377	28861398	+
hsa-miR-335-3p	miRNA	chr7	1,3E+08	1,3E+08	+
hsa-miR-1270	miRNA	chr19	20399320	20399342	-
hsa-miR-3934-5p	miRNA	chr6	33698152	33698173	+
hsa-miR-493-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-26a-1-3p	miRNA	chr3	37969452	37969473	+
hsa-miR-1299	miRNA	chr9	40929010	40929031	-
hsa-miR-502-3p	miRNA	chrX	50014649	50014670	+
hsa-miR-4676-3p	miRNA	chr10	72721072	72721093	+
hsa-miR-151a-3p	miRNA	chr8	1,41E+08	1,41E+08	-
hsa-miR-6726-3p	miRNA	chr1	1296110	1296129	-
p-hsa-miR-284	novelmirna	chrX	47806755	47806775	+
p-hsa-miR-99	novelmirna	chr2	43190625	43190645	-
hsa-miR-3143	miRNA	chr6	27147629	27147653	+
hsa-miR-503-5p	miRNA	chrX	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-128-3p	miRNA	chr3	35744527	35744547	+
hsa-miR-6886-3p	miRNA	chr19	11113511	11113531	+
hsa-miR-6836-3p	miRNA	chr7	2257515	2257535	-
hsa-miR-196b-3p	miRNA	chr7	27169493	27169514	-
hsa-miR-4326	miRNA	chr20	63286818	63286837	+
hsa-miR-491-3p	miRNA	chr9	20716154	20716175	+
hsa-miR-4516	miRNA	chr16	2133120	2133136	+
hsa-miR-5010-3p	miRNA	chr17	42514267	42514288	+
hsa-miR-4775	miRNA	chr2	2,08E+08	2,08E+08	+
hsa-miR-25-5p	miRNA	chr7	1E+08	1E+08	-
hsa-miR-30e-5p	miRNA	chr1	40754371	40754392	+

hsa-miR-19a-5p	miRNA	chr13	91350904	91350925	+
hsa-miR-153-3p	miRNA	chr7	1,58E+08	1,58E+08	-
p-hsa-miR-105	novelmirna	chr1	21372996	21373013	+
hsa-miR-411-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-26a-2-3p	miRNA	chr12	57824620	57824641	-
hsa-miR-3158-3p	miRNA	chr10	1,02E+08	1,02E+08	-
hsa-miR-345-5p	miRNA	chr14	1E+08	1E+08	+
hsa-miR-20b-3p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-485-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-1273a	miRNA	chr8	1E+08	1E+08	-
hsa-miR-6777-3p	miRNA	chr17	17813480	17813499	-
hsa-miR-4746-5p	miRNA	chr19	4445987	4446009	+
hsa-miR-3688-3p	miRNA	chr4	1,59E+08	1,59E+08	+
hsa-miR-379-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-16-1-3p	miRNA	chr13	50048985	50049006	-
hsa-miR-939-5p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-5000-3p	miRNA	chr2	75090873	75090894	+
hsa-miR-1234-3p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-660-3p	miRNA	chrX	50013292	50013312	+
hsa-miR-8485	miRNA	chr2	50696172	50696192	-
hsa-miR-3163	miRNA	chr11	66934476	66934497	-
hsa-miR-765	miRNA	chr1	1,57E+08	1,57E+08	-
hsa-miR-769-5p	miRNA	chr19	46018961	46018982	+
hsa-miR-497-5p	miRNA	chr17	7017979	7017999	-
hsa-miR-215-5p	miRNA	chr1	2,2E+08	2,2E+08	-
hsa-miR-330-3p	miRNA	chr19	45639009	45639031	-
hsa-miR-22-5p	miRNA	chr17	1713952	1713973	-
p-hsa-miR-249	novelmirna	chr5	1,77E+08	1,77E+08	+
hsa-miR-5689	miRNA	chr6	10439725	10439746	+
hsa-miR-219a-1-3p	miRNA	chr6	33207896	33207917	+
hsa-miR-501-5p	miRNA	chrX	50009735	50009756	+
hsa-miR-664b-5p	miRNA	chrX	1,55E+08	1,55E+08	+
hsa-miR-874-5p	miRNA	chr5	1,38E+08	1,38E+08	-
hsa-miR-628-3p	miRNA	chr15	55372954	55372974	-
hsa-miR-3942-5p	miRNA	chr15	35372321	35372342	-
hsa-miR-6845-3p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-937-3p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-4732-5p	miRNA	chr17	28861700	28861722	-
hsa-miR-5690	miRNA	chr6	35664760	35664780	-
hsa-miR-5094	miRNA	chr15	89850690	89850711	-
hsa-miR-548p	miRNA	chr5	1,01E+08	1,01E+08	-
p-hsa-miR-85	novelmirna	chr16	173945	173967	-
hsa-miR-3620-3p	miRNA	chr1	2,28E+08	2,28E+08	+
hsa-miR-181b-2-3p	miRNA	chr9	1,25E+08	1,25E+08	+
hsa-miR-369-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-483-3p	miRNA	chr11	2134142	2134162	-
hsa-miR-9-5p	miRNA	chr15	89368032	89368054	+
hsa-miR-3607-5p	miRNA	chr5	86620508	86620529	+
hsa-miR-202-5p	miRNA	chr10	1,33E+08	1,33E+08	-
hsa-miR-2115-3p	miRNA	chr3	48316381	48316402	-
hsa-miR-4690-3p	miRNA	chr11	65636348	65636368	+
hsa-miR-4446-3p	miRNA	chr3	1,14E+08	1,14E+08	+
hsa-miR-6853-3p	miRNA	chr9	35732974	35732995	+
hsa-miR-3173-3p	miRNA	chr14	95137923	95137944	-
hsa-miR-6505-3p	miRNA	chr12	48132847	48132867	+
hsa-miR-1-3p	miRNA	chr20	62554351	62554372	+

p-hsa-miR-89	novelmirna	chr17	82300934	82300951	-
p-hsa-miR-337	novelmirna	chr1_K1270	6632	6654	+
hsa-miR-5585-5p	miRNA	chr1	32086949	32086970	+
hsa-miR-4435	miRNA	chr2	1,11E+08	1,11E+08	-
hsa-miR-6817-3p	miRNA	chr22	25455692	25455710	+
hsa-miR-3157-3p	miRNA	chr10	96064321	96064342	-
p-hsa-miR-1	novelmirna	chr8	98393667	98393688	-
hsa-miR-4482-5p	miRNA	chr10	1,04E+08	1,04E+08	-
hsa-miR-29a-5p	miRNA	chr7	1,31E+08	1,31E+08	-
hsa-miR-3195	miRNA	chr20	62064812	62064828	+
hsa-miR-570-3p	miRNA	chr3	1,96E+08	1,96E+08	+
hsa-miR-4707-3p	miRNA	chr14	22956957	22956978	-
hsa-miR-3199	miRNA	chr22	27920535	27920557	+
hsa-miR-4449	miRNA	chr4	52712720	52712741	+
hsa-miR-6747-3p	miRNA	chr11	62567011	62567031	-
hsa-miR-6513-5p	miRNA	chr2	2,18E+08	2,18E+08	-
hsa-miR-6854-5p	miRNA	chr9	98229189	98229212	-
hsa-miR-30a-3p	miRNA	chr6	71403554	71403575	-
hsa-miR-3174	miRNA	chr15	90006764	90006786	+
hsa-miR-1224-5p	miRNA	chr3	1,84E+08	1,84E+08	+
hsa-miR-505-3p	miRNA	chrX	1,4E+08	1,4E+08	-
hsa-miR-4687-5p	miRNA	chr11	3856073	3856094	+
hsa-miR-6891-3p	miRNA	chr6	31355228	31355248	-
hsa-miR-323a-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-1538	miRNA	chr16	69565808	69565830	-
hsa-miR-6733-3p	miRNA	chr1	43171652	43171671	-
p-hsa-miR-29	novelmirna	chr19	55225520	55225541	-
hsa-miR-6750-3p	miRNA	chr11	64898363	64898383	-
hsa-miR-487a-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-3192-5p	miRNA	chr20	18470624	18470646	+
hsa-miR-3691-5p	miRNA	chr6	5148286	5148308	-
hsa-miR-6798-3p	miRNA	chr19	49009952	49009972	+
hsa-miR-3128	miRNA	chr2	1,77E+08	1,77E+08	-
hsa-miR-186-3p	miRNA	chr1	71067642	71067663	-
hsa-miR-197-5p	miRNA	chr1	1,1E+08	1,1E+08	+
hsa-miR-6804-3p	miRNA	chr19	55230885	55230906	-
hsa-miR-8075	miRNA	chr13	1,13E+08	1,13E+08	+
p-hsa-miR-125	novelmirna	chr9	1,26E+08	1,26E+08	+
hsa-miR-6818-3p	miRNA	chr22	30007092	30007113	+
hsa-miR-3611	miRNA	chr10	35079609	35079629	-
hsa-miR-548ax	miRNA	chrX	11318656	11318677	-
hsa-miR-337-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-3614-5p	miRNA	chr17	56891319	56891341	-
hsa-miR-1291	miRNA	chr12	48654494	48654517	-
hsa-miR-210-5p	miRNA	chr11	568150	568171	-
p-hsa-miR-146	novelmirna	chr5	54908782	54908799	-
hsa-miR-6514-5p	miRNA	chr11	62792749	62792771	-
hsa-miR-6833-3p	miRNA	chr6	32179856	32179876	+
hsa-miR-6866-5p	miRNA	chr17	40161938	40161960	+
hsa-miR-6509-3p	miRNA	chr7	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-106a-3p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-2277-3p	miRNA	chr5	93620710	93620730	-
hsa-miR-627-3p	miRNA	chr15	42199593	42199612	-
hsa-miR-130a-5p	miRNA	chr11	57641218	57641239	+
hsa-let-7a-3p	miRNA	chr22	46112800	46112820	+
hsa-miR-1227-3p	miRNA	chr19	2234062	2234081	-

hsa-miR-671-5p	miRNA	chr7	1,51E+08	1,51E+08	+
hsa-miR-4532	miRNA	chr20	57895399	57895415	+
hsa-miR-4637	miRNA	chr5	14825932	14825953	-
hsa-miR-4466	miRNA	chr6	1,57E+08	1,57E+08	-
hsa-miR-374a-3p	miRNA	chrX	74287295	74287316	-
hsa-miR-1306-3p	miRNA	chr22	20086112	20086129	+
hsa-miR-376c-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-382-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6877-5p	miRNA	chr9	1,33E+08	1,33E+08	+
hsa-miR-4662a-5p	miRNA	chr8	1,25E+08	1,25E+08	+
hsa-miR-130b-5p	miRNA	chr22	21653316	21653336	+
hsa-miR-132-5p	miRNA	chr17	2049965	2049986	-
hsa-miR-539-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4757-3p	miRNA	chr2	19348476	19348497	+
hsa-miR-1255a	miRNA	chr4	1,01E+08	1,01E+08	-
hsa-miR-380-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-377-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-34a-5p	miRNA	chr1	9151735	9151756	-
hsa-miR-618	miRNA	chr12	80935796	80935818	-
hsa-miR-643	miRNA	chr19	52281857	52281878	+
hsa-miR-320b	miRNA	chr1	2,24E+08	2,24E+08	-
hsa-miR-708-3p	miRNA	chr11	79402032	79402053	-
hsa-miR-6882-5p	miRNA	chr15	74840681	74840702	-
hsa-miR-548a-3p	miRNA	chr13	1,14E+08	1,14E+08	+
hsa-miR-30a-5p	miRNA	chr6	71403595	71403616	-
hsa-miR-6734-3p	miRNA	chr1	43364648	43364670	-
hsa-miR-6830-3p	miRNA	chr5	1,32E+08	1,32E+08	-
hsa-miR-607	miRNA	chr10	96828684	96828704	-
hsa-miR-190a-3p	miRNA	chr15	62824008	62824028	+
hsa-miR-4753-3p	miRNA	chr1	2,35E+08	2,35E+08	-
hsa-miR-433-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4484	miRNA	chr10	1,26E+08	1,26E+08	+
hsa-miR-3142	miRNA	chr5	1,6E+08	1,6E+08	+
hsa-miR-8071	miRNA	chr14	1,06E+08	1,06E+08	+
p-hsa-miR-208	novelmirna	chr16	26874569	26874591	+
hsa-miR-4492	miRNA	chr11	1,19E+08	1,19E+08	+
hsa-miR-539-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6087	miRNA	chrX	1,09E+08	1,09E+08	+
hsa-miR-548l	miRNA	chr11	94466545	94466566	-
hsa-miR-4298	miRNA	chr11	1859505	1859526	-
hsa-miR-4785	miRNA	chr2	1,6E+08	1,6E+08	-
hsa-miR-92a-1-5p	miRNA	chr13	91351324	91351346	+
hsa-miR-4804-3p	miRNA	chr5	72878635	72878655	+
hsa-miR-6852-3p	miRNA	chr9	35710684	35710700	-
hsa-miR-758-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-491-5p	miRNA	chr9	20716120	20716141	+
hsa-miR-196a-5p	miRNA	chr12	53991762	53991783	+
hsa-miR-5003-3p	miRNA	chr5	1,73E+08	1,73E+08	+
hsa-miR-766-5p	miRNA	chrX	1,2E+08	1,2E+08	-
hsa-miR-3687	miRNA	chr21	8987404	8987427	+
hsa-miR-3928-3p	miRNA	chr22	31160062	31160083	-
hsa-miR-7847-3p	miRNA	chr11	1880105	1880125	+
p-hsa-miR-224	novelmirna	chr11	76436521	76436545	-
hsa-miR-28-3p	miRNA	chr3	1,89E+08	1,89E+08	+
hsa-miR-4443	miRNA	chr3	48196572	48196588	+
hsa-miR-7107-5p	miRNA	chr12	1,21E+08	1,21E+08	-

hsa-miR-4728-5p	miRNA	chr17	39726496	39726518	+
hsa-miR-652-5p	miRNA	chrX	1,1E+08	1,1E+08	+
hsa-miR-6733-5p	miRNA	chr1	43171686	43171707	-
hsa-miR-135a-5p	miRNA	chr12	97563834	97563856	+
hsa-miR-1307-5p	miRNA	chr10	1,03E+08	1,03E+08	-
hsa-miR-5693	miRNA	chr13	51348576	51348597	-
hsa-miR-612	miRNA	chr11	65444473	65444497	+
hsa-miR-6777-5p	miRNA	chr17	17813518	17813540	-
hsa-miR-4638-3p	miRNA	chr5	1,81E+08	1,81E+08	-
hsa-miR-3140-3p	miRNA	chr4	1,52E+08	1,52E+08	-
hsa-miR-6815-5p	miRNA	chr21	45478271	45478293	+
hsa-miR-376a-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6804-5p	miRNA	chr19	55230927	55230947	-
hsa-miR-6775-3p	miRNA	chr16	87834592	87834612	-
hsa-miR-10b-5p	miRNA	chr2	1,76E+08	1,76E+08	+
hsa-miR-6503-3p	miRNA	chr11	60209084	60209104	-
hsa-miR-5095	miRNA	chr1	52934936	52934956	+
hsa-miR-136-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-3146	miRNA	chr7	19705366	19705387	-
hsa-miR-5582-3p	miRNA	chr11	46753125	46753146	-
hsa-miR-577	miRNA	chr4	1,15E+08	1,15E+08	+
hsa-miR-5010-5p	miRNA	chr17	42514208	42514229	+
hsa-miR-6766-3p	miRNA	chr15	89326742	89326763	-
hsa-miR-4714-5p	miRNA	chr15	98784435	98784456	+
hsa-miR-5006-3p	miRNA	chr13	41568306	41568326	-
hsa-miR-6780a-5p	miRNA	chr17	42708124	42708146	-
hsa-miR-584-3p	miRNA	chr5	1,49E+08	1,49E+08	-
hsa-miR-376b-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-493-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-1254	miRNA	chr10	23393408	23393431	+
hsa-miR-2115-5p	miRNA	chr3	48316418	48316439	-
hsa-miR-6885-3p	miRNA	chr19	6389638	6389658	-
hsa-miR-4440	miRNA	chr2	2,39E+08	2,39E+08	-
hsa-miR-3651	miRNA	chr9	92292461	92292484	-
hsa-miR-4657	miRNA	chr7	44881778	44881800	-
hsa-miR-5706	miRNA	chr5	1,19E+08	1,19E+08	+
hsa-miR-6867-5p	miRNA	chr17	40193602	40193624	+
hsa-miR-193b-3p	miRNA	chr16	14304017	14304038	+
p-hsa-miR-90	novelmirna	chr11	76745548	76745569	-
hsa-miR-6783-5p	miRNA	chr17	44934655	44934676	-
hsa-miR-6799-3p	miRNA	chr19	49791912	49791934	+
p-hsa-miR-34	novelmirna	chr6	10722842	10722863	-
hsa-miR-4521	miRNA	chr17	8186948	8186969	+
hsa-miR-7155-3p	miRNA	chr11	64341849	64341867	-
hsa-miR-548an	miRNA	chrX	1,07E+08	1,07E+08	+
hsa-miR-1304-5p	miRNA	chr11	93733724	93733745	-
hsa-miR-6741-5p	miRNA	chr1	2,26E+08	2,26E+08	-
hsa-miR-92b-5p	miRNA	chr1	1,55E+08	1,55E+08	+
hsa-miR-1292-5p	miRNA	chr20	2652779	2652803	+
hsa-miR-1180-3p	miRNA	chr17	19344513	19344534	-
hsa-miR-1273g-5p	miRNA	chr1	52940339	52940360	+
hsa-miR-6741-3p	miRNA	chr1	2,26E+08	2,26E+08	-
hsa-miR-548aw	miRNA	chr9	1,33E+08	1,33E+08	+
hsa-miR-6786-3p	miRNA	chr17	81693844	81693866	+
hsa-miR-6783-3p	miRNA	chr17	44934618	44934639	-
hsa-miR-942-3p	miRNA	chr1	1,17E+08	1,17E+08	+

hsa-miR-762	miRNA	chr16	30893951	30893972	+
hsa-miR-548a-3p	miRNA	chr8	1,04E+08	1,04E+08	-
hsa-miR-548d-3p	miRNA	chr17	67471504	67471525	-
hsa-miR-4491	miRNA	chr11	1,11E+08	1,11E+08	+
hsa-miR-379-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-1255b-5p	miRNA	chr1	1,68E+08	1,68E+08	+
hsa-miR-655-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-449c-5p	miRNA	chr5	55172313	55172337	-
p-hsa-miR-317	novelmirna	chr17	75183156	75183173	+
hsa-miR-363-5p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-125b-5p	miRNA	chr21	16590253	16590274	+
hsa-miR-3124-5p	miRNA	chr1	2,49E+08	2,49E+08	+
hsa-miR-654-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6739-5p	miRNA	chr1	2,02E+08	2,02E+08	+
hsa-miR-548ay-3p	miRNA	chr3	32506305	32506326	-
hsa-miR-6805-3p	miRNA	chr19	55388220	55388242	+
hsa-miR-5087	miRNA	chr1	1,48E+08	1,48E+08	-
p-hsa-miR-200	novelmirna	chr7	78011578	78011596	-
hsa-miR-135b-5p	miRNA	chr1	2,05E+08	2,05E+08	-
hsa-miR-219b-5p	miRNA	chr9	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-3907	miRNA	chr7	1,51E+08	1,51E+08	-
hsa-miR-2392	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-487b-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6788-3p	miRNA	chr18	10759584	10759605	-
hsa-miR-215-3p	miRNA	chr1	2,2E+08	2,2E+08	-
hsa-miR-6717-5p	miRNA	chr14	21023355	21023376	-
hsa-miR-555	miRNA	chr1	1,55E+08	1,55E+08	-
hsa-miR-6775-5p	miRNA	chr16	87834631	87834655	-
hsa-miR-494-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4697-5p	miRNA	chr11	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-1266-5p	miRNA	chr15	52277166	52277188	-
hsa-miR-520d-5p	miRNA	chr19	53720111	53720130	+
hsa-miR-7844-5p	miRNA	chr12	94571306	94571327	-
p-hsa-miR-109	novelmirna	chrX	94731212	94731233	+
p-hsa-miR-160	novelmirna	chr5	1,8E+08	1,8E+08	+
hsa-miR-3169	miRNA	chr13	61199848	61199869	-
hsa-miR-6764-5p	miRNA	chr14	1E+08	1E+08	+
hsa-miR-4652-3p	miRNA	chr7	93716977	93716998	+
hsa-miR-4678	miRNA	chr10	87503890	87503911	+
hsa-miR-7110-3p	miRNA	chr3	1,23E+08	1,23E+08	+
hsa-miR-1260a	miRNA	chr14	77266231	77266248	+
hsa-miR-4760-5p	miRNA	chr21	40212401	40212422	-
hsa-miR-4434	miRNA	chr2	64525520	64525537	+
hsa-miR-378i	miRNA	chr22	41923271	41923291	-
hsa-miR-1233-5p	miRNA	chr15	34528347	34528368	-
hsa-miR-520d-3p	miRNA	chr19	53720149	53720170	+
hsa-miR-6859-5p	miRNA	chr16	17092	17114	-
hsa-miR-125b-2-3p	miRNA	chr21	16590290	16590311	+
hsa-miR-4307	miRNA	chr14	26908697	26908715	+
hsa-miR-6834-5p	miRNA	chr6	33290245	33290265	+
hsa-miR-5091	miRNA	chr4	13627875	13627897	+
hsa-miR-760	miRNA	chr1	93846880	93846899	+
hsa-miR-6860	miRNA	chr11	67045683	67045704	+
hsa-miR-6808-3p	miRNA	chr1	1339650	1339670	-
hsa-miR-1249-5p	miRNA	chr22	45200993	45201016	-
hsa-miR-663b	miRNA	chr2	1,32E+08	1,32E+08	-

hsa-miR-7848-3p	miRNA	chr8	1,33E+08	1,33E+08	-
hsa-miR-943	miRNA	chr4	1986403	1986423	-
hsa-miR-424-3p	miRNA	chrX	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-769-3p	miRNA	chr19	46019000	46019022	+
hsa-miR-548j-5p	miRNA	chr22	26555274	26555295	-
hsa-miR-490-3p	miRNA	chr7	1,37E+08	1,37E+08	+
hsa-miR-6760-3p	miRNA	chr12	1,11E+08	1,11E+08	+
hsa-miR-6730-3p	miRNA	chr1	12578958	12578979	-
hsa-miR-561-5p	miRNA	chr2	1,88E+08	1,88E+08	+
hsa-miR-3944-5p	miRNA	chr10	1,33E+08	1,33E+08	-
hsa-miR-4795-5p	miRNA	chr3	87226240	87226260	-
hsa-miR-6510-5p	miRNA	chr17	41517194	41517215	-
hsa-miR-6797-5p	miRNA	chr19	41869632	41869656	+
hsa-miR-608	miRNA	chr10	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4479	miRNA	chr9	1,37E+08	1,37E+08	+
hsa-miR-3674	miRNA	chr8	1801133	1801154	+
hsa-miR-877-5p	miRNA	chr6	30584332	30584351	+
hsa-miR-99b-3p	miRNA	chr19	51692656	51692677	+
hsa-miR-3684	miRNA	chr4	98997434	98997454	+
hsa-miR-452-5p	miRNA	chrX	1,52E+08	1,52E+08	-
hsa-miR-6833-5p	miRNA	chr6	32179821	32179842	+
hsa-miR-5092	miRNA	chr3	1,25E+08	1,25E+08	-
p-hsa-miR-104	novelmirna	chr17_GLO	85977	85998	+
hsa-miR-1185-1-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-1908-5p	miRNA	chr11	61815209	61815229	-
hsa-miR-4493	miRNA	chr11	1,23E+08	1,23E+08	-
p-hsa-miR-202	novelmirna	chr12	67822458	67822475	-
hsa-miR-3667-5p	miRNA	chr22	49543437	49543458	-
hsa-miR-495-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4467	miRNA	chr7	1,02E+08	1,02E+08	+
hsa-miR-19b-3p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
p-hsa-miR-106	novelmirna	chrX	43277869	43277886	+
hsa-miR-4458	miRNA	chr5	8460933	8460951	+
hsa-miR-128-1-5p	miRNA	chr2	1,36E+08	1,36E+08	+
hsa-miR-4742-5p	miRNA	chr1	2,24E+08	2,24E+08	-
hsa-miR-2861	miRNA	chr9	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-6781-3p	miRNA	chr17	42823880	42823901	-
p-hsa-miR-230	novelmirna	chr2	2,28E+08	2,28E+08	+
hsa-miR-1911-3p	miRNA	chrX	1,15E+08	1,15E+08	+
hsa-miR-548q	miRNA	chr10	12725325	12725346	-
hsa-miR-7152-3p	miRNA	chr10	71790781	71790800	+
hsa-miR-337-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-3177-3p	miRNA	chr16	1735038	1735058	+
hsa-miR-1284	miRNA	chr3	71542039	71542060	-
hsa-miR-1273c	miRNA	chr6	1,55E+08	1,55E+08	+
hsa-miR-185-3p	miRNA	chr22	20033188	20033209	+
hsa-miR-579-5p	miRNA	chr5	32394430	32394451	-
p-hsa-miR-173	novelmirna	chr6	13815412	13815434	+
hsa-miR-139-3p	miRNA	chr11	72615066	72615088	-
hsa-miR-873-5p	miRNA	chr9	28888925	28888945	-
hsa-miR-505-5p	miRNA	chrX	1,4E+08	1,4E+08	-
p-hsa-miR-88	novelmirna	chr22	39994798	39994819	-
hsa-miR-616-3p	miRNA	chr12	57519183	57519204	-
hsa-miR-708-5p	miRNA	chr11	79402077	79402099	-
hsa-miR-30b-3p	miRNA	chr8	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-6721-5p	miRNA	chr6	32170084	32170106	-

hsa-miR-329-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-3202	miRNA	chrX	1,54E+08	1,54E+08	-
hsa-miR-6791-3p	miRNA	chr19	6736712	6736732	-
hsa-miR-7855-5p	miRNA	chr14	64785663	64785684	-
p-hsa-miR-15	novelmirna	chr17	7306866	7306888	-
hsa-miR-377-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-340-3p	miRNA	chr5	1,8E+08	1,8E+08	-
hsa-miR-548ac	miRNA	chr1	1,17E+08	1,17E+08	-
hsa-miR-542-5p	miRNA	chrX	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-3187-3p	miRNA	chr19	813627	813646	+
hsa-miR-548b-5p	miRNA	chr6	1,19E+08	1,19E+08	-
p-hsa-miR-123	novelmirna	chr1	2,08E+08	2,08E+08	-
hsa-miR-7155-5p	miRNA	chr11	64341886	64341904	-
hsa-miR-4489	miRNA	chr11	65649197	65649217	+
hsa-miR-3175	miRNA	chr15	92904408	92904429	+
hsa-miR-6880-3p	miRNA	chr12	1,24E+08	1,24E+08	-
hsa-miR-494-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-3675-5p	miRNA	chr1	16858988	16859010	-
hsa-miR-1281	miRNA	chr22	41092545	41092561	+
p-hsa-miR-182	novelmirna	chr10	1,13E+08	1,13E+08	-
hsa-miR-375	miRNA	chr2	2,19E+08	2,19E+08	-
hsa-miR-3662	miRNA	chr6	1,35E+08	1,35E+08	-
p-hsa-miR-143	novelmirna	chr14_K127	374962	374982	+
hsa-miR-4731-5p	miRNA	chr17	15251666	15251687	-
p-hsa-miR-122	novelmirna	chr1	1,61E+08	1,61E+08	-
p-hsa-miR-57	novelmirna	chr20	4763812	4763834	-
p-hsa-miR-222	novelmirna	chr14_K127	333330	333353	-
hsa-miR-3178	miRNA	chr16	2531979	2531995	-
hsa-miR-4646-5p	miRNA	chr6	31701070	31701091	-
hsa-miR-127-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-758-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-5698	miRNA	chr1	1,54E+08	1,54E+08	-
hsa-miR-559	miRNA	chr2	47377690	47377710	+
hsa-miR-6125	miRNA	chr12	62260418	62260437	+
hsa-miR-4783-3p	miRNA	chr2	1,27E+08	1,27E+08	-
hsa-miR-2114-3p	miRNA	chrX	1,5E+08	1,5E+08	+
hsa-miR-144-3p	miRNA	chr17	28861548	28861567	-
hsa-miR-1469	miRNA	chr15	96333261	96333282	+
hsa-miR-206	miRNA	chr6	52144401	52144422	+
p-hsa-miR-84	novelmirna	chr16	180208	180228	+
hsa-miR-3922-5p	miRNA	chr12	1,05E+08	1,05E+08	+
p-hsa-miR-74	novelmirna	chr5	32314109	32314128	+
hsa-miR-3691-3p	miRNA	chr6	5148246	5148267	-
hsa-miR-8085	miRNA	chr19	44758667	44758687	+
hsa-miR-4710	miRNA	chr14	1,05E+08	1,05E+08	-
hsa-miR-6876-5p	miRNA	chr8	25345407	25345428	+
p-hsa-miR-267	novelmirna	chr8	1,3E+08	1,3E+08	+
hsa-miR-6840-5p	miRNA	chr7	1E+08	1E+08	+
p-hsa-miR-145	novelmirna	chr6	10722884	10722904	+
hsa-miR-371b-3p	miRNA	chr19	53787678	53787700	-
p-hsa-miR-68	novelmirna	chr8	96358736	96358756	+
hsa-miR-3186-5p	miRNA	chr17	81451152	81451173	-
hsa-miR-5001-5p	miRNA	chr2	2,33E+08	2,33E+08	-
hsa-miR-615-5p	miRNA	chr12	54033967	54033988	+
hsa-miR-500b-3p	miRNA	chrX	50010722	50010741	+
hsa-miR-1247-5p	miRNA	chr14	1,02E+08	1,02E+08	-

<b>p-hsa-miR-91</b>	novelmirna	chr17	7306833	7306853	-
<b>hsa-miR-7702</b>	miRNA	chr9	1,11E+08	1,11E+08	-
<b>p-hsa-miR-79</b>	novelmirna	chr17	28863019	28863039	+
<b>p-hsa-miR-315</b>	novelmirna	chr22	40652100	40652120	+
<b>hsa-miR-4779</b>	miRNA	chr2	86193037	86193058	-
<b>hsa-miR-182-3p</b>	miRNA	chr7	1,3E+08	1,3E+08	-
<b>hsa-miR-3944-3p</b>	miRNA	chr10	1,33E+08	1,33E+08	-
<b>hsa-miR-4506</b>	miRNA	chr14	93948233	93948252	-
<b>p-hsa-miR-149</b>	novelmirna	chr15	57316657	57316678	+
<b>hsa-miR-5697</b>	miRNA	chr1	9967390	9967411	+
<b>hsa-miR-3617-5p</b>	miRNA	chr20	45705150	45705171	-
<b>hsa-miR-6875-3p</b>	miRNA	chr7	1,01E+08	1,01E+08	+
<b>hsa-miR-3170</b>	miRNA	chr13	98208533	98208554	+
<b>hsa-miR-4800-3p</b>	miRNA	chr4	2250091	2250109	-
<b>hsa-miR-4667-3p</b>	miRNA	chr9	35608139	35608159	+
<b>hsa-miR-299-5p</b>	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
<b>p-hsa-miR-319</b>	novelmirna	chr10	71962614	71962634	-
<b>hsa-miR-1909-3p</b>	miRNA	chr19	1816169	1816190	-
<b>hsa-miR-6882-3p</b>	miRNA	chr15	74840642	74840665	-
<b>p-hsa-miR-25</b>	novelmirna	chr17	77679376	77679396	+
<b>hsa-miR-4999-5p</b>	miRNA	chr19	8389340	8389360	-
<b>hsa-miR-3187-5p</b>	miRNA	chr19	813590	813612	+
<b>p-hsa-miR-303</b>	novelmirna	chr11	3841759	3841780	+
<b>hsa-miR-1197</b>	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
<b>hsa-miR-4666a-5p</b>	miRNA	chr1	2,28E+08	2,28E+08	+
<b>hsa-miR-5188</b>	miRNA	chr12	1,25E+08	1,25E+08	+
<b>hsa-miR-184</b>	miRNA	chr15	79209840	79209861	+
<b>hsa-miR-496</b>	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
<b>p-hsa-miR-323</b>	novelmirna	chr9	1,16E+08	1,16E+08	-
<b>hsa-miR-4766-5p</b>	miRNA	chr22	40813927	40813947	-
<b>hsa-miR-548ba</b>	miRNA	chr2	49059603	49059624	+
<b>hsa-miR-6879-5p</b>	miRNA	chr11	65018510	65018531	+
<b>hsa-miR-4535</b>	miRNA	chr22	48780331	48780347	+
<b>hsa-miR-4300</b>	miRNA	chr11	81890751	81890768	-
<b>p-hsa-miR-261</b>	novelmirna	chr18	57589390	57589410	+
<b>hsa-miR-1537-5p</b>	miRNA	chr1	2,36E+08	2,36E+08	-
<b>hsa-miR-4729</b>	miRNA	chr17	59366092	59366113	+
<b>hsa-miR-6764-3p</b>	miRNA	chr14	1E+08	1E+08	+
<b>hsa-miR-4762-5p</b>	miRNA	chr22	45760532	45760552	+
<b>hsa-miR-668-3p</b>	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
<b>hsa-miR-2116-5p</b>	miRNA	chr15	59171229	59171249	-
<b>hsa-miR-3943</b>	miRNA	chr7	43150917	43150939	+
<b>hsa-miR-4522</b>	miRNA	chr17	27293922	27293942	-
<b>hsa-miR-5685</b>	miRNA	chr6	53277002	53277023	+
<b>hsa-miR-676-5p</b>	miRNA	chrX	70022864	70022884	+
<b>p-hsa-miR-94</b>	novelmirna	chr2	9555807	9555828	-
<b>p-hsa-miR-199</b>	novelmirna	chr10	31731331	31731352	+
<b>hsa-miR-3125</b>	miRNA	chr2	12737376	12737395	+
<b>hsa-miR-4520-2-3p</b>	miRNA	chr17	6655481	6655502	+
<b>hsa-miR-548s</b>	miRNA	chr2	11767495	11767517	+
<b>hsa-miR-371a-3p</b>	miRNA	chr19	53787716	53787738	+
<b>hsa-miR-412-3p</b>	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
<b>hsa-miR-4421</b>	miRNA	chr1	51059879	51059900	+
<b>hsa-miR-4675</b>	miRNA	chr10	20552015	20552036	+
<b>hsa-miR-548bb-3p</b>	miRNA	chr3	60617815	60617836	-
<b>hsa-miR-6507-5p</b>	miRNA	chr10	98924543	98924563	-

hsa-miR-6877-3p	miRNA	chr9	1,33E+08	1,33E+08	+
hsa-miR-4783-5p	miRNA	chr2	1,27E+08	1,27E+08	-
hsa-miR-4312	miRNA	chr15	68801860	68801878	-
hsa-miR-7850-5p	miRNA	chr19	2630723	2630743	+
hsa-miR-4745-5p	miRNA	chr19	804941	804963	+
hsa-miR-3165	miRNA	chr11	72072272	72072293	-
hsa-miR-346	miRNA	chr10	86264747	86264769	-
hsa-miR-6075	miRNA	chr5	1510767	1510787	-
hsa-miR-6788-5p	miRNA	chr18	10759624	10759644	-
p-hsa-miR-329	novelmirna	chr2	1,56E+08	1,56E+08	-
hsa-miR-4442	miRNA	chr3	25664875	25664891	-
hsa-miR-3912-5p	miRNA	chr5	1,71E+08	1,71E+08	-
hsa-miR-6763-5p	miRNA	chr12	1,33E+08	1,33E+08	+
p-hsa-miR-331	novelmirna	chr14	1,05E+08	1,05E+08	+
hsa-miR-6772-5p	miRNA	chr16	57772326	57772347	-
hsa-miR-4690-5p	miRNA	chr11	65636310	65636331	+
hsa-miR-6786-5p	miRNA	chr17	81693809	81693829	+
hsa-miR-3682-3p	miRNA	chr2	53849136	53849156	-
hsa-miR-7845-5p	miRNA	chr2	2,07E+08	2,07E+08	+
hsa-miR-3135b	miRNA	chr6	32749952	32749973	-
hsa-miR-4662a-3p	miRNA	chr8	1,25E+08	1,25E+08	+
hsa-miR-6758-3p	miRNA	chr12	57512731	57512750	+
hsa-miR-6763-3p	miRNA	chr12	1,33E+08	1,33E+08	+
hsa-miR-124-3p	miRNA	chr20	63178552	63178571	+
hsa-miR-6843-3p	miRNA	chr8	27610601	27610621	-
hsa-miR-2682-3p	miRNA	chr1	98045271	98045292	-
hsa-miR-3159	miRNA	chr11	18387796	18387817	+
hsa-miR-8081	miRNA	chr9	1,07E+08	1,07E+08	+
hsa-miR-921	miRNA	chr1	1,66E+08	1,66E+08	-
hsa-miR-34c-3p	miRNA	chr11	1,12E+08	1,12E+08	+
hsa-miR-5696	miRNA	chr2	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4321	miRNA	chr19	2250688	2250708	+
hsa-miR-3145-5p	miRNA	chr6	1,38E+08	1,38E+08	-
hsa-miR-5584-5p	miRNA	chr1	44545493	44545514	+
hsa-miR-508-3p	miRNA	chrX	1,47E+08	1,47E+08	-
hsa-miR-4436a	miRNA	chr2	88812425	88812445	+
hsa-miR-4739	miRNA	chr17	79707216	79707240	-
hsa-miR-5589-5p	miRNA	chr19	10038354	10038374	+
hsa-miR-4320	miRNA	chr18	50126509	50126526	-
hsa-miR-873-3p	miRNA	chr9	28888889	28888910	-
p-hsa-miR-181	novelmirna	chr2	76187762	76187783	+
hsa-miR-3972	miRNA	chr1	17277948	17277969	+
hsa-miR-600	miRNA	chr9	1,23E+08	1,23E+08	-
hsa-miR-6780b-5p	miRNA	chr6	43434547	43434569	+
hsa-miR-4518	miRNA	chr16	30503968	30503993	+
hsa-miR-4708-5p	miRNA	chr14	65335155	65335175	-
hsa-miR-5002-5p	miRNA	chr3	1,24E+08	1,24E+08	+
hsa-miR-512-3p	miRNA	chr19	53669213	53669234	+
hsa-miR-6767-3p	miRNA	chr16	2445436	2445457	+
p-hsa-miR-165	novelmirna	chr2	1,76E+08	1,76E+08	+
p-hsa-miR-314	novelmirna	chr17_K127	2621322	2621343	-
hsa-miR-2114-5p	miRNA	chrX	1,5E+08	1,5E+08	+
hsa-miR-4632-3p	miRNA	chr1	12191752	12191773	+
hsa-miR-5088-5p	miRNA	chr19	49682122	49682145	+
p-hsa-miR-80	novelmirna	chr9	87796962	87796982	-
hsa-miR-4668-3p	miRNA	chr9	1,12E+08	1,12E+08	+

hsa-miR-3154	miRNA	chr9	1,28E+08	1,28E+08	-
hsa-miR-4747-3p	miRNA	chr19	4932719	4932740	+
hsa-miR-6069	miRNA	chr22	35336768	35336788	-
hsa-miR-4499	miRNA	chr13	20433830	20433846	-
hsa-miR-4769-3p	miRNA	chrX	47587476	47587497	+
p-hsa-miR-62	novelmirna	chr6	14137007	14137029	+
hsa-miR-3926	miRNA	chr8	12727242	12727262	+
hsa-miR-6765-3p	miRNA	chr14	1,05E+08	1,05E+08	-
hsa-miR-6892-5p	miRNA	chr7	1,43E+08	1,43E+08	+
p-hsa-miR-107	novelmirna	chr1	1,58E+08	1,58E+08	+
hsa-miR-4437	miRNA	chr2	1,81E+08	1,81E+08	-
hsa-miR-6828-5p	miRNA	chr3	1,7E+08	1,7E+08	+
p-hsa-miR-316	novelmirna	chr3	1,9E+08	1,9E+08	+
hsa-miR-455-5p	miRNA	chr9	1,14E+08	1,14E+08	+
hsa-miR-4773	miRNA	chr2	1,51E+08	1,51E+08	-
hsa-miR-6792-5p	miRNA	chr19	7617439	7617459	+
p-hsa-miR-240	novelmirna	chr8	80894029	80894050	+
p-hsa-miR-61	novelmirna	chr14_K127	355123	355145	-
hsa-miR-892c-5p	miRNA	chrX	1,46E+08	1,46E+08	-
hsa-miR-6505-5p	miRNA	chr12	48132800	48132821	+
hsa-miR-3648	miRNA	chr21	8987026	8987046	+
hsa-miR-1914-3p	miRNA	chr20	63941474	63941495	-
hsa-miR-3197	miRNA	chr21	41167564	41167586	+
hsa-miR-520f-5p	miRNA	chr19	53682173	53682194	+
hsa-miR-523-3p	miRNA	chr19	53698437	53698459	+
hsa-miR-548ar-5p	miRNA	chr13	1,14E+08	1,14E+08	+
hsa-miR-6068	miRNA	chr1	63326964	63326984	-
hsa-miR-6794-5p	miRNA	chr19	12852265	12852284	+
hsa-miR-6816-5p	miRNA	chr22	20114726	20114746	-
hsa-miR-6850-3p	miRNA	chr8	1,45E+08	1,45E+08	-
p-hsa-miR-239	novelmirna	chr9	18438312	18438330	-
hsa-miR-6851-3p	miRNA	chr9	33467869	33467889	-
hsa-miR-4667-5p	miRNA	chr9	35608096	35608117	+
hsa-miR-6740-3p	miRNA	chr1	2,02E+08	2,02E+08	+
hsa-miR-373-5p	miRNA	chr19	53788710	53788731	+
hsa-miR-553	miRNA	chr1	1E+08	1E+08	+
hsa-miR-6506-3p	miRNA	chr16	15611031	15611052	-
p-hsa-miR-96	novelmirna	chr9	87796926	87796945	-
hsa-miR-3622a-3p	miRNA	chr8	27701726	27701747	+
hsa-miR-3166	miRNA	chr11	88176561	88176583	+
hsa-miR-4669	miRNA	chr9	1,34E+08	1,34E+08	+
hsa-miR-1910-5p	miRNA	chr16	85741669	85741689	-
hsa-miR-1913	miRNA	chr6	1,67E+08	1,67E+08	-
hsa-miR-3660	miRNA	chr5	90016641	90016661	-
hsa-miR-4474-5p	miRNA	chr9	20502310	20502330	-
hsa-miR-449b-3p	miRNA	chr5	55170667	55170688	-
hsa-miR-4797-3p	miRNA	chr3	1,97E+08	1,97E+08	-
hsa-miR-573	miRNA	chr4	24520252	24520275	-
hsa-miR-602	miRNA	chr9	1,38E+08	1,38E+08	+
hsa-miR-6077	miRNA	chr1	1,48E+08	1,48E+08	+
hsa-miR-6129	miRNA	chr17	49288416	49288434	-
hsa-miR-649	miRNA	chr22	21034191	21034212	-
hsa-miR-6760-5p	miRNA	chr12	1,11E+08	1,11E+08	+
hsa-miR-6766-5p	miRNA	chr15	89326782	89326805	-
hsa-miR-936	miRNA	chr10	1,04E+08	1,04E+08	-
p-hsa-miR-147	novelmirna	chr16_K127	35107	35130	+

p-hsa-miR-295	novelmirna	chr10	81146311	81146331	+
p-hsa-miR-59	novelmirna	chr3	52254148	52254170	+
hsa-miR-6770-5p	miRNA	chr16	18379382	18379405	-
hsa-miR-509-3-5p	miRNA	chrX	1,47E+08	1,47E+08	-
hsa-miR-3136-3p	miRNA	chr3	69048966	69048987	-
hsa-miR-6801-3p	miRNA	chr19	52222074	52222093	+
hsa-miR-6511a-5p	miRNA	chr16	18344053	18344075	-
hsa-miR-4654	miRNA	chr1	1,62E+08	1,62E+08	+
hsa-miR-7109-5p	miRNA	chr22	31621506	31621526	-
hsa-miR-410-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6793-5p	miRNA	chr19	10828978	10828999	+
hsa-miR-3621	miRNA	chr9	1,37E+08	1,37E+08	-
hsa-miR-149-5p	miRNA	chr2	2,4E+08	2,4E+08	+
hsa-miR-198	miRNA	chr3	1,2E+08	1,2E+08	-
hsa-miR-3121-5p	miRNA	chr1	1,8E+08	1,8E+08	-
hsa-miR-3150b-3p	miRNA	chr8	95072924	95072944	-
hsa-miR-3666	miRNA	chr7	1,15E+08	1,15E+08	+
hsa-miR-3685	miRNA	chr12	95309928	95309949	+
hsa-miR-378e	miRNA	chr5	1,7E+08	1,7E+08	+
hsa-miR-3935	miRNA	chr16	56245577	56245598	+
hsa-miR-4283	miRNA	chr7	63621100	63621116	+
hsa-miR-4453	miRNA	chr4	1,53E+08	1,53E+08	+
hsa-miR-4699-3p	miRNA	chr12	81158433	81158454	+
hsa-miR-4724-5p	miRNA	chr17	31534893	31534915	+
hsa-miR-4754	miRNA	chr19	58386827	58386849	-
hsa-miR-4786-3p	miRNA	chr2	2,4E+08	2,4E+08	-
hsa-miR-4798-3p	miRNA	chr4	7310496	7310517	+
hsa-miR-514b-3p	miRNA	chrX	1,47E+08	1,47E+08	-
hsa-miR-5694	miRNA	chr14	67441902	67441922	-
hsa-miR-6081	miRNA	chr9	95065406	95065429	+
hsa-miR-6086	miRNA	chrX	13590293	13590312	+
hsa-miR-614	miRNA	chr12	12915882	12915904	+
hsa-miR-6871-3p	miRNA	chr20	41169057	41169078	+
hsa-miR-888-5p	miRNA	chrX	1,46E+08	1,46E+08	-
p-hsa-miR-111	novelmirna	chr22	47512876	47512894	+
p-hsa-miR-328	novelmirna	chr7	1668014	1668036	+
hsa-miR-211-5p	miRNA	chr15	31065095	31065116	-
hsa-miR-6784-3p	miRNA	chr17	45114367	45114388	-
hsa-miR-1324	miRNA	chr3	75630823	75630846	+
hsa-miR-568	miRNA	chr3	1,14E+08	1,14E+08	-
hsa-miR-656-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6811-5p	miRNA	chr2	2,38E+08	2,38E+08	+
hsa-miR-8057	miRNA	chr18	26591505	26591525	-
hsa-miR-3150a-5p	miRNA	chr8	95072925	95072946	+
hsa-miR-4301	miRNA	chr11	1,13E+08	1,13E+08	-
hsa-miR-1251-5p	miRNA	chr12	97491913	97491933	+
hsa-miR-1262	miRNA	chr1	68183576	68183597	-
hsa-miR-1322	miRNA	chr8	10825375	10825393	-
hsa-miR-196a-3p	miRNA	chr12	53991799	53991820	+
hsa-miR-208b-3p	miRNA	chr14	23417997	23418018	-
hsa-miR-218-1-3p	miRNA	chr4	20528342	20528363	+
hsa-miR-302d-3p	miRNA	chr4	1,13E+08	1,13E+08	-
hsa-miR-3144-3p	miRNA	chr6	1,2E+08	1,2E+08	+
hsa-miR-3160-5p	miRNA	chr11	46451817	46451838	+
hsa-miR-3162-3p	miRNA	chr11	59595087	59595107	-
hsa-miR-3610	miRNA	chr8	1,17E+08	1,17E+08	-

hsa-miR-371b-5p	miRNA	chr19	53787715	53787736	-
hsa-miR-4257	miRNA	chr1	1,51E+08	1,51E+08	+
hsa-miR-4269	miRNA	chr2	2,39E+08	2,39E+08	+
hsa-miR-4304	miRNA	chr12	1,23E+08	1,23E+08	-
hsa-miR-4445-5p	miRNA	chr3	1,1E+08	1,1E+08	+
hsa-miR-4475	miRNA	chr9	36823542	36823563	-
hsa-miR-4477a	miRNA	chr9	41233802	41233823	+
hsa-miR-450b-3p	miRNA	chrX	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-4515	miRNA	chr15	83067349	83067370	+
hsa-miR-4528	miRNA	chr18	53237156	53237177	+
hsa-miR-4534	miRNA	chr22	37988829	37988845	+
hsa-miR-4663	miRNA	chr8	1,23E+08	1,23E+08	-
hsa-miR-4709-5p	miRNA	chr14	74480175	74480196	-
hsa-miR-4765	miRNA	chr2	32635300	32635321	+
hsa-miR-4776-3p	miRNA	chr2	2,13E+08	2,13E+08	-
hsa-miR-4786-5p	miRNA	chr2	2,4E+08	2,4E+08	-
hsa-miR-541-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-548ad-3p	miRNA	chr2	35471453	35471474	+
hsa-miR-548ao-5p	miRNA	chr8	41271102	41271123	-
hsa-miR-5586-3p	miRNA	chr14	59646962	59646983	-
hsa-miR-588	miRNA	chr6	1,26E+08	1,26E+08	+
hsa-miR-592	miRNA	chr7	1,27E+08	1,27E+08	-
hsa-miR-595	miRNA	chr7	1,59E+08	1,59E+08	-
hsa-miR-596	miRNA	chr8	1817246	1817266	+
hsa-miR-6076	miRNA	chr14	49966399	49966419	+
hsa-miR-6132	miRNA	chr7	1,17E+08	1,17E+08	+
hsa-miR-620	miRNA	chr12	1,16E+08	1,16E+08	-
hsa-miR-670-5p	miRNA	chr11	43559675	43559694	+
hsa-miR-6737-5p	miRNA	chr1	1,54E+08	1,54E+08	-
hsa-miR-6827-3p	miRNA	chr3	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-6887-5p	miRNA	chr19	35122705	35122727	+
hsa-miR-7703	miRNA	chr14	24143489	24143511	-
p-hsa-miR-144	novelmirna	chr17	43331922	43331945	+
p-hsa-miR-234	novelmirna	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
p-hsa-miR-274	novelmirna	chr21	43762335	43762357	+
p-hsa-miR-281	novelmirna	chr19	47850102	47850120	-
p-hsa-miR-298	novelmirna	chr1	12541956	12541977	+
p-hsa-miR-322	novelmirna	chr9	29989436	29989453	-
p-hsa-miR-33	novelmirna	chr19	29923136	29923156	-
p-hsa-miR-39	novelmirna	chr7	1,43E+08	1,43E+08	+
p-hsa-miR-50	novelmirna	chr2	2,29E+08	2,29E+08	-
hsa-miR-6809-5p	miRNA	chr2	2,18E+08	2,18E+08	-
p-hsa-miR-196	novelmirna	chr22	25257858	25257881	+
hsa-miR-6752-3p	miRNA	chr11	67490295	67490315	+
hsa-miR-125a-3p	miRNA	chr19	51693306	51693327	+
hsa-miR-3667-3p	miRNA	chr22	49543401	49543422	-
hsa-miR-7113-3p	miRNA	chr11	68032900	68032922	+
hsa-miR-6802-5p	miRNA	chr19	55239952	55239971	-
hsa-miR-95-5p	miRNA	chr4	8005347	8005367	-
hsa-miR-5006-5p	miRNA	chr13	41568355	41568375	-
hsa-miR-4505	miRNA	chr14	73758749	73758766	+
hsa-miR-6515-5p	miRNA	chr19	12940486	12940506	+
hsa-miR-4757-5p	miRNA	chr2	19348439	19348461	+
hsa-miR-6779-3p	miRNA	chr17	38915017	38915037	+
hsa-miR-6730-5p	miRNA	chr1	12578996	12579018	-
hsa-miR-422a	miRNA	chr15	63870989	63871010	-

hsa-miR-329-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-7106-5p	miRNA	chr12	1,13E+08	1,13E+08	-
hsa-miR-3922-3p	miRNA	chr12	1,05E+08	1,05E+08	+
hsa-miR-3153	miRNA	chr9	89312274	89312296	+
hsa-miR-4317	miRNA	chr18	6374399	6374415	-
hsa-miR-1276	miRNA	chr15	85770548	85770567	-
hsa-miR-1292-3p	miRNA	chr20	2652819	2652838	+
hsa-miR-3130-5p	miRNA	chr2	2,07E+08	2,07E+08	+
hsa-miR-4306	miRNA	chr13	99643123	99643139	+
hsa-miR-597-3p	miRNA	chr8	9741729	9741751	+
hsa-miR-6078	miRNA	chr10	3991178	3991196	+
hsa-miR-6820-5p	miRNA	chr22	37967568	37967586	+
p-hsa-miR-244	novelmirna	chr6	836193	836215	+
p-hsa-miR-260	novelmirna	chr6	5773674	5773694	+
p-hsa-miR-69	novelmirna	chr17	19979440	19979461	+
hsa-miR-133a-3p	miRNA	chr20	62564970	62564991	+
hsa-miR-890	miRNA	chrX	1,46E+08	1,46E+08	-
hsa-miR-4655-5p	miRNA	chr7	1844223	1844244	-
hsa-miR-7843-5p	miRNA	chr14	72516831	72516852	+
hsa-miR-891a-5p	miRNA	chrX	1,46E+08	1,46E+08	-
hsa-miR-3677-5p	miRNA	chr16	2270715	2270736	+
hsa-miR-4417	miRNA	chr1	5564082	5564099	+
hsa-miR-513c-5p	miRNA	chrX	1,47E+08	1,47E+08	-
hsa-miR-4288	miRNA	chr8	28505126	28505142	-
p-hsa-miR-286	novelmirna	chr1	1,59E+08	1,59E+08	+
hsa-miR-1231	miRNA	chr1	2,02E+08	2,02E+08	+
hsa-miR-216a-3p	miRNA	chr2	55988981	55989002	-
hsa-miR-3672	miRNA	chrX	1,21E+08	1,21E+08	+
hsa-miR-4452	miRNA	chr4	86542485	86542507	-
hsa-miR-586	miRNA	chr6	45197734	45197755	-
hsa-miR-609	miRNA	chr10	1,04E+08	1,04E+08	-
hsa-miR-6769a-5p	miRNA	chr16	4671323	4671343	+
hsa-miR-3183	miRNA	chr17	1022529	1022550	-
hsa-miR-4697-3p	miRNA	chr11	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-4797-5p	miRNA	chr3	1,97E+08	1,97E+08	-
p-hsa-miR-83	novelmirna	chr2	64763720	64763741	+
hsa-miR-381-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-1258	miRNA	chr2	1,8E+08	1,8E+08	-
hsa-miR-4423-5p	miRNA	chr1	85133806	85133827	+
hsa-miR-4764-5p	miRNA	chr22	33436640	33436660	-
hsa-miR-5009-3p	miRNA	chr15	89883949	89883970	-
hsa-miR-611	miRNA	chr11	61792500	61792522	-
hsa-miR-6848-3p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-5688	miRNA	chr3	85385761	85385782	+
hsa-miR-3659	miRNA	chr1	38089289	38089309	+
hsa-miR-3936	miRNA	chr5	1,32E+08	1,32E+08	-
hsa-miR-4462	miRNA	chr6	37555366	37555388	-
hsa-miR-4703-5p	miRNA	chr13	51552599	51552621	+
hsa-miR-6134	miRNA	chrX	28495575	28495593	-
hsa-miR-622	miRNA	chr13	90231242	90231262	+
hsa-miR-8066	miRNA	chr4	1,01E+08	1,01E+08	-
hsa-miR-885-3p	miRNA	chr3	10394499	10394520	-
p-hsa-miR-36	novelmirna	chr8_K127C	102413	102436	+
hsa-miR-519d-3p	miRNA	chr19	53713400	53713421	+
hsa-miR-376a-2-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6761-3p	miRNA	chr12	1,12E+08	1,12E+08	+

hsa-miR-378g	miRNA	chr1	94745880	94745899	-
p-hsa-miR-279	novelmirna	chr14	31208907	31208929	+
hsa-miR-152-5p	miRNA	chr17	48037210	48037232	-
hsa-miR-1207-5p	miRNA	chr8	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-431-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6768-5p	miRNA	chr16	2463972	2463994	+
hsa-miR-3618	miRNA	chr22	20085797	20085818	+
hsa-miR-34c-5p	miRNA	chr11	1,12E+08	1,12E+08	+
p-hsa-miR-265	novelmirna	chr7	1,01E+08	1,01E+08	-
p-hsa-miR-86	novelmirna	chr8	42052337	42052357	-
hsa-miR-7112-5p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-4727-3p	miRNA	chr17	38825871	38825892	+
hsa-miR-6895-3p	miRNA	chrX	53195411	53195432	-
hsa-miR-6887-3p	miRNA	chr19	35122744	35122764	+
hsa-miR-1180-5p	miRNA	chr17	19344548	19344568	-
hsa-miR-1257	miRNA	chr20	61953621	61953641	-
hsa-miR-1297	miRNA	chr13	54311981	54311997	-
hsa-miR-1912	miRNA	chrX	1,15E+08	1,15E+08	+
hsa-miR-203b-3p	miRNA	chr14	1,04E+08	1,04E+08	-
hsa-miR-2682-5p	miRNA	chr1	98045307	98045329	-
hsa-miR-302a-5p	miRNA	chr4	1,13E+08	1,13E+08	-
hsa-miR-3131	miRNA	chr2	2,19E+08	2,19E+08	-
hsa-miR-3147	miRNA	chr7	57405030	57405053	+
hsa-miR-3686	miRNA	chr8	1,29E+08	1,29E+08	-
hsa-miR-4305	miRNA	chr13	39664108	39664125	-
hsa-miR-4309	miRNA	chr14	1,03E+08	1,03E+08	+
hsa-miR-4428	miRNA	chr1	2,37E+08	2,37E+08	+
hsa-miR-4490	miRNA	chr11	90555785	90555806	-
hsa-miR-4509	miRNA	chr15	28490807	28490828	-
hsa-miR-4527	miRNA	chr18	47380503	47380524	+
hsa-miR-4537	miRNA	chr14	1,06E+08	1,06E+08	-
hsa-miR-4650-3p	miRNA	chr7	72697948	72697968	+
hsa-miR-4700-5p	miRNA	chr12	1,21E+08	1,21E+08	+
hsa-miR-4740-5p	miRNA	chr17	81400753	81400774	-
hsa-miR-4789-3p	miRNA	chr3	1,75E+08	1,75E+08	+
hsa-miR-517c-3p	miRNA	chr19	53741369	53741390	+
hsa-miR-518c-5p	miRNA	chr19	53708758	53708780	+
hsa-miR-522-3p	miRNA	chr19	53751264	53751285	+
hsa-miR-548ae-3p	miRNA	chr5	58530047	58530067	-
hsa-miR-5739	miRNA	chr22	28459925	28459944	+
hsa-miR-6502-5p	miRNA	chr12	66251091	66251112	+
hsa-miR-6504-3p	miRNA	chr16	81611387	81611406	+
hsa-miR-6508-5p	miRNA	chr21	39447014	39447034	+
hsa-miR-6720-3p	miRNA	chr6	1390324	1390345	-
hsa-miR-6761-5p	miRNA	chr12	1,12E+08	1,12E+08	+
hsa-miR-6762-5p	miRNA	chr12	1,13E+08	1,13E+08	+
hsa-miR-6778-3p	miRNA	chr17	18340814	18340834	-
hsa-miR-6792-3p	miRNA	chr19	7617480	7617501	+
hsa-miR-6814-5p	miRNA	chr21	41746815	41746836	-
hsa-miR-6827-5p	miRNA	chr3	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-6838-5p	miRNA	chr7	44073407	44073428	-
hsa-miR-6856-3p	miRNA	chr9	1,31E+08	1,31E+08	+
hsa-miR-6864-5p	miRNA	chr17	4969743	4969766	-
hsa-miR-7151-5p	miRNA	chr10	67403388	67403410	-
hsa-miR-7977	miRNA	chr3	1,77E+08	1,77E+08	+
hsa-miR-888-3p	miRNA	chrX	1,46E+08	1,46E+08	-

hsa-miR-892b	miRNA	chrX	1,46E+08	1,46E+08	-
p-hsa-miR-101	novelmirna	chr9	1,15E+08	1,15E+08	+
p-hsa-miR-127	novelmirna	chr3	1,39E+08	1,39E+08	+
p-hsa-miR-131	novelmirna	chr19	51682139	51682160	+
p-hsa-miR-163	novelmirna	chr15_K127	14761	14782	+
p-hsa-miR-211	novelmirna	chr9	1,05E+08	1,05E+08	-
p-hsa-miR-22	novelmirna	chr2	2E+08	2E+08	+
p-hsa-miR-275	novelmirna	chr1	92868170	92868192	-
p-hsa-miR-304	novelmirna	chr2	36658127	36658149	-
p-hsa-miR-307	novelmirna	chr2	46269596	46269617	-
p-hsa-miR-35	novelmirna	chr1	1,55E+08	1,55E+08	+
hsa-miR-1298-5p	miRNA	chrX	1,15E+08	1,15E+08	+
hsa-miR-1915-3p	miRNA	chr10	21496576	21496595	-
hsa-miR-19b-2-5p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
hsa-miR-203a-3p	miRNA	chr14	1,04E+08	1,04E+08	+
hsa-miR-3713	miRNA	chr15	76586647	76586666	+
hsa-miR-376b-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4258	miRNA	chr1	1,55E+08	1,55E+08	+
hsa-miR-4297	miRNA	chr10	1,3E+08	1,3E+08	-
hsa-miR-4314	miRNA	chr17	8088066	8088083	+
hsa-miR-4324	miRNA	chr19	49308807	49308826	-
hsa-miR-4633-3p	miRNA	chr5	1,29E+08	1,29E+08	+
hsa-miR-4684-5p	miRNA	chr1	22719530	22719551	+
hsa-miR-4715-5p	miRNA	chr15	25848795	25848816	-
hsa-miR-4720-5p	miRNA	chr16	81385021	81385042	+
hsa-miR-4738-5p	miRNA	chr17	75784567	75784588	-
hsa-miR-4768-5p	miRNA	chrX	17425889	17425910	+
hsa-miR-4777-3p	miRNA	chr2	2,31E+08	2,31E+08	+
hsa-miR-499a-5p	miRNA	chr20	34990408	34990428	+
hsa-miR-511-5p	miRNA	chr10	17845122	17845142	+
hsa-miR-5190	miRNA	chr18	13459993	13460013	+
hsa-miR-5195-5p	miRNA	chr14	1,07E+08	1,07E+08	-
hsa-miR-5197-5p	miRNA	chr5	1,44E+08	1,44E+08	+
hsa-miR-5581-5p	miRNA	chr1	37500973	37500994	-
hsa-miR-5707	miRNA	chr7	1,59E+08	1,59E+08	+
hsa-miR-585-5p	miRNA	chr5	1,69E+08	1,69E+08	-
hsa-miR-591	miRNA	chr7	96219722	96219741	-
hsa-miR-676-3p	miRNA	chrX	70022899	70022919	+
hsa-miR-6839-3p	miRNA	chr7	64679155	64679176	+
hsa-miR-6863	miRNA	chr16	56904327	56904349	+
hsa-miR-7160-3p	miRNA	chr8	2076620	2076640	+
hsa-miR-8080	miRNA	chr2	79866551	79866573	-
hsa-miR-875-5p	miRNA	chr8	99536830	99536851	-
p-hsa-miR-126	novelmirna	chr17	81867174	81867197	+
p-hsa-miR-190	novelmirna	chr13	81349508	81349529	+
p-hsa-miR-291	novelmirna	chr1	8259682	8259704	-
p-hsa-miR-311	novelmirna	chr11_K127	189404	189424	-
hsa-miR-4430	miRNA	chr2	33418519	33418536	+
p-hsa-miR-161	novelmirna	chr1	2,3E+08	2,3E+08	+
p-hsa-miR-219	novelmirna	chr2	69302094	69302115	-
hsa-miR-6878-3p	miRNA	chr1	1,5E+08	1,5E+08	+
hsa-miR-4719	miRNA	chr16	76868988	76869009	+
hsa-miR-548v	miRNA	chr8	17681588	17681609	-
hsa-miR-541-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4796-5p	miRNA	chr3	1,15E+08	1,15E+08	-
p-hsa-miR-82	novelmirna	chr22	39456052	39456074	+

p-hsa-miR-119	novelmirna	chr15_K127	218564	218588	+
hsa-miR-4512	miRNA	chr15	66496965	66496986	-
hsa-miR-4517	miRNA	chr16	28958587	28958611	+
hsa-miR-4724-3p	miRNA	chr17	31534941	31534961	+
hsa-miR-5699-5p	miRNA	chr10	641748	641769	-
hsa-miR-659-3p	miRNA	chr22	37847693	37847714	-
hsa-miR-6736-5p	miRNA	chr1	1,46E+08	1,46E+08	-
hsa-miR-8078	miRNA	chr18	112266	112288	-
hsa-miR-657	miRNA	chr17	81125291	81125313	-
hsa-miR-638	miRNA	chr19	10718419	10718443	+
hsa-miR-4695-5p	miRNA	chr1	18883250	18883271	-
hsa-miR-1237-3p	miRNA	chr11	64368683	64368703	+
hsa-miR-548ah-3p	miRNA	chr4	76575597	76575618	+
hsa-miR-6782-5p	miRNA	chr17	44207810	44207834	-
p-hsa-miR-217	novelmirna	chr15	70493038	70493059	+
hsa-miR-548az-5p	miRNA	chr8	1,19E+08	1,19E+08	+
hsa-miR-4703-3p	miRNA	chr13	51552637	51552658	+
hsa-miR-433-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4639-3p	miRNA	chr6	16141603	16141622	+
hsa-miR-6844	miRNA	chr8	1,25E+08	1,25E+08	-
hsa-miR-153-5p	miRNA	chr7	1,58E+08	1,58E+08	-
p-hsa-miR-214	novelmirna	chr17_K127	746450	746471	-
hsa-miR-3911	miRNA	chr9	1,28E+08	1,28E+08	-
hsa-miR-3918	miRNA	chr6	1,59E+08	1,59E+08	-
hsa-miR-6774-3p	miRNA	chr16	85918396	85918416	+
p-hsa-miR-116	novelmirna	chrX	94177629	94177650	-
hsa-miR-3129-5p	miRNA	chr2	1,89E+08	1,89E+08	-
hsa-miR-3920	miRNA	chr11	1,02E+08	1,02E+08	-
hsa-miR-6861-5p	miRNA	chr12	1,12E+08	1,12E+08	-
hsa-miR-4665-3p	miRNA	chr9	6007871	6007896	+
p-hsa-miR-308	novelmirna	chr9	1,23E+08	1,23E+08	+
hsa-miR-3692-3p	miRNA	chr6	1,58E+08	1,58E+08	+
hsa-miR-6889-3p	miRNA	chr22	41252992	41253011	-
hsa-miR-92a-2-5p	miRNA	chrX	1,34E+08	1,34E+08	-
p-hsa-miR-324	novelmirna	chr13	30408360	30408380	-
hsa-miR-1199-5p	miRNA	chr19	14073381	14073400	+
p-hsa-miR-117	novelmirna	chr20	63537682	63537702	-
hsa-miR-124-5p	miRNA	chr20	63178514	63178535	+
hsa-miR-1267	miRNA	chr13	1,08E+08	1,08E+08	-
hsa-miR-205-5p	miRNA	chr1	2,09E+08	2,09E+08	+
hsa-miR-3155a	miRNA	chr10	6152247	6152267	+
hsa-miR-3185	miRNA	chr17	48724446	48724468	-
hsa-miR-3616-5p	miRNA	chr20	47166985	47167006	+
hsa-miR-3919	miRNA	chr3	1,59E+08	1,59E+08	+
hsa-miR-3923	miRNA	chr3	79507937	79507958	+
hsa-miR-4265	miRNA	chr2	1,09E+08	1,09E+08	-
hsa-miR-4290	miRNA	chr9	90023451	90023469	-
hsa-miR-4310	miRNA	chr15	41866505	41866520	-
hsa-miR-4419a	miRNA	chr1	23057880	23057896	-
hsa-miR-4419b	miRNA	chr12	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-4427	miRNA	chr1	2,34E+08	2,34E+08	+
hsa-miR-4436b-5p	miRNA	chr2	1,1E+08	1,1E+08	+
hsa-miR-4456	miRNA	chr5	535861	535877	-
hsa-miR-4457	miRNA	chr5	1309314	1309335	-
hsa-miR-4486	miRNA	chr11	19575314	19575330	+
hsa-miR-455-3p	miRNA	chr9	1,14E+08	1,14E+08	+

hsa-miR-4645-5p	miRNA	chr6	2854079	2854097	-
hsa-miR-4658	miRNA	chr7	1E+08	1E+08	-
hsa-miR-466	miRNA	chr3	31161714	31161736	-
hsa-miR-4681	miRNA	chr10	1,19E+08	1,19E+08	+
hsa-miR-4693-5p	miRNA	chr11	1,04E+08	1,04E+08	+
hsa-miR-4722-3p	miRNA	chr16	88716278	88716299	-
hsa-miR-4756-5p	miRNA	chr20	54068452	54068474	-
hsa-miR-4793-3p	miRNA	chr3	48644201	48644223	-
hsa-miR-489-5p	miRNA	chr7	93483985	93484006	-
hsa-miR-497-3p	miRNA	chr17	7017938	7017959	-
hsa-miR-5000-5p	miRNA	chr2	75090835	75090856	+
hsa-miR-5196-5p	miRNA	chr19	35345541	35345562	+
hsa-miR-548ah-5p	miRNA	chr4	76575561	76575580	+
hsa-miR-548au-3p	miRNA	chr9	93594874	93594894	+
hsa-miR-5680	miRNA	chr8	1,02E+08	1,02E+08	+
hsa-miR-5682	miRNA	chr3	1,21E+08	1,21E+08	+
hsa-miR-5692a	miRNA	chr8	12719134	12719155	+
hsa-miR-587	miRNA	chr6	1,07E+08	1,07E+08	+
hsa-miR-6084	miRNA	chr1	20633756	20633775	+
hsa-miR-6127	miRNA	chr1	22633328	22633346	-
hsa-miR-6128	miRNA	chr11	56743943	56743961	+
hsa-miR-646	miRNA	chr20	60308534	60308552	+
hsa-miR-6499-3p	miRNA	chr5	1,52E+08	1,52E+08	-
hsa-miR-661	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-6722-5p	miRNA	chr9	1,37E+08	1,37E+08	-
hsa-miR-6790-3p	miRNA	chr19	6392925	6392945	-
hsa-miR-6800-5p	miRNA	chr19	49832022	49832042	+
hsa-miR-6821-3p	miRNA	chr22	49962919	49962939	+
hsa-miR-6839-5p	miRNA	chr7	64679069	64679090	+
hsa-miR-6846-3p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-7108-5p	miRNA	chr19	2434980	2435000	-
hsa-miR-7154-5p	miRNA	chr11	45691754	45691776	-
hsa-miR-7162-3p	miRNA	chr10	30368597	30368615	-
hsa-miR-764	miRNA	chrX	1,15E+08	1,15E+08	+
hsa-miR-8062	miRNA	chr20	7371618	7371638	+
hsa-miR-8076	miRNA	chr3	1,13E+08	1,13E+08	-
hsa-miR-922	miRNA	chr3	1,98E+08	1,98E+08	-
hsa-miR-937-5p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
p-hsa-miR-128	novelmirna	chr4	1,29E+08	1,29E+08	+
p-hsa-miR-158	novelmirna	chr10	89197694	89197715	+
p-hsa-miR-253	novelmirna	chr16	54326638	54326659	-
p-hsa-miR-280	novelmirna	chr17_K127	224858	224875	-
p-hsa-miR-47	novelmirna	chr17_K127	74352	74373	+
hsa-miR-1296-3p	miRNA	chr10	63372969	63372990	-
hsa-miR-4480	miRNA	chr10	12578796	12578816	+
hsa-miR-8079	miRNA	chr13	44196171	44196190	-
hsa-miR-6756-3p	miRNA	chr11	1,19E+08	1,19E+08	-
hsa-miR-885-5p	miRNA	chr3	10394531	10394552	-
hsa-miR-6847-3p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	+
p-hsa-miR-170	novelmirna	chr2	76187725	76187746	+
hsa-miR-6774-5p	miRNA	chr16	85918352	85918376	+
hsa-miR-217	miRNA	chr2	55983020	55983042	-
hsa-miR-6755-5p	miRNA	chr11	86278338	86278359	+
hsa-miR-548at-3p	miRNA	chr17	42494810	42494830	+
hsa-miR-30c-2-3p	miRNA	chr6	71376964	71376985	-
hsa-miR-718	miRNA	chrX	1,54E+08	1,54E+08	-

hsa-miR-31-3p	miRNA	chr9	21512121	21512142	-
hsa-miR-6787-5p	miRNA	chr17	82236673	82236694	+
hsa-miR-3198	miRNA	chr12	54231407	54231428	-
hsa-miR-23c	miRNA	chrX	20017101	20017122	-
hsa-miR-1182	miRNA	chr1	2,31E+08	2,31E+08	-
hsa-miR-122-5p	miRNA	chr18	58451088	58451109	+
hsa-miR-1470	miRNA	chr19	15449548	15449568	+
hsa-miR-1471	miRNA	chr2	2,32E+08	2,32E+08	-
hsa-miR-3646	miRNA	chr20	44408177	44408198	+
hsa-miR-3655	miRNA	chr5	1,41E+08	1,41E+08	+
hsa-miR-373-3p	miRNA	chr19	53788748	53788770	+
hsa-miR-4794	miRNA	chr1	64579855	64579876	+
hsa-miR-5088-3p	miRNA	chr19	49682174	49682194	+
hsa-miR-5093	miRNA	chr16	85306236	85306258	-
hsa-miR-516a-5p	miRNA	chr19	53761148	53761170	+
hsa-miR-6781-5p	miRNA	chr17	42823918	42823938	-
hsa-miR-6865-3p	miRNA	chr17	4970091	4970111	-
p-hsa-miR-221	novelmirna	chr14	32271140	32271163	-
p-hsa-miR-226	novelmirna	chr16	8109666	8109687	-
p-hsa-miR-292	novelmirna	chr6	3504568	3504589	-
hsa-miR-1199-3p	miRNA	chr19	14073425	14073445	+
hsa-miR-3148	miRNA	chr8	29957318	29957339	-
hsa-miR-4445-3p	miRNA	chr3	1,1E+08	1,1E+08	+
hsa-miR-8060	miRNA	chr3	96360006	96360029	+
hsa-miR-3678-5p	miRNA	chr17	75406077	75406096	+
hsa-miR-4510	miRNA	chr15	35926863	35926884	+
hsa-miR-4666a-3p	miRNA	chr1	2,28E+08	2,28E+08	+
hsa-miR-4716-3p	miRNA	chr15	49169079	49169100	-
hsa-miR-5004-5p	miRNA	chr6	33438351	33438372	+
hsa-miR-518d-3p	miRNA	chr19	53734929	53734949	+
hsa-miR-5197-3p	miRNA	chr5	1,44E+08	1,44E+08	+
hsa-miR-6508-3p	miRNA	chr21	39447046	39447067	+
hsa-miR-7114-5p	miRNA	chr9	1,37E+08	1,37E+08	-
p-hsa-miR-236	novelmirna	chr9	25880021	25880040	+
p-hsa-miR-297	novelmirna	chr1	2,22E+08	2,22E+08	-
p-hsa-miR-327	novelmirna	chr1	78572428	78572448	-
p-hsa-miR-18	novelmirna	chr14	36204593	36204614	+
hsa-miR-3158-5p	miRNA	chr10	1,02E+08	1,02E+08	-
hsa-miR-7106-3p	miRNA	chr12	1,13E+08	1,13E+08	-
hsa-miR-603	miRNA	chr10	24275745	24275766	+
hsa-miR-6769a-3p	miRNA	chr16	4671370	4671390	+
p-hsa-miR-55	novelmirna	chr8_K127C	68526	68547	-
hsa-miR-4726-3p	miRNA	chr17	38719727	38719748	+
hsa-miR-6743-5p	miRNA	chr11	209341	209362	+
hsa-miR-6862-5p	miRNA	chr16	28724257	28724278	+
hsa-miR-4496	miRNA	chr12	1,09E+08	1,09E+08	+
hsa-miR-8082	miRNA	chr4	1,13E+08	1,13E+08	+
p-hsa-miR-40	novelmirna	chr13	49978747	49978769	-
hsa-miR-3916	miRNA	chr1	2,47E+08	2,47E+08	-
hsa-miR-6829-5p	miRNA	chr3	1,96E+08	1,96E+08	-
p-hsa-miR-17	novelmirna	chr14	76956511	76956530	-
hsa-miR-1910-3p	miRNA	chr16	85741631	85741650	-
hsa-miR-5587-3p	miRNA	chr16	535348	535368	+
hsa-miR-5196-3p	miRNA	chr19	35345581	35345601	+
p-hsa-miR-301	novelmirna	chr4	29644456	29644475	+
hsa-miR-1178-3p	miRNA	chr12	1,2E+08	1,2E+08	-

hsa-miR-6749-5p	miRNA	chr11	64902429	64902450	-
hsa-miR-566	miRNA	chr3	50173341	50173359	+
hsa-miR-4638-5p	miRNA	chr5	1,81E+08	1,81E+08	-
hsa-miR-2054	miRNA	chr4	1,26E+08	1,26E+08	+
hsa-miR-4451	miRNA	chr4	85722515	85722531	+
hsa-miR-4780	miRNA	chr2	88082528	88082549	-
hsa-miR-4793-5p	miRNA	chr3	48644239	48644262	-
hsa-miR-548am-3p	miRNA	chrX	16627019	16627040	-
hsa-miR-6862-3p	miRNA	chr16	28724296	28724319	+
p-hsa-miR-41	novelmirna	chr18	9017284	9017305	-
p-hsa-miR-201	novelmirna	chr18	64706880	64706897	+
hsa-miR-1321	miRNA	chrX	85835832	85835849	+
hsa-miR-380-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4640-3p	miRNA	chr6	30890949	30890970	+
hsa-miR-4680-5p	miRNA	chr10	1,11E+08	1,11E+08	+
hsa-miR-6817-5p	miRNA	chr22	25455651	25455674	+
hsa-miR-6819-5p	miRNA	chr22	36286881	36286902	-
hsa-miR-6878-5p	miRNA	chr1	1,5E+08	1,5E+08	+
hsa-miR-2052	miRNA	chr8	74705694	74705713	+
hsa-miR-6795-5p	miRNA	chr19	15179322	15179345	-
p-hsa-miR-187	novelmirna	chr5	1,55E+08	1,55E+08	+
hsa-miR-3120-5p	miRNA	chr1	1,72E+08	1,72E+08	+
hsa-miR-6752-5p	miRNA	chr11	67490250	67490271	+
hsa-miR-7114-3p	miRNA	chr9	1,37E+08	1,37E+08	-
hsa-miR-6738-3p	miRNA	chr1	1,56E+08	1,56E+08	-
hsa-miR-4277	miRNA	chr5	1708838	1708858	-
hsa-miR-4302	miRNA	chr12	25874052	25874069	-
hsa-miR-7846-3p	miRNA	chr1	12167010	12167030	+
hsa-miR-3606-3p	miRNA	chr2	1,89E+08	1,89E+08	+
hsa-miR-4706	miRNA	chr14	65044697	65044721	+
hsa-miR-4790-3p	miRNA	chr3	5250180	5250201	-
hsa-miR-593-5p	miRNA	chr7	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-653-3p	miRNA	chr7	93482784	93482805	-
hsa-miR-6085	miRNA	chr15	62343111	62343129	+
hsa-miR-548g-3p	miRNA	chr4	1,47E+08	1,47E+08	-
hsa-miR-6796-5p	miRNA	chr19	40369851	40369873	+
hsa-miR-4530	miRNA	chr19	39409629	39409646	-
hsa-miR-1229-5p	miRNA	chr5	1,8E+08	1,8E+08	-
hsa-miR-4701-3p	miRNA	chr12	48771980	48771999	-
hsa-miR-487a-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6791-5p	miRNA	chr19	6736752	6736773	-
hsa-miR-1225-3p	miRNA	chr16	2090195	2090216	-
hsa-miR-1251-3p	miRNA	chr12	97491951	97491971	+
hsa-miR-2467-3p	miRNA	chr2	2,39E+08	2,39E+08	-
hsa-miR-383-5p	miRNA	chr8	14853483	14853504	-
hsa-miR-4280	miRNA	chr5	87114924	87114944	-
hsa-miR-6082	miRNA	chr4	1,71E+08	1,71E+08	+
hsa-miR-633	miRNA	chr17	62944275	62944297	+
hsa-miR-6512-5p	miRNA	chr2	1,77E+08	1,77E+08	-
hsa-miR-7162-5p	miRNA	chr10	30368648	30368665	-
p-hsa-miR-288	novelmirna	chr5	1,02E+08	1,02E+08	-
hsa-miR-6875-5p	miRNA	chr7	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-297	miRNA	chr4	1,11E+08	1,11E+08	-
hsa-miR-6768-3p	miRNA	chr16	2464011	2464034	+
p-hsa-miR-255	novelmirna	chr3	1,88E+08	1,88E+08	+
hsa-miR-6800-3p	miRNA	chr19	49832076	49832096	+

hsa-miR-4698	miRNA	chr12	47187860	47187882	+
hsa-miR-487b-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6751-3p	miRNA	chr11	65129916	65129936	-
hsa-miR-6812-5p	miRNA	chr20	45425515	45425539	+
p-hsa-miR-227	novelmirna	chr8_K1270	102464	102487	+
hsa-miR-6778-5p	miRNA	chr17	18340860	18340881	-
hsa-miR-4750-3p	miRNA	chr19	49888209	49888230	+
hsa-miR-632	miRNA	chr17	32350169	32350187	+
p-hsa-miR-188	novelmirna	chr17	56643256	56643277	-
p-hsa-miR-93	novelmirna	chr1	86703371	86703391	+
hsa-miR-4749-5p	miRNA	chr19	49854593	49854614	+
p-hsa-miR-20	novelmirna	chr1	56436546	56436568	+
p-hsa-miR-205	novelmirna	chr10	1,29E+08	1,29E+08	+
hsa-miR-1200	miRNA	chr7	36919403	36919424	-
hsa-miR-1203	miRNA	chr17	48156486	48156506	-
hsa-miR-1238-5p	miRNA	chr19	10552122	10552144	+
hsa-miR-200c-5p	miRNA	chr12	6963703	6963724	+
hsa-miR-34b-3p	miRNA	chr11	1,12E+08	1,12E+08	+
hsa-miR-378b	miRNA	chr3	10330262	10330280	+
hsa-miR-3925-5p	miRNA	chr6	36622480	36622501	-
hsa-miR-4271	miRNA	chr3	49274158	49274176	+
hsa-miR-4292	miRNA	chr9	1,37E+08	1,37E+08	+
hsa-miR-4296	miRNA	chr10	1,25E+08	1,25E+08	-
hsa-miR-4425	miRNA	chr1	25023552	25023573	+
hsa-miR-4520-3p	miRNA	chr17	6655447	6655468	-
hsa-miR-4641	miRNA	chr6	41598764	41598787	+
hsa-miR-4661-3p	miRNA	chr8	91205531	91205552	+
hsa-miR-4664-5p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-4673	miRNA	chr9	1,37E+08	1,37E+08	-
hsa-miR-4764-3p	miRNA	chr22	33436588	33436609	-
hsa-miR-4790-5p	miRNA	chr3	5250227	5250246	-
hsa-miR-515-3p	miRNA	chr19	53685059	53685080	+
hsa-miR-639	miRNA	chr19	14529603	14529625	+
hsa-miR-6765-5p	miRNA	chr14	1,05E+08	1,05E+08	-
hsa-miR-6838-3p	miRNA	chr7	44073378	44073397	-
p-hsa-miR-270	novelmirna	chr16	85868835	85868856	-
p-hsa-miR-339	novelmirna	chr11	73238761	73238782	+
hsa-miR-4291	miRNA	chr9	93819367	93819382	+
hsa-miR-6836-5p	miRNA	chr7	2257551	2257572	-
hsa-miR-548t-5p	miRNA	chr4	1,73E+08	1,73E+08	+
hsa-miR-6870-3p	miRNA	chr20	10649636	10649657	-
hsa-miR-4721	miRNA	chr16	28843927	28843948	-
hsa-miR-3680-3p	miRNA	chr16	29599194	29599216	-
hsa-miR-105-3p	miRNA	chrX	1,52E+08	1,52E+08	-
hsa-miR-3164	miRNA	chr11	69083185	69083206	+
hsa-miR-6770-3p	miRNA	chr16	18379351	18379371	-
hsa-miR-3680-5p	miRNA	chr16	29599231	29599252	-
hsa-miR-1252-5p	miRNA	chr12	79419261	79419282	+
hsa-miR-7151-3p	miRNA	chr10	67403351	67403371	-
hsa-miR-4784	miRNA	chr2	1,31E+08	1,31E+08	-
hsa-miR-3689d	miRNA	chr9	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-4649-3p	miRNA	chr7	44110891	44110911	+
hsa-miR-631	miRNA	chr15	75353650	75353670	-
hsa-miR-6757-5p	miRNA	chr12	53056949	53056970	+
p-hsa-miR-194	novelmirna	chr2	42953866	42953887	+
p-hsa-miR-56	novelmirna	chr4	35911856	35911877	-

hsa-miR-4538	miRNA	chr14	1,06E+08	1,06E+08	-
hsa-miR-6849-5p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-6891-5p	miRNA	chr6	31355297	31355315	-
hsa-miR-509-3p	miRNA	chrX	1,47E+08	1,47E+08	-
hsa-miR-6803-5p	miRNA	chr19	55245224	55245245	-
hsa-miR-3180-3p	miRNA	chr16	18402189	18402210	-
p-hsa-miR-157	novelmirna	chr8_K1270	103532	103549	+
hsa-miR-548aj-3p	miRNA	chrX	38023912	38023932	-
hsa-miR-6516-5p	miRNA	chr17	77089428	77089449	+
hsa-miR-6748-5p	miRNA	chr11	62789820	62789841	+
hsa-miR-4450	miRNA	chr4	76573572	76573593	+
hsa-miR-4325	miRNA	chr20	57321564	57321581	-
hsa-miR-6871-5p	miRNA	chr20	41169028	41169049	+
hsa-miR-6816-3p	miRNA	chr22	20114693	20114710	-
hsa-miR-370-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-1224-3p	miRNA	chr3	1,84E+08	1,84E+08	+
hsa-miR-4781-5p	miRNA	chr1	54054091	54054111	+
hsa-miR-4632-5p	miRNA	chr1	12191713	12191735	+
hsa-miR-5009-5p	miRNA	chr15	89883987	89884010	-
hsa-miR-129-5p	miRNA	chr11	43581408	43581428	+
hsa-miR-1204	miRNA	chr8	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-1228-5p	miRNA	chr12	57194504	57194524	+
hsa-miR-345-3p	miRNA	chr14	1E+08	1E+08	+
hsa-miR-6884-3p	miRNA	chr17	40026334	40026356	-
p-hsa-miR-100	novelmirna	chr19	21603496	21603516	-
hsa-miR-3132	miRNA	chr2	2,2E+08	2,2E+08	-
hsa-miR-4659a-5p	miRNA	chr8	6745177	6745198	+
hsa-miR-6874-3p	miRNA	chr7	5711840	5711862	-
hsa-miR-6888-5p	miRNA	chr2	1,59E+08	1,59E+08	+
hsa-miR-6808-5p	miRNA	chr1	1339682	1339703	-
hsa-miR-6873-5p	miRNA	chr6	33287263	33287284	-
hsa-miR-4679	miRNA	chr10	89063381	89063402	-
hsa-miR-601	miRNA	chr9	1,23E+08	1,23E+08	-
hsa-miR-630	miRNA	chr15	72587277	72587298	+
hsa-miR-6742-3p	miRNA	chr1	2,28E+08	2,28E+08	-
p-hsa-miR-110	novelmirna	chr6	38662737	38662757	+
hsa-miR-548ao-3p	miRNA	chr8	41271065	41271086	-
hsa-miR-3134	miRNA	chr3	15697305	15697327	-
hsa-miR-1271-3p	miRNA	chr5	1,76E+08	1,76E+08	+
hsa-miR-222-5p	miRNA	chrX	45747073	45747094	-
hsa-miR-4260	miRNA	chr1	2,1E+08	2,1E+08	-
hsa-miR-4731-3p	miRNA	chr17	15251634	15251655	-
hsa-miR-5004-3p	miRNA	chr6	33438397	33438418	+
hsa-miR-3652	miRNA	chr12	1,04E+08	1,04E+08	+
hsa-miR-6746-3p	miRNA	chr11	61878216	61878237	-
hsa-miR-1272	miRNA	chr15	64762471	64762496	-
hsa-miR-1225-5p	miRNA	chr16	2090263	2090284	-
hsa-miR-4687-3p	miRNA	chr11	3856113	3856133	+
hsa-miR-4748	miRNA	chr19	10780263	10780283	+
p-hsa-miR-332	novelmirna	chr1	2,32E+08	2,32E+08	+
p-hsa-miR-98	novelmirna	chr7	64946376	64946396	+
hsa-miR-7852-3p	miRNA	chr1	1,08E+08	1,08E+08	+
hsa-miR-1343-5p	miRNA	chr11	34941851	34941872	+
hsa-miR-208a-5p	miRNA	chr14	23388637	23388658	-
hsa-miR-7152-5p	miRNA	chr10	71790747	71790768	+
hsa-miR-4755-3p	miRNA	chr20	34049162	34049183	+

hsa-miR-6785-5p	miRNA	chr17	75498553	75498574	+
hsa-miR-4799-5p	miRNA	chr4	1,48E+08	1,48E+08	+
hsa-miR-7160-5p	miRNA	chr8	2076589	2076609	+
hsa-miR-548m	miRNA	chrX	95063192	95063212	-
hsa-miR-5191	miRNA	chr1	2,02E+08	2,02E+08	+
hsa-miR-6869-5p	miRNA	chr20	1392940	1392961	-
hsa-miR-1287-3p	miRNA	chr10	98395232	98395253	-
hsa-miR-1205	miRNA	chr8	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-1206	miRNA	chr8	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-4693-3p	miRNA	chr11	1,04E+08	1,04E+08	+
hsa-miR-549a	miRNA	chr15	80841993	80842013	-
p-hsa-miR-95	novelmirna	chr8	98393704	98393724	-
hsa-miR-4763-3p	miRNA	chr22	46113624	46113647	+
hsa-miR-6753-3p	miRNA	chr11	68044932	68044953	+
hsa-miR-1183	miRNA	chr7	21471105	21471131	+
hsa-miR-4438	miRNA	chr2	2,14E+08	2,14E+08	+
hsa-miR-4519	miRNA	chr16	30875301	30875318	-
hsa-miR-4792	miRNA	chr3	24521412	24521429	-
hsa-miR-6874-5p	miRNA	chr7	5711883	5711905	-
p-hsa-miR-223	novelmirna	chr6	81765751	81765771	-
p-hsa-miR-32	novelmirna	chr1	19512080	19512100	+
hsa-miR-6718-5p	miRNA	chr18	3885363	3885383	+
hsa-let-7c-3p	miRNA	chr21	16539883	16539904	+
hsa-miR-6722-3p	miRNA	chr9	1,37E+08	1,37E+08	-
hsa-miR-4774-5p	miRNA	chr2	1,69E+08	1,69E+08	+
hsa-miR-4758-5p	miRNA	chr20	62332534	62332556	-
hsa-miR-296-3p	miRNA	chr20	58817626	58817647	-
hsa-miR-4487	miRNA	chr11	47401023	47401041	+
hsa-miR-4725-5p	miRNA	chr17	31575281	31575301	+
hsa-miR-6815-3p	miRNA	chr21	45478306	45478326	+
hsa-miR-4635	miRNA	chr5	1062904	1062924	-
hsa-miR-1185-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4423-3p	miRNA	chr1	85133842	85133862	+
hsa-miR-4426	miRNA	chr1	1,93E+08	1,93E+08	+
hsa-miR-4662b	miRNA	chr8	1,25E+08	1,25E+08	-
hsa-miR-4429	miRNA	chr2	11540652	11540671	-
hsa-miR-193b-5p	miRNA	chr16	14303980	14304001	+
hsa-miR-3122	miRNA	chr1	2,12E+08	2,12E+08	+
hsa-miR-6858-5p	miRNA	chrX	1,54E+08	1,54E+08	+
hsa-miR-3661	miRNA	chr5	1,34E+08	1,34E+08	+
hsa-miR-3940-5p	miRNA	chr19	6416470	6416489	-
hsa-miR-7109-3p	miRNA	chr22	31621473	31621494	-
hsa-miR-6780a-3p	miRNA	chr17	42708084	42708104	-
hsa-miR-8084	miRNA	chr8	93029761	93029783	+
hsa-miR-4644	miRNA	chr6	1,7E+08	1,7E+08	+
hsa-miR-6126	miRNA	chr16	3485422	3485439	-
p-hsa-miR-78	novelmirna	chr17_K127	160391	160413	+
hsa-miR-1226-5p	miRNA	chr3	47849555	47849580	+
hsa-miR-8065	miRNA	chr16	5632533	5632556	+
hsa-miR-6837-5p	miRNA	chr7	44051771	44051791	+
hsa-miR-6753-5p	miRNA	chr11	68044794	68044815	+
hsa-miR-548c-3p	miRNA	chr12	64622569	64622590	+
p-hsa-miR-171	novelmirna	chr20	12459891	12459911	+
hsa-miR-6748-3p	miRNA	chr11	62789865	62789885	+
hsa-miR-6745	miRNA	chr11	47179615	47179635	-
hsa-miR-1185-2-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+

hsa-miR-6794-3p	miRNA	chr19	12852306	12852325	+
hsa-miR-7112-3p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-1250-5p	miRNA	chr17	81133265	81133285	-
hsa-miR-6728-3p	miRNA	chr1	8866502	8866522	-
hsa-miR-141-5p	miRNA	chr12	6964113	6964134	+
hsa-miR-4782-3p	miRNA	chr2	1,14E+08	1,14E+08	-
hsa-miR-6845-5p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
p-hsa-miR-38	novelmirna	chr22_K127	152965	152984	-
hsa-miR-4656	miRNA	chr7	4788608	4788630	-
hsa-miR-3133	miRNA	chr2	2,41E+08	2,41E+08	+
p-hsa-miR-172	novelmirna	chr13	51330783	51330803	+
hsa-miR-328-5p	miRNA	chr16	67202367	67202389	-
hsa-miR-548ab	miRNA	chr3	1,04E+08	1,04E+08	-
hsa-miR-5008-3p	miRNA	chr1	2,28E+08	2,28E+08	-
p-hsa-miR-259	novelmirna	chr11	62003144	62003165	+
hsa-miR-6889-5p	miRNA	chr22	41253023	41253045	-
p-hsa-miR-179	novelmirna	chr1	47180432	47180451	+
hsa-miR-6806-3p	miRNA	chr19	58334730	58334751	+
hsa-miR-4683	miRNA	chr10	35641181	35641203	-
p-hsa-miR-263	novelmirna	chr9	64451844	64451866	+
hsa-miR-6729-5p	miRNA	chr1	12029163	12029184	+
hsa-miR-3663-3p	miRNA	chr10	1,17E+08	1,17E+08	-
hsa-miR-4664-3p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-6842-5p	miRNA	chr8	27433375	27433396	+
hsa-miR-4281	miRNA	chr5	1,77E+08	1,77E+08	-
hsa-miR-6807-5p	miRNA	chr19	58550285	58550306	+
hsa-miR-6785-3p	miRNA	chr17	75498608	75498628	+
hsa-miR-6798-5p	miRNA	chr19	49009911	49009933	+
hsa-miR-2113	miRNA	chr6	98024586	98024606	+
hsa-miR-3191-3p	miRNA	chr19	47226952	47226974	-
hsa-miR-4254	miRNA	chr1	31758670	31758692	-
hsa-miR-4746-3p	miRNA	chr19	4446021	4446041	+
p-hsa-miR-189	novelmirna	chr8	76934580	76934600	-
p-hsa-miR-72	novelmirna	chr14	52177921	52177938	+
hsa-miR-499b-3p	miRNA	chr20	34990406	34990427	-
p-hsa-miR-176	novelmirna	chr3	27963149	27963167	+
hsa-miR-548as-5p	miRNA	chr13	92490163	92490184	+
p-hsa-miR-140	novelmirna	chr5	34537905	34537926	+
p-hsa-miR-213	novelmirna	chr1	1,13E+08	1,13E+08	+
hsa-miR-143-5p	miRNA	chr5	1,49E+08	1,49E+08	+
hsa-miR-4498	miRNA	chr12	1,2E+08	1,2E+08	-
hsa-miR-514b-5p	miRNA	chrX	1,47E+08	1,47E+08	-
hsa-miR-4700-3p	miRNA	chr12	1,21E+08	1,21E+08	+
p-hsa-miR-248	novelmirna	chr2	96483588	96483609	-
hsa-miR-4677-5p	miRNA	chr1	2,43E+08	2,43E+08	+
hsa-miR-6832-5p	miRNA	chr6	31633792	31633814	+
hsa-miR-3129-3p	miRNA	chr2	1,89E+08	1,89E+08	-
hsa-miR-499a-3p	miRNA	chr20	34990445	34990466	+
hsa-miR-6746-5p	miRNA	chr11	61878252	61878273	-
hsa-miR-1233-3p	miRNA	chr15	34528290	34528309	-
hsa-miR-194-3p	miRNA	chr11	64891368	64891389	-
hsa-miR-4709-3p	miRNA	chr14	74480135	74480157	-
hsa-miR-6735-3p	miRNA	chr1	43448590	43448611	+
hsa-miR-3121-3p	miRNA	chr1	1,8E+08	1,8E+08	-
hsa-miR-7111-3p	miRNA	chr6	35470558	35470579	+
hsa-miR-6751-5p	miRNA	chr11	65129951	65129973	-

hsa-miR-3692-5p	miRNA	chr6	1,58E+08	1,58E+08	+
hsa-miR-432-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6830-5p	miRNA	chr5	1,32E+08	1,32E+08	-
p-hsa-miR-277	novelmirna	chr11_K127	17494	17514	-
hsa-miR-5187-5p	miRNA	chr1	1,61E+08	1,61E+08	+
hsa-miR-4708-3p	miRNA	chr14	65335123	65335144	-
hsa-miR-4726-5p	miRNA	chr17	38719691	38719713	+
hsa-miR-548h-5p	miRNA	chr6	1,32E+08	1,32E+08	+
hsa-miR-3924	miRNA	chr10	57304489	57304510	-
hsa-miR-4446-5p	miRNA	chr3	1,14E+08	1,14E+08	+
hsa-miR-4802-3p	miRNA	chr4	40502051	40502073	-
hsa-miR-6726-5p	miRNA	chr1	1296145	1296165	-
hsa-miR-6756-5p	miRNA	chr11	1,19E+08	1,19E+08	-
p-hsa-miR-77	novelmirna	chr17	28864130	28864150	+
hsa-miR-6848-5p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-1256	miRNA	chr1	20988377	20988398	-
hsa-miR-6810-5p	miRNA	chr2	2,18E+08	2,18E+08	+
hsa-miR-4728-3p	miRNA	chr17	39726537	39726561	+
hsa-miR-4695-3p	miRNA	chr1	18883204	18883225	-
hsa-miR-219b-3p	miRNA	chr9	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-1827	miRNA	chr12	1E+08	1E+08	+
hsa-miR-6731-5p	miRNA	chr1	24919390	24919411	-
hsa-miR-6727-3p	miRNA	chr1	1312502	1312521	-
hsa-miR-6865-5p	miRNA	chr17	4970123	4970145	-
hsa-miR-202-3p	miRNA	chr10	1,33E+08	1,33E+08	-
hsa-miR-133a-5p	miRNA	chr20	62564933	62564954	+
hsa-miR-1288-3p	miRNA	chr17	16282058	16282078	+
hsa-miR-4525	miRNA	chr17	82668281	82668301	-
p-hsa-miR-334	novelmirna	chr7	68920402	68920425	-
p-hsa-miR-97	novelmirna	chr6	41223892	41223913	+
hsa-miR-548n	miRNA	chr7	34940804	34940825	-
hsa-miR-1181	miRNA	chr19	10403505	10403525	-
hsa-miR-3168	miRNA	chr13	41101076	41101092	-
p-hsa-miR-252	novelmirna	chr9	1,29E+08	1,29E+08	-
p-hsa-miR-254	novelmirna	chr1	23344985	23345005	+
hsa-miR-4707-5p	miRNA	chr14	22956998	22957020	-
hsa-miR-4539	miRNA	chr14	1,06E+08	1,06E+08	-
hsa-miR-5572	miRNA	chr15	80581179	80581199	+
hsa-miR-548a-5p	miRNA	chr8	1,04E+08	1,04E+08	-
hsa-miR-6716-3p	miRNA	chr11	1,19E+08	1,19E+08	+
hsa-miR-6759-3p	miRNA	chr12	57748618	57748639	-
hsa-miR-3682-5p	miRNA	chr2	53849170	53849191	-
hsa-miR-3714	miRNA	chr3	16933196	16933217	+
hsa-miR-3193	miRNA	chr20	31607186	31607207	+
hsa-miR-365a-5p	miRNA	chr16	14309300	14309322	+
hsa-miR-6806-5p	miRNA	chr19	58334693	58334716	+
hsa-miR-548as-3p	miRNA	chr13	92490199	92490220	+
hsa-miR-580-5p	miRNA	chr5	36147946	36147967	-
hsa-miR-3675-3p	miRNA	chr1	16858958	16858979	-
hsa-miR-4270	miRNA	chr3	15496279	15496298	-
p-hsa-miR-64	novelmirna	chr6	1,42E+08	1,42E+08	-
hsa-miR-5187-3p	miRNA	chr1	1,61E+08	1,61E+08	+
hsa-miR-4655-3p	miRNA	chr7	1844189	1844209	-
hsa-miR-3192-3p	miRNA	chr20	18470662	18470682	+
hsa-miR-4734	miRNA	chr17	38702270	38702291	-
hsa-miR-4503	miRNA	chr14	36952358	36952379	-

hsa-miR-4802-5p	miRNA	chr4	40502086	40502107	-
hsa-miR-6772-3p	miRNA	chr16	57772290	57772312	-
hsa-miR-6884-5p	miRNA	chr17	40026383	40026404	-
hsa-miR-6789-5p	miRNA	chr19	2235899	2235922	-
hsa-miR-4647	miRNA	chr6	44254253	44254275	-
hsa-miR-6776-3p	miRNA	chr17	2692861	2692883	-
hsa-miR-3619-3p	miRNA	chr22	46091090	46091111	+
hsa-miR-6813-3p	miRNA	chr20	64076955	64076975	-
hsa-miR-2116-3p	miRNA	chr15	59171192	59171212	-
hsa-miR-4723-3p	miRNA	chr17	28360712	28360733	+
hsa-miR-4723-5p	miRNA	chr17	28360660	28360683	+
hsa-miR-3115	miRNA	chr1	23044310	23044329	+
hsa-miR-4714-3p	miRNA	chr15	98784473	98784494	+
hsa-miR-154-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6762-3p	miRNA	chr12	1,13E+08	1,13E+08	+
hsa-miR-1244	miRNA	chr12	12112006	12112031	+
hsa-miR-6851-5p	miRNA	chr9	33467908	33467930	-
hsa-miR-3137	miRNA	chr3	1,95E+08	1,95E+08	-
hsa-miR-6861-3p	miRNA	chr12	1,12E+08	1,12E+08	-
hsa-miR-663a	miRNA	chr20	26208243	26208264	-
p-hsa-miR-28	novelmirna	chr16	85473921	85473942	+
hsa-miR-449a	miRNA	chr5	55170586	55170607	-
p-hsa-miR-293	novelmirna	chr9	35161429	35161446	+
hsa-miR-187-3p	miRNA	chr18	35904835	35904856	-
hsa-miR-4722-5p	miRNA	chr16	88716315	88716337	-
hsa-miR-6883-5p	miRNA	chr17	8145045	8145066	-
hsa-miR-1914-5p	miRNA	chr20	63941511	63941532	-
hsa-miR-6807-3p	miRNA	chr19	58550354	58550376	+
hsa-miR-2467-5p	miRNA	chr2	2,39E+08	2,39E+08	-
hsa-miR-1228-3p	miRNA	chr12	57194555	57194574	+
hsa-miR-6740-5p	miRNA	chr1	2,02E+08	2,02E+08	+
hsa-miR-939-3p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-214-3p	miRNA	chr1	1,72E+08	1,72E+08	-
hsa-miR-1302	miRNA	chr19	72045	72065	+
hsa-miR-96-3p	miRNA	chr7	1,3E+08	1,3E+08	-
hsa-miR-556-5p	miRNA	chr1	1,62E+08	1,62E+08	+
hsa-miR-6880-5p	miRNA	chr12	1,24E+08	1,24E+08	-
hsa-miR-6881-5p	miRNA	chr15	74411406	74411427	-
hsa-miR-212-3p	miRNA	chr17	2050290	2050310	-
hsa-miR-3065-3p	miRNA	chr17	81125926	81125948	+
hsa-miR-365b-5p	miRNA	chr17	31575439	31575460	+
hsa-miR-581	miRNA	chr5	53951564	53951584	-
hsa-miR-6779-5p	miRNA	chr17	38914984	38915004	+
hsa-miR-1236-3p	miRNA	chr6	31956839	31956860	-
hsa-miR-4424	miRNA	chr1	1,79E+08	1,79E+08	+
hsa-miR-6883-3p	miRNA	chr17	8144994	8145015	-
hsa-miR-224-3p	miRNA	chrX	1,52E+08	1,52E+08	-
hsa-miR-3657	miRNA	chr12	1,12E+08	1,12E+08	-
hsa-miR-6747-5p	miRNA	chr11	62567043	62567066	-
hsa-miR-675-5p	miRNA	chr11	1996800	1996822	-
hsa-miR-323a-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6769b-5p	miRNA	chr1	2,06E+08	2,06E+08	+
hsa-miR-4688	miRNA	chr11	46376456	46376477	+
hsa-miR-100-3p	miRNA	chr11	1,22E+08	1,22E+08	-
hsa-miR-3177-5p	miRNA	chr16	1734995	1735017	+
hsa-miR-892c-3p	miRNA	chrX	1,46E+08	1,46E+08	-

hsa-miR-99a-3p	miRNA	chr21	16539138	16539159	+
hsa-miR-204-5p	miRNA	chr9	70810031	70810052	-
hsa-miR-876-3p	miRNA	chr9	28863636	28863657	-
hsa-miR-10a-3p	miRNA	chr17	48579864	48579885	-
hsa-miR-4330	miRNA	chrX	1,51E+08	1,51E+08	+
hsa-miR-5003-5p	miRNA	chr5	1,73E+08	1,73E+08	+
hsa-miR-3127-3p	miRNA	chr2	96798324	96798345	+
hsa-miR-6767-5p	miRNA	chr16	2445397	2445419	+
hsa-miR-548i	miRNA	chrX	84225797	84225818	-
p-hsa-miR-193	novelmirna	chr13	48028513	48028534	-
hsa-miR-3145-3p	miRNA	chr6	1,38E+08	1,38E+08	-
hsa-miR-4478	miRNA	chr9	1,22E+08	1,22E+08	-
hsa-miR-4763-5p	miRNA	chr22	46113584	46113604	+
hsa-miR-6510-3p	miRNA	chr17	41517166	41517186	-
hsa-miR-3138	miRNA	chr4	10078622	10078645	-
hsa-miR-374c-5p	miRNA	chrX	74218561	74218582	+
hsa-miR-6850-5p	miRNA	chr8	1,45E+08	1,45E+08	-
hsa-miR-4787-5p	miRNA	chr3	50675093	50675114	+
hsa-miR-3529-3p	miRNA	chr15	88611856	88611879	-
hsa-miR-6754-5p	miRNA	chr11	71473508	71473529	+
hsa-miR-6769b-3p	miRNA	chr1	2,06E+08	2,06E+08	+
hsa-miR-4795-3p	miRNA	chr3	87226199	87226220	-
hsa-miR-6737-3p	miRNA	chr1	1,54E+08	1,54E+08	-
hsa-miR-450a-2-3p	miRNA	chrX	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-7975	miRNA	chr19	55123225	55123242	-
hsa-miR-3690	miRNA	chrY	1293927	1293949	+
hsa-miR-7843-3p	miRNA	chr14	72516866	72516887	+
hsa-miR-3939	miRNA	chr6	1,67E+08	1,67E+08	-
hsa-miR-301a-5p	miRNA	chr17	59151187	59151208	-
hsa-miR-187-5p	miRNA	chr18	35904871	35904892	-
hsa-miR-6750-5p	miRNA	chr11	64898409	64898432	-
hsa-miR-125b-1-3p	miRNA	chr11	1,22E+08	1,22E+08	-
hsa-miR-503-3p	miRNA	chrX	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-3678-3p	miRNA	chr17	75406137	75406158	+
hsa-miR-6828-3p	miRNA	chr3	1,7E+08	1,7E+08	+
hsa-miR-4636	miRNA	chr5	9053865	9053886	-
hsa-miR-6892-3p	miRNA	chr7	1,43E+08	1,43E+08	+
hsa-miR-1537-3p	miRNA	chr1	2,36E+08	2,36E+08	-
p-hsa-miR-136	novelmirna	chrY	6762486	6762504	+
hsa-miR-6895-5p	miRNA	chrX	53195463	53195483	-
hsa-miR-514a-5p	miRNA	chrX	1,47E+08	1,47E+08	-
hsa-miR-625-5p	miRNA	chr14	65471116	65471136	+
hsa-miR-4772-3p	miRNA	chr2	1,02E+08	1,02E+08	+
p-hsa-miR-258	novelmirna	chr1	1,68E+08	1,68E+08	-
hsa-miR-4701-5p	miRNA	chr12	48772014	48772035	-
hsa-miR-548b-3p	miRNA	chr6	1,19E+08	1,19E+08	-
hsa-miR-920	miRNA	chr12	24212471	24212490	+
hsa-miR-642a-5p	miRNA	chr19	45674943	45674964	+
hsa-miR-514a-3p	miRNA	chrX	1,47E+08	1,47E+08	-
hsa-miR-7113-5p	miRNA	chr11	68032865	68032885	+
hsa-miR-6826-5p	miRNA	chr3	1,29E+08	1,29E+08	+
p-hsa-miR-257	novelmirna	chr5	76372677	76372697	-
hsa-miR-6858-3p	miRNA	chrX	1,54E+08	1,54E+08	+
hsa-miR-5588-5p	miRNA	chr3	1,85E+08	1,85E+08	-
hsa-miR-4473	miRNA	chr9	20411161	20411182	-
hsa-miR-4727-5p	miRNA	chr17	38825839	38825859	+

hsa-miR-4459	miRNA	chr5	54075560	54075581	-
hsa-miR-6759-5p	miRNA	chr12	57748656	57748677	-
hsa-miR-515-5p	miRNA	chr19	53685022	53685045	+
hsa-miR-147b	miRNA	chr15	45433098	45433119	+
hsa-miR-518b	miRNA	chr19	53702787	53702808	+
hsa-miR-6855-3p	miRNA	chr9	1,3E+08	1,3E+08	+
hsa-miR-3140-5p	miRNA	chr4	1,52E+08	1,52E+08	-
p-hsa-miR-66	novelmirna	chr21	32523670	32523692	-
p-hsa-miR-14	novelmirna	chr19	18284683	18284706	+
hsa-miR-7856-5p	miRNA	chr1	86357665	86357685	-
hsa-miR-7110-5p	miRNA	chr3	1,23E+08	1,23E+08	+
hsa-miR-1290	miRNA	chr1	18897078	18897096	-
hsa-miR-24-1-5p	miRNA	chr9	95086027	95086048	+
hsa-miR-3978	miRNA	chrX	1,1E+08	1,1E+08	+
hsa-miR-4733-5p	miRNA	chr17	31094395	31094416	-
hsa-miR-6866-3p	miRNA	chr17	40161980	40162001	+
p-hsa-miR-8	novelmirna	chrY	1395424	1395444	+
hsa-miR-650	miRNA	chr22	22822791	22822811	+
hsa-miR-6727-5p	miRNA	chr1	1312539	1312561	-
hsa-miR-4766-3p	miRNA	chr22	40813893	40813913	-
hsa-miR-6780b-3p	miRNA	chr6	43434600	43434620	+
hsa-miR-33b-3p	miRNA	chr17	17813857	17813878	-
hsa-miR-6818-5p	miRNA	chr22	30007054	30007075	+
hsa-miR-4313	miRNA	chr15	75762286	75762305	-
p-hsa-miR-43	novelmirna	chr1	1,5E+08	1,5E+08	-
hsa-miR-4511	miRNA	chr15	65719297	65719318	-
hsa-miR-3194-5p	miRNA	chr20	51452948	51452968	-
hsa-miR-4259	miRNA	chr1	1,6E+08	1,6E+08	-
hsa-miR-548ag	miRNA	chr20	60564565	60564585	+
hsa-miR-181b-3p	miRNA	chr1	1,99E+08	1,99E+08	-
hsa-miR-2278	miRNA	chr9	94809977	94809998	+
hsa-miR-6738-5p	miRNA	chr1	1,56E+08	1,56E+08	-
hsa-miR-4682	miRNA	chr10	1,2E+08	1,2E+08	+
hsa-miR-6849-3p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-6732-3p	miRNA	chr1	37480267	37480289	+
hsa-miR-7854-3p	miRNA	chr16	81533942	81533962	+
p-hsa-miR-229	novelmirna	chr17	7835455	7835477	-
hsa-miR-6809-3p	miRNA	chr2	2,18E+08	2,18E+08	-
hsa-miR-485-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
p-hsa-miR-42	novelmirna	chr1	1,5E+08	1,5E+08	+
hsa-miR-6824-3p	miRNA	chr3	48633636	48633656	-
hsa-miR-593-3p	miRNA	chr7	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-597-5p	miRNA	chr8	9741687	9741708	+
hsa-miR-6859-3p	miRNA	chr16	17052	17074	-
hsa-miR-3942-3p	miRNA	chr15	35372280	35372300	-
hsa-miR-6739-3p	miRNA	chr1	2,02E+08	2,02E+08	+
hsa-miR-1238-3p	miRNA	chr19	10552183	10552202	+
hsa-miR-6825-5p	miRNA	chr3	1,28E+08	1,28E+08	-
hsa-miR-6810-3p	miRNA	chr2	2,18E+08	2,18E+08	+
hsa-miR-624-3p	miRNA	chr14	31014669	31014689	-
hsa-miR-3928-5p	miRNA	chr22	31160095	31160117	-
hsa-miR-6805-5p	miRNA	chr19	55388186	55388207	+
hsa-miR-6754-3p	miRNA	chr11	71473546	71473567	+
hsa-miR-6511b-5p	miRNA	chr16	15134117	15134140	-
hsa-miR-4769-5p	miRNA	chrX	47587436	47587459	+
hsa-miR-1908-3p	miRNA	chr11	61815172	61815192	-

hsa-miR-449b-5p	miRNA	chr5	55170706	55170727	-
hsa-miR-450a-1-3p	miRNA	chrX	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-6755-3p	miRNA	chr11	86278377	86278398	+
hsa-miR-944	miRNA	chr3	1,9E+08	1,9E+08	+
hsa-miR-299-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-548w	miRNA	chr16	26025246	26025268	+
hsa-miR-8072	miRNA	chr12	1,23E+08	1,23E+08	-
hsa-miR-200b-5p	miRNA	chr1	1167124	1167145	+
hsa-miR-4640-5p	miRNA	chr6	30890891	30890913	+
hsa-miR-4755-5p	miRNA	chr20	34049128	34049149	+
hsa-miR-483-5p	miRNA	chr11	2134181	2134202	-
hsa-miR-3064-5p	miRNA	chr17	64500817	64500837	-
hsa-miR-6890-5p	miRNA	chr3	49099889	49099909	-
hsa-let-7e-3p	miRNA	chr19	51692838	51692859	+
hsa-miR-4753-5p	miRNA	chr1	2,35E+08	2,35E+08	-
hsa-miR-933	miRNA	chr2	1,75E+08	1,75E+08	-
hsa-miR-664a-5p	miRNA	chr1	2,2E+08	2,2E+08	-
hsa-miR-4661-5p	miRNA	chr8	91205494	91205515	+
hsa-miR-940	miRNA	chr16	2271806	2271826	+
hsa-miR-5683	miRNA	chr6	6169343	6169366	+
hsa-miR-195-3p	miRNA	chr17	7017628	7017649	-
hsa-miR-599	miRNA	chr8	99536651	99536670	-
hsa-miR-4455	miRNA	chr4	1,85E+08	1,85E+08	-
hsa-miR-6743-3p	miRNA	chr11	209383	209405	+
hsa-miR-4750-5p	miRNA	chr19	49888177	49888198	+
p-hsa-miR-137	novelmirna	chr5	8910793	8910814	+
hsa-miR-4526	miRNA	chr18	13611167	13611188	+
hsa-miR-6847-5p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	+
hsa-miR-2276-3p	miRNA	chr13	24162469	24162490	+
hsa-miR-4474-3p	miRNA	chr9	20502277	20502298	-
hsa-miR-6894-3p	miRNA	chrX	53198889	53198909	-
hsa-miR-544b	miRNA	chr3	1,25E+08	1,25E+08	+
hsa-miR-548y	miRNA	chr14	47761061	47761082	-
p-hsa-miR-215	novelmirna	chr1	19068658	19068679	-
hsa-miR-412-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-605-5p	miRNA	chr10	51299588	51299610	+
hsa-miR-7849-3p	miRNA	chr4	1,46E+08	1,46E+08	+
hsa-miR-7161-3p	miRNA	chr6	1,59E+08	1,59E+08	+
hsa-miR-4738-3p	miRNA	chr17	75784530	75784551	-
hsa-miR-6719-3p	miRNA	chr19	39829726	39829747	-
hsa-miR-4686	miRNA	chr11	2173072	2173094	+
hsa-miR-4749-3p	miRNA	chr19	49854632	49854651	+
hsa-miR-6731-3p	miRNA	chr1	24919345	24919365	-
hsa-miR-4464	miRNA	chr6	90312753	90312773	+
hsa-miR-5684	miRNA	chr19	12787132	12787151	+
p-hsa-miR-23	novelmirna	chr19	5978305	5978328	+
hsa-miR-876-5p	miRNA	chr9	28863675	28863696	-
hsa-miR-4796-3p	miRNA	chr3	1,15E+08	1,15E+08	-
hsa-miR-7851-3p	miRNA	chr12	42323740	42323761	-
hsa-miR-1587	miRNA	chrX	39837562	39837581	+
hsa-miR-656-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4660	miRNA	chr8	9048453	9048475	+
hsa-miR-4787-3p	miRNA	chr3	50675130	50675153	+
hsa-miR-4745-3p	miRNA	chr19	804977	804999	+
p-hsa-miR-318	novelmirna	chr3	31378578	31378596	+
hsa-miR-429	miRNA	chr1	1169055	1169076	+

hsa-miR-6837-3p	miRNA	chr7	44051807	44051829	+
p-hsa-miR-75	novelmirna	chr17	28866014	28866033	+
hsa-miR-6881-3p	miRNA	chr15	74411361	74411382	-
hsa-miR-154-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-6894-5p	miRNA	chrX	53198917	53198940	-
hsa-miR-4747-5p	miRNA	chr19	4932687	4932708	+
hsa-miR-4422	miRNA	chr1	55225656	55225676	+
hsa-miR-212-5p	miRNA	chr17	2050328	2050350	-
hsa-miR-4642	miRNA	chr6	44435650	44435671	+
hsa-miR-504-5p	miRNA	chrX	1,39E+08	1,39E+08	-
hsa-miR-3614-3p	miRNA	chr17	56891281	56891303	-
hsa-miR-378c	miRNA	chr10	1,31E+08	1,31E+08	-
hsa-miR-4665-5p	miRNA	chr9	6007835	6007857	+
hsa-miR-3180-5p	miRNA	chr16	18402230	18402254	-
hsa-miR-6825-3p	miRNA	chr3	1,28E+08	1,28E+08	-
hsa-miR-6868-3p	miRNA	chr17	76098019	76098039	-
hsa-miR-6823-3p	miRNA	chr3	48549961	48549981	-
hsa-miR-452-3p	miRNA	chrX	1,52E+08	1,52E+08	-
hsa-miR-23a-5p	miRNA	chr19	13836630	13836651	-
hsa-miR-3074-3p	miRNA	chr9	95086024	95086045	-
hsa-miR-6819-3p	miRNA	chr22	36286847	36286867	-
hsa-miR-1237-5p	miRNA	chr11	64368651	64368671	+
hsa-miR-1343-3p	miRNA	chr11	34941888	34941909	+
hsa-miR-19b-1-5p	miRNA	chr13	91351207	91351229	+
hsa-miR-5583-3p	miRNA	chr18	39676719	39676740	-
hsa-miR-6813-5p	miRNA	chr20	64076983	64077005	-
hsa-miR-7158-5p	miRNA	chr2	5974662	5974685	+
hsa-miR-29b-1-5p	miRNA	chr7	1,31E+08	1,31E+08	-
hsa-miR-3123	miRNA	chr1	2,41E+08	2,41E+08	+
hsa-miR-5090	miRNA	chr7	1,02E+08	1,02E+08	+
hsa-miR-5586-5p	miRNA	chr14	59646999	59647020	-
hsa-miR-6885-5p	miRNA	chr19	6389674	6389698	-
p-hsa-miR-262	novelmirna	chr19	12887469	12887491	+
hsa-miR-6893-3p	miRNA	chr8	1,44E+08	1,44E+08	-
hsa-miR-6797-3p	miRNA	chr19	41869675	41869696	+
hsa-miR-7974	miRNA	chr19	11495544	11495567	-
hsa-miR-188-3p	miRNA	chrX	50003556	50003576	+
hsa-miR-3679-5p	miRNA	chr2	1,34E+08	1,34E+08	+
hsa-miR-548d-5p	miRNA	chr17	67471540	67471561	-
hsa-miR-6812-3p	miRNA	chr20	45425553	45425573	+
hsa-miR-605-3p	miRNA	chr10	51299623	51299644	+
hsa-miR-146a-3p	miRNA	chr5	1,6E+08	1,6E+08	+
hsa-miR-6872-3p	miRNA	chr3	50273275	50273295	+
hsa-miR-3941	miRNA	chr10	1,22E+08	1,22E+08	+
hsa-miR-4767	miRNA	chrX	7147869	7147891	+
hsa-miR-3188	miRNA	chr19	18282129	18282151	+
hsa-miR-3186-3p	miRNA	chr17	81451116	81451136	-
hsa-miR-6515-3p	miRNA	chr19	12940521	12940540	+
hsa-miR-105-5p	miRNA	chrX	1,52E+08	1,52E+08	-
hsa-miR-4772-5p	miRNA	chr2	1,02E+08	1,02E+08	+
hsa-miR-1179	miRNA	chr15	88608121	88608141	+
hsa-miR-4433a-5p	miRNA	chr2	64340770	64340790	+
hsa-miR-4444	miRNA	chr3	75214518	75214535	+
hsa-miR-516b-5p	miRNA	chr19	53736860	53736881	+
hsa-miR-606	miRNA	chr10	75552518	75552538	+
hsa-miR-6820-3p	miRNA	chr22	37967603	37967624	+

hsa-miR-3925-3p	miRNA	chr6	36622446	36622466	-
p-hsa-miR-49	novelmirna	chr6	1,2E+08	1,2E+08	+
hsa-miR-513b-5p	miRNA	chrX	1,47E+08	1,47E+08	-
hsa-miR-23b-5p	miRNA	chr9	95085227	95085248	+
hsa-miR-4482-3p	miRNA	chr10	1,04E+08	1,04E+08	-
hsa-miR-3149	miRNA	chr8	76966778	76966800	-
hsa-miR-6729-3p	miRNA	chr1	12029202	12029222	+
hsa-miR-877-3p	miRNA	chr6	30584397	30584417	+
hsa-miR-339-3p	miRNA	chr7	1022955	1022977	-
hsa-miR-3194-3p	miRNA	chr20	51452912	51452933	-
hsa-miR-3179	miRNA	chr16	18494504	18494525	-
hsa-miR-4804-5p	miRNA	chr5	72878600	72878620	+
hsa-miR-3074-5p	miRNA	chr9	95086063	95086083	-
hsa-miR-551b-3p	miRNA	chr3	1,69E+08	1,69E+08	+
hsa-miR-9-3p	miRNA	chr15	89368071	89368092	+
hsa-miR-99a-5p	miRNA	chr21	16539101	16539122	+
hsa-miR-556-3p	miRNA	chr1	1,62E+08	1,62E+08	+
hsa-miR-95-3p	miRNA	chr4	8005312	8005333	-
p-hsa-miR-139	novelmirna	chr3	1,91E+08	1,91E+08	+
hsa-miR-1306-5p	miRNA	chr22	20086072	20086093	+
hsa-miR-4659b-3p	miRNA	chr8	6745175	6745196	-
p-hsa-miR-247	novelmirna	chr14	16057606	16057624	+
hsa-miR-4433b-3p	miRNA	chr2	64340769	64340789	-
hsa-miR-6832-3p	miRNA	chr6	31633839	31633858	+
hsa-miR-4801	miRNA	chr4	37241911	37241932	-
hsa-miR-361-5p	miRNA	chrX	85903681	85903702	-
hsa-miR-328-3p	miRNA	chr16	67202327	67202348	-
hsa-miR-1249-3p	miRNA	chr22	45200958	45200979	-
hsa-miR-5699-3p	miRNA	chr10	641699	641720	-
hsa-miR-6787-3p	miRNA	chr17	82236707	82236728	+
hsa-miR-376a-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-421	miRNA	chrX	74218392	74218414	-
hsa-miR-129-1-3p	miRNA	chr7	1,28E+08	1,28E+08	+
hsa-miR-362-3p	miRNA	chrX	50009005	50009026	+
hsa-miR-4668-5p	miRNA	chr9	1,12E+08	1,12E+08	+
hsa-miR-2110	miRNA	chr10	1,14E+08	1,14E+08	-
hsa-miR-589-5p	miRNA	chr7	5495873	5495894	-
p-hsa-miR-4	novelmirna	chr3	47488760	47488781	-
hsa-miR-548k	miRNA	chr11	70283986	70284007	+
hsa-miR-326	miRNA	chr11	75335108	75335127	-
hsa-miR-18a-3p	miRNA	chr13	91350797	91350819	+
hsa-miR-6856-5p	miRNA	chr9	1,31E+08	1,31E+08	+
hsa-miR-574-5p	miRNA	chr4	38868056	38868078	+
p-hsa-miR-264	novelmirna	chr14_K127	321681	321701	-
hsa-miR-629-3p	miRNA	chr15	70079387	70079408	-
hsa-miR-3064-3p	miRNA	chr17	64500775	64500797	-
hsa-miR-1301-3p	miRNA	chr2	25328651	25328674	-
hsa-miR-369-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4441	miRNA	chr2	2,39E+08	2,39E+08	-
hsa-miR-4676-5p	miRNA	chr10	72721038	72721058	+
hsa-miR-1289	miRNA	chr5	1,33E+08	1,33E+08	-
hsa-miR-4716-5p	miRNA	chr15	49169121	49169142	-
hsa-miR-6771-5p	miRNA	chr16	50292621	50292642	+
p-hsa-miR-138	novelmirna	chr20	53741952	53741969	-
hsa-miR-30d-5p	miRNA	chr8	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-let-7b-3p	miRNA	chr22	46113745	46113766	+

hsa-miR-5193	miRNA	chr3	49806165	49806186	-
hsa-miR-1277-3p	miRNA	chrX	1,18E+08	1,18E+08	+
hsa-miR-5581-3p	miRNA	chr1	37500935	37500956	-
hsa-miR-4289	miRNA	chr9	88745877	88745895	-
hsa-miR-339-5p	miRNA	chr7	1022990	1023012	-
hsa-miR-382-5p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-320c	miRNA	chr18	24321716	24321735	+
hsa-miR-551a	miRNA	chr1	3560710	3560730	-
hsa-miR-98-3p	miRNA	chrX	53556241	53556262	-
hsa-miR-19a-3p	miRNA	chr13	91350939	91350961	+
hsa-miR-6514-3p	miRNA	chr11	62792702	62792722	-
hsa-miR-4507	miRNA	chr14	1,06E+08	1,06E+08	-
hsa-miR-1268b	miRNA	chr17	80098831	80098850	+
hsa-miR-543	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
p-hsa-miR-177	novelmirna	chr14	75334233	75334255	-
hsa-miR-6857-3p	miRNA	chrX	53405673	53405693	-
hsa-miR-6796-3p	miRNA	chr19	40369887	40369907	+
hsa-miR-4653-3p	miRNA	chr7	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-4463	miRNA	chr6	75428446	75428462	+
hsa-miR-7107-3p	miRNA	chr12	1,21E+08	1,21E+08	-
hsa-miR-3917	miRNA	chr1	25906384	25906403	-
hsa-miR-6790-5p	miRNA	chr19	6392961	6392983	-
hsa-miR-6876-3p	miRNA	chr8	25345451	25345474	+
hsa-miR-1282	miRNA	chr15	43793732	43793751	-
p-hsa-miR-63	novelmirna	chr15	38086083	38086104	-
hsa-miR-2117	miRNA	chr17	43444856	43444876	+
hsa-miR-6801-5p	miRNA	chr19	52222025	52222047	+
hsa-miR-6782-3p	miRNA	chr17	44207772	44207794	-
hsa-miR-3161	miRNA	chr11	48096791	48096813	+
hsa-miR-126-3p	miRNA	chr9	1,37E+08	1,37E+08	+
hsa-miR-3683	miRNA	chr7	7067010	7067031	-
hsa-miR-138-5p	miRNA	chr3	44114234	44114256	+
p-hsa-miR-178	novelmirna	chrX	14467325	14467344	+
hsa-miR-218-5p	miRNA	chr5	1,69E+08	1,69E+08	-
hsa-miR-1973	miRNA	chr4	1,16E+08	1,16E+08	+
hsa-miR-1229-3p	miRNA	chr5	1,8E+08	1,8E+08	-
hsa-miR-6803-3p	miRNA	chr19	55245186	55245207	-
hsa-miR-98-5p	miRNA	chrX	53556299	53556320	-
hsa-miR-182-5p	miRNA	chr7	1,3E+08	1,3E+08	-
hsa-miR-409-3p	miRNA	chr14	1,01E+08	1,01E+08	+
hsa-miR-424-5p	miRNA	chrX	1,35E+08	1,35E+08	-
hsa-miR-6758-5p	miRNA	chr12	57512693	57512715	+
hsa-miR-183-3p	miRNA	chr7	1,3E+08	1,3E+08	-
hsa-miR-766-3p	miRNA	chrX	1,2E+08	1,2E+08	-
hsa-miR-6501-3p	miRNA	chr21	33550705	33550727	+
hsa-miR-4500	miRNA	chr13	87618671	87618687	-
hsa-miR-1976	miRNA	chr1	26554574	26554593	+
hsa-miR-183-5p	miRNA	chr7	1,3E+08	1,3E+08	-
hsa-miR-5787	miRNA	chr3	50227438	50227457	+
hsa-miR-942-5p	miRNA	chr1	1,17E+08	1,17E+08	+
hsa-miR-150-3p	miRNA	chr19	49500797	49500818	-
hsa-miR-342-5p	miRNA	chr14	1E+08	1E+08	+
hsa-miR-501-3p	miRNA	chrX	50009772	50009793	+
hsa-miR-664a-3p	miRNA	chr1	2,2E+08	2,2E+08	-

sequence	log2FoldC	baseMean	baseMean	baseMean	lfcSE
AAAAGCUGGGUUGAGAGGGCGA	1,02	18,49	20,65	31,41	0,27
AGAGGUAGUAGGUUGCAUAGUU	0,87	39,39	41,73	63,96	0,28
GGGCUCACAUCACCCCAU	-1,03	12,12	15,89	2,30	0,34
UGAGGUAGUAGGUUGUAUAGUU	0,61	510,85	551,33	705,05	0,22
UUAUAAUACAACCUGAUAAGUG	0,69	8,43	6,60	13,19	0,26
UGAGGUAGUAGUUUGUACAGUU	0,58	189,70	202,88	260,87	0,23
UGGAGAGAAAGGCAGUUCUGA	0,65	5,97	10,10	16,50	0,26
UGUAGUGUUUCCUACUUUAUGGA	0,50	15,76	13,82	20,82	0,22
UGAGGUAGUAGGUUGUGUGGUU	0,60	152,27	162,43	215,52	0,28
UAGCAGCACAUCAUGGUUUACA	0,61	58,23	48,56	83,36	0,28
UGGAUAUGAUGACUGAAA	-0,71	27,89	33,61	13,02	0,34
UGAGGUAGUAGAUUGUAUAGUU	0,34	444,81	463,09	527,75	0,16
UGAUAUUUUGAUUAUUAGGU	0,54	1,84	1,31	3,22	0,26
CCAAUAUUACUGUGCUGCUUUA	0,62	8,47	8,86	13,05	0,33
CACUGCAACCUCUGCCUCCUG	-0,64	4,67	5,61	2,22	0,34
AAUGACACGAUCACUCCCGUUGA	0,40	22,84	20,37	29,26	0,22
UGUAAACAUCCUACACUCUCAGC	0,40	30,69	27,38	39,31	0,22
CAGUGCAAUGUUAAAAGGGCAU	-0,43	15,58	17,05	11,75	0,24
UAAAGUGCUGACAGUGCAGAU	0,42	53,12	48,37	65,47	0,23
ACCACUGACCGUUGACUGUACC	-0,49	1,65	1,93	0,91	0,27
UUCACAGUGGCUAAGUUCUGC	-0,38	11,97	13,07	9,10	0,21
AAUUGCACGGUAUCCAUCUGUA	-0,30	55,80	58,66	48,37	0,17
CUAUACGACCGUGCGCUUUCU	0,54	5,28	4,19	8,09	0,32
GUUUCACCAUGUUGGUCAGGC	-0,52	6,20	7,44	2,97	0,34
UUCAAGUAAUUCAGGAUAGGU	0,33	77,14	71,12	92,79	0,22
UGAGAUGAAGCACUGUAGCUC	-0,41	15,51	17,08	11,43	0,28
UCUACAGUGCACGUGUCUCCAGU	-0,50	0,59	0,76	0,26	0,34
UCUCCCAACCCUUGUACCAGUG	0,45	16,53	14,35	22,19	0,31
UAGUAGACCGUAUAGCGUACG	-0,48	0,37	0,36	0,37	0,33
AAAAGUGCUIACAGUGCAGGUAG	-0,48	1,23	1,60	0,27	0,33
UCCUGUACUGAGCUGCCCCGAG	-0,26	4985,13	5241,60	4318,29	0,18
UGGUGGAGGUGCCGGGGA	0,47	0,93	0,48	2,09	0,34
UAAGGUGCAUCUAGUGCAGUUAG	-0,47	0,54	0,73	0,06	0,34
ACCCACUCCUGGUACC	-0,46	1,80	2,11	1,01	0,34
CAAAGUGCUGUUCGUGCAGGUAG	0,19	148,50	142,70	163,60	0,14
AACAUUCAACGCUGUCGGUGAGU	-0,27	199,25	210,38	170,31	0,21
GCUGGGAUUACAGGCAUGAGCC	-0,45	4,32	4,93	2,76	0,34
UAACGGCCGCGGUACCCUAA	-0,44	5,38	6,47	2,56	0,34
UAUUGCACUUGUCCGGCCUGU	0,22	579,45	551,22	652,84	0,17
CGAAUCAUUUUUGCUGCUCUA	0,39	5,68	5,05	7,34	0,30
AAGCUGCCAGUUGAAGAACUGU	-0,18	231,70	239,90	210,40	0,14
UGAGAACUGAAUCCAUGGGUU	-0,35	28,28	31,37	20,24	0,27
UCAGGCUCAGUCCCCUCCCGAU	0,22	22,33	21,13	25,44	0,17
AACAUUCAACCUGUCGGUGAGU	-0,38	2,54	2,89	1,62	0,31
CAACGGAAUCCCAAAGCAGCUG	0,33	101,77	93,21	124,03	0,27
UACCACAGGGUAGAACCACGG	-0,27	65,00	68,81	55,07	0,22
GACCUCGCCGUCGCCGCCGCC	-0,41	0,54	0,73	0,03	0,34
AAACCGUUAACAUUACUGAGUU	0,18	4780,46	4601,11	5246,76	0,15
AUCCACACUGCCACCAU	-0,40	0,65	0,89	0,04	0,34
UUCAAGUAAUCCAGGAUAGGCU	0,25	157,47	147,99	182,13	0,22
UCAGUGCACUACAGAACUUUGU	0,21	20,49	19,19	23,86	0,18
ACCCUAUCAUAUUGUCUCUGC	-0,38	0,36	0,45	0,12	0,33
CACCUUGCGCUACUCAGGUCUG	-0,36	0,61	0,74	0,25	0,32
UGUAACAGCAACUCCAUGUGGA	0,31	4,28	3,96	5,12	0,28

UACCCUGUAGAUCCGAAUUUGUG	-0,34	5,86	6,55	4,07	0,30
CUGCCCUGGCCCCGAGGGACCGA	-0,37	0,28	0,36	0,05	0,34
UAGCACCAUUUGAAAUUCGGUUA	0,29	2,94	2,54	3,99	0,27
UUCACCACCUUUCUCCACCCAGC	-0,27	2,97	3,08	2,67	0,25
UAGCUUAUCAGACUGAUGUUGA	0,24	111,80	106,00	126,88	0,23
CCGCACUGUGGGUACUUGCUGC	-0,17	23,80	25,10	20,40	0,17
UAUACAAGGGCAAGCUCUCUGU	-0,35	0,19	0,24	0,05	0,34
GGAUAUCAUAUAUACUGUAAG	0,21	86,99	83,54	95,95	0,21
UAGCACCAUUUGAAAUACAGUGUU	0,32	2,09	1,76	2,93	0,33
UGUAAACAUCUACACUCAGCU	0,22	13,48	12,84	15,14	0,23
UCAAGAGCAAUAACGAAAAUUGU	0,33	1,21	0,95	1,87	0,34
AGUUGGUCCGAGUGUUGU	-0,33	517,38	575,22	366,97	0,34
GGAUCCGAGUCACGGCACCA	-0,25	2,10	2,31	1,57	0,26
CAAAGUGAUGAGUAAUACUGGCUG	-0,32	4,75	5,89	1,80	0,33
UGAGGUAGUAGUUUGUGCUGUU	-0,13	244,04	250,25	227,88	0,15
ACCUUCUUGUAUAAGCACUGUGCUIAAA	-0,31	62,92	69,78	45,08	0,34
UCUCACUGUAGCCUCGAACCCC	-0,31	0,34	0,32	0,41	0,33
UGCCUACUGAGCUGAAACACAG	-0,31	0,34	0,44	0,08	0,34
UAUUGCACAUUACUAAGUUGCA	0,19	4,49	4,66	4,06	0,21
ACCAUCGACCGUUGAUUGUACC	-0,31	0,57	0,76	0,10	0,34
GUGCAGAUCUUGGUGGUAGUAGCA	0,31	7,12	6,84	7,84	0,34
CUGUUGCCACUAACCUCAACCU	-0,30	0,30	0,34	0,21	0,33
CUAAGAAGUUGACUGAAG	-0,30	1,64	1,91	0,96	0,33
UAGCAGCACGUAAAUUUGGCG	0,11	1949,66	1903,30	2070,20	0,13
UGUCAGUUUGUCAAAUACCCCA	-0,23	40,87	43,76	33,36	0,26
ACUGCAGUGAAGGCACUUGUAG	-0,20	1,63	1,68	1,51	0,22
UUCACAGUGGCUAAGUUCCGC	0,23	8,21	8,36	7,82	0,25
UGGCUCAGUUCAGCAGGAACAG	0,29	2,49	5,07	5,57	0,33
AUCGGGAUUGUCGUGUCCGCC	-0,28	0,73	0,89	0,33	0,32
UAUGUCUGCUGACCAUACACCUU	-0,29	1,61	1,74	1,26	0,34
UUAUUGUCACGUUCUGAUU	-0,29	39,35	42,84	30,27	0,34
AACCCGUAGAUCCGAACUUGUG	0,29	2,28	2,14	2,63	0,34
UUCAGAUCCAGCGGUGCCUCU	-0,29	1,26	1,18	1,47	0,34
UCGGAUCCGUCUGAGCUUGGCU	-0,29	1,53	1,65	1,19	0,34
ACUGCCCCAGGUGCUGCUGG	0,29	2,04	1,72	2,88	0,34
CAUUAUUACUUUUGGUACGCG	-0,20	119,88	125,16	106,15	0,24
AUCCUUGCUAUCUGGGUGCUA	-0,28	0,14	0,19	0,03	0,34
GAUCUGCUGCAGUGCUCUGAGCCC	-0,23	1,08	1,49	0,01	0,28
CAACACCAGUCGAUGGGCUGU	-0,24	3,79	4,09	3,01	0,29
CAUUGCACUUGUCUCGGUCUGA	-0,08	257,53	261,02	248,47	0,10
CAACAGAGCAAGACUCCAUCU	-0,27	0,89	1,05	0,45	0,34
AGCAGCAUUGUACAGGGCUAUCA	-0,27	1,15	1,14	1,19	0,34
AUGCUGACAUUUUACUAGAGG	-0,26	0,21	0,26	0,09	0,34
CGUGUAUUUGACAAGCUGAGUU	-0,26	0,40	0,46	0,23	0,34
CAAAGAAUUCUCCUUUUGGGCU	0,13	52,96	50,66	58,96	0,18
GCGGGGCUGGGCGCGCG	0,25	3,55	4,06	4,41	0,34
UUUGGCACUAGCACAUUUUUGCU	-0,17	8,34	8,70	7,42	0,23
UCUCCCUUCCUGCCUUGGCUAG	-0,24	0,29	0,37	0,09	0,34
UAAAGUGCUUAUAGUGCAGGUAG	0,13	36,58	35,26	39,99	0,18
UAGCACCAUCUGAAAUUCGGUUA	0,24	3,40	3,15	4,06	0,33
AACAUUCAUUGUUGUCGGUGGGU	-0,24	0,09	0,11	0,06	0,34
CCUGUUCUCCAUAUACUUGGCUC	-0,23	0,31	0,29	0,37	0,32
UGUGACUGGUUGACCAGAGGGG	-0,24	0,33	0,27	0,49	0,34
UCAGUAAAUGUUUAUUAUGAUGA	-0,23	0,06	0,07	0,02	0,34
UCUGUAUUCUCCUUUGCCUGCAG	-0,23	0,18	0,23	0,03	0,33
UAGCAGCACAUAAUGGUUUGUG	0,08	106,98	103,86	115,10	0,13

AGCUACAUUGUCUGCUGGGUUUC	0,12	7,82	7,50	8,63	0,19
CAGUUAUCACAGUGCUGAUGCU	-0,22	0,49	0,50	0,46	0,33
UCAGUGCAUGACAGAAUUGG	-0,23	0,29	0,35	0,11	0,34
UCAGGCCAGGCACAGUGGCUCA	-0,20	0,23	0,31	0,01	0,31
CUCCUGACUCCAGGUCCUGUGU	-0,22	0,17	0,23	0,03	0,33
CUGACCUAUGAAUUGACAGCC	-0,16	84,26	87,06	76,98	0,25
UCGAGGAGCUCACAGUCUAGU	0,18	18,22	17,25	20,72	0,28
CUGCGCAAGCUACUGCCUUGCU	0,19	2,17	1,92	2,83	0,30
CCCAGUGUUCAGACUACCUGUUC	-0,21	0,69	0,75	0,84	0,33
CAGUGCAAUGAUGAAAGGGCAU	-0,16	3,45	3,18	4,14	0,24
GGGAAACUCUGGUGGAAG	-0,22	3,15	3,81	1,43	0,34
AUCCCCAGAUACAAUGGACAA	-0,21	0,12	0,17	0,02	0,33
CAGUGCAAUAGUAUUGUCAAGC	0,20	4,29	3,79	5,60	0,31
CGCAUCCCCUAGGGCAUUGGUGU	-0,12	1,99	1,98	2,01	0,19
AAUCCUUGGAACCUAGGUGUGAGU	-0,21	0,81	0,88	0,81	0,33
UGC GGGGCUAGGGCUAACAGCA	-0,21	0,76	0,92	0,99	0,33
CUCCGGGACGGCUGGGC	0,21	1,32	1,17	1,70	0,34
UUAUAAAGCAAUGAGACUGAUU	0,16	4,63	4,24	5,66	0,25
CAUCAUCGUCUCAAUGAGUCU	-0,20	0,14	0,18	0,05	0,33
AUUCUAAUUUCUCCACGUCUUU	0,20	0,81	0,69	1,13	0,33
GGGCGGGCGCGCGGGUCGGG	-0,19	0,44	0,59	0,07	0,32
AAUGGCGCCACUAGGGUUGUG	0,19	10,11	9,23	12,40	0,31
AACCAUCGACCGUUGAGUGGAC	-0,20	0,19	0,24	0,05	0,33
GGAUUCUGGAAAUACUGUUCU	-0,20	0,12	0,13	0,09	0,34
GGCGGGCGCGGAGGCGGGGG	0,20	2,62	2,09	4,00	0,34
UACGUCAUCGUUGUCAUCGUCA	-0,20	0,22	0,24	0,17	0,34
CAGUGCAAUGAUUUGUCAAGC	-0,19	0,14	0,17	0,06	0,33
AGCUUCUUUACAGUGCUGCCUUG	-0,19	0,27	0,36	0,04	0,33
AGAGCUUAGCUGAUUGGUGAAC	-0,18	0,13	0,17	0,02	0,33
GGGAAAAGGAAGGGGGAGGA	0,15	4,62	4,04	6,14	0,27
ACUGCUGAGCUAGCACUUCCCG	-0,18	0,57	0,64	0,38	0,32
UAAGGUGCAUCUAGUGCAGAUAG	0,15	11,46	10,80	13,17	0,26
CACGCUCAUGCACACACCCACA	0,19	0,34	0,23	0,65	0,34
CAGUGGUUUUACCCUAUGGUAG	-0,19	0,46	0,51	0,51	0,34
AUGCACCUGGGCAAGGAUUCUG	-0,15	0,71	0,80	0,48	0,27
UGGGUUUACGUUGGGAGAACU	0,18	0,57	1,02	0,70	0,34
UGAGGUAGGAGGUUGUAUAGUU	0,18	0,58	0,61	1,86	0,34
CAACAAUACAGUCUGCCAU	-0,18	0,15	0,16	0,12	0,34
CUGCAGACUCGACCUCCAGGC	-0,18	0,78	1,04	0,11	0,33
UGACCGAUUUCUCCUGGUGUUC	-0,18	0,49	0,42	0,67	0,34
UCUGUGAGACCAAAGAACUACU	-0,18	0,04	0,04	0,03	0,33
CACCCGGCUGUGUGCACAUGUGC	0,16	2,50	2,24	3,19	0,31
ACCACUGCACUCCAGCCUGAG	-0,17	24,63	26,02	20,99	0,33
CUUGGCACCUAGCAAGCACUCA	-0,17	0,04	0,05	0,01	0,32
UACAGUACUGUGAUAAACUGAA	-0,07	215,10	219,69	203,17	0,14
AAGGAGCUCACAGUCUAUUGAG	0,17	0,52	0,73	1,16	0,33
CACCCGUAGAACCGACCUUGCG	0,15	3,10	2,96	3,48	0,30
CUGAAUAGCUGGGACUACAGGU	-0,17	12,22	13,19	9,68	0,34
CAAAGUGCUCUAGUGCAGGUAG	0,13	4,68	4,31	5,65	0,25
AUCACAUUGCCAGGGAUUUC	0,17	1,69	5,27	10,31	0,33
GUGGGCUGGGCUGGGCUGGGCC	-0,17	0,08	0,07	0,12	0,34
ACCUGGCAUACAAUGUAGAUUU	-0,17	1,10	1,24	0,74	0,34
AAUAUAUAUAUAUAUGUACGUAU	-0,17	0,17	0,17	0,16	0,34
GCCCUGACCUGUCCUGUUCUG	-0,16	0,91	0,95	0,81	0,32
UAGUGCAAUAUUGCUUAUAGGGU	0,10	12,98	12,78	13,51	0,20
UGAGGUAGUAGGUUGUAUGGUU	0,17	1,65	1,62	1,74	0,34

CCAAAACUGCAGUUACUUUUGC	-0,16	0,12	0,08	0,23	0,34
UCUCUGGGCCUGUGUCUUAGGC	-0,16	0,04	0,05	0,04	0,33
AAAGACAUAGGAUAGAGUCACCUC	-0,16	0,08	0,08	0,09	0,34
ACUGUAAACGCUUUCUGAUG	-0,15	1,15	1,45	0,37	0,31
UAACGCAUAAUAUGGACAUGU	-0,16	0,10	0,08	0,15	0,34
CUUUCAGUCGGAUGUUUACAGC	0,14	1,89	1,67	2,46	0,31
CUAGGUAUGGUCCCAGGGAUCC	-0,15	0,08	0,09	0,06	0,33
GUGCAUUGCUGUUGCAUUGC	-0,14	0,30	0,30	0,30	0,31
AAAAACUGAGACUACUUUUGCA	-0,16	0,20	0,17	0,28	0,34
AUCACAUUGCCAGGGAUUACC	0,16	0,87	0,92	2,61	0,33
UAGCAGCACAGAAUAUUGGC	-0,15	0,06	0,08	0,03	0,32
CAAAGUGCUUACAGUGCAGGUAG	0,16	15,01	14,43	16,53	0,34
AAUAUAACACAGAUGGCCUGU	-0,15	0,24	0,24	0,24	0,33
UCAGUGCAUCACAGAACUUUGU	0,09	9,50	9,68	9,02	0,21
GAACCCAUGAGGUUGAGGCUGCAGU	-0,13	0,38	0,44	0,20	0,29
CAAUGUUUCCACAGUGCAUCAC	-0,14	0,02	0,02	0,01	0,32
CUGACUGAAUAGGUAGGGUCAUU	-0,14	0,03	0,04	0,01	0,32
CUUAGCAGGUUGUAUUAUCAUU	-0,14	0,09	0,11	0,05	0,33
UCAGCAUUCAUUGGCACCAGAGA	-0,14	0,97	1,27	0,22	0,31
UGAAGCGCCUGUGCUCUGCCGAGA	-0,15	0,10	0,10	0,08	0,34
AUAGUCCGAGUAACGUCGGGGC	-0,13	0,55	0,69	0,18	0,30
CGGGGCAGCUCAGUACAGGAU	-0,14	1,11	0,98	1,45	0,33
UUGCUUGAACCAGGAAGUGGA	-0,13	1,27	1,17	1,55	0,32
UCGGCUGUGUAUCUCUGUGCC	-0,14	0,18	0,20	0,13	0,34
CAUGCCUUGAGUGUAGGACCGU	-0,09	12,33	12,42	12,09	0,22
AUCAUGUAUGAUACUGCAAACA	-0,11	0,68	0,83	0,31	0,27
UCAGCAAACAUUUAUUGUGUGC	-0,13	0,04	0,05	0,02	0,32
UGUGACAGAUUGAUACUGAAA	-0,14	0,12	0,15	0,05	0,33
ACUGGCCUGGGACUACCGG	-0,14	0,15	0,14	0,17	0,34
UUAUGGUUUGCCUGGGACUGAG	0,09	3,75	3,71	3,87	0,21
UCUCACACAGAAAUCGCACCCGU	0,13	3,53	3,52	3,53	0,32
CAGGCCAUUAUUGUGCUGCCUCA	-0,12	0,19	0,25	0,01	0,30
UUUUGCAAUAUGUCCUGAAUA	-0,13	0,13	0,14	0,11	0,34
UAAUACUGCCUGGUAAUGAUGA	-0,12	0,27	0,37	0,02	0,30
AACAAUAUCCUGGUGCUGAGUG	-0,12	0,17	0,22	0,04	0,30
UGUGACAAUAGAGAUGAACAU	-0,12	0,03	0,04	0,01	0,30
CCUCCCACACCCAAGGCUUGCA	0,13	0,34	0,26	0,56	0,33
UACUGGUUGAACACUGAACCC	-0,12	0,08	0,09	0,04	0,31
GAUUGAGACUAGUAGGGCUAGGC	-0,10	0,31	0,35	0,20	0,27
UUGAGAAUGAUGAAUCAUUAGG	-0,13	0,18	0,08	0,43	0,33
AAUGUUGGAAUCCUCGCUAGAG	-0,11	0,15	0,21	0,01	0,30
GUCCAGUUUUCCAGGAAUCCCU	-0,13	0,15	0,16	0,12	0,33
UUCAGCCAGGCUAGUGCAGUCU	-0,12	0,04	0,05	0,02	0,31
UAGUACCAGUACCUUGUGUUCA	-0,13	0,24	0,27	0,17	0,34
UUGAUCUCGGAAGCUAAGC	-0,13	4206,48	4424,26	3640,25	0,34
AAGCCCUUACCCCAAAAAGCAU	-0,09	0,65	0,59	0,81	0,24
AGCUACAUCUGGCUACUGGGU	0,12	2,08	2,17	1,86	0,31
UAGGUAGUUUCCUGUUGUUGGG	-0,11	0,84	0,91	0,67	0,29
UUACAGUUGUUAACCAGUUACU	-0,13	0,31	0,32	0,29	0,34
CCUCCUGAUGAUUCUUCUUC	-0,12	0,68	0,69	0,63	0,32
GGUAGUGAGUUAUCAGCUAC	-0,12	6,90	8,33	3,17	0,34
UGCCUGUGGACUCAGUUCUGG	-0,12	0,06	0,06	0,06	0,33
UGCUGGAUCAGUGGUUCGAGUC	-0,11	0,02	0,02	0,02	0,31
UUAGGGCCCUGGCUCCAUCUCC	-0,11	0,03	0,03	0,01	0,30
CAGCCCGGAUCCAGCCACUU	-0,12	0,13	0,08	0,27	0,34
UCCCCAACCCUGCCCGCAG	-0,11	0,05	0,06	0,01	0,29

UGCAAAAGUAAUCACAGUUUUU	-0,12	0,19	0,21	0,13	0,34
CUCCUCCCCUGCCUGGCCAG	-0,11	0,04	0,05	0,02	0,30
UCCCCAGGUGUGAUUCUGAUUU	0,12	0,53	0,44	0,79	0,33
CUCGUGGGCUCUGGCCACGGCC	-0,11	0,04	0,05	0,02	0,31
UUACACAGCUGGACAGAGGCA	-0,11	0,06	0,08	0,01	0,29
ACCAGGAGGCUGAGGCCCCU	-0,09	0,43	0,58	0,03	0,26
GGAGGCCGGGGUGGGGCGGGGCGG	-0,12	0,27	0,11	0,68	0,34
CUGGGAGGUCAAGGCUGCAGU	-0,12	1,16	1,44	0,42	0,33
UGUGCUUGCUCGUCCCGCCGCA	-0,11	0,03	0,03	0,03	0,32
UUUAGAGACGGGGUCUUGCUCU	0,12	3,00	2,66	3,89	0,34
CCCAGUGUUUAGACUAUCUGUUC	-0,11	0,10	0,10	0,09	0,32
UGAGAACUGAAUCCAUAAGGCU	-0,08	17,91	18,81	15,57	0,24
UGCCCUAAAUGCCCCUUCUGGC	-0,10	0,08	0,10	0,04	0,30
CUAUACAGUCUACUGUCUUUCC	-0,11	0,15	0,19	0,03	0,32
UCUUGGAGUAGGUCAUUGGGUGG	-0,11	0,11	0,12	0,07	0,31
AGGUUACCCGAGCAACUUUGCAU	-0,10	0,04	0,04	0,03	0,31
UUAUAGCUAAUCGUGAUAGGGGU	0,11	1,17	1,16	1,20	0,33
UGUCUUGCAGGCCGUGAUGCA	-0,11	0,12	0,14	0,06	0,31
GGCGGGUGCGGGGGUGG	0,11	0,21	0,14	0,42	0,33
CUUUCAGUCAGAUGUUUGCUGC	-0,10	0,05	0,05	0,05	0,31
UGUGAGGUUGGCAUUGUUGUCU	-0,11	0,17	0,12	0,29	0,34
UGCCCUAGACUUUUGCUC	-0,10	0,11	0,11	0,10	0,32
CGCGGGUGCUUACUGACCCUU	-0,11	0,08	0,05	0,14	0,33
GACUAUAGAACUUUCCCCUCA	-0,10	0,13	0,15	0,08	0,32
CUGGUUUCACAUGGUGGCUUAG	-0,10	0,25	0,33	0,06	0,31
AAUCUGAGAAGGCGCACAAGGU	-0,11	0,13	0,13	0,13	0,33
GCUUCUGUAGUGUAGUC	-0,10	308,79	324,66	267,54	0,33
GUGCAUUGUAGUUGCAUUGCA	-0,09	0,03	0,04	0,02	0,29
CGGGGCGGCAGGGGCCUC	-0,09	0,15	0,20	0,04	0,30
UGAGGGGCCUCAGACCGAGCUUUU	-0,10	0,33	0,39	0,18	0,34
CUGGGCCCCGCGGCGGGCGUGGGG	-0,08	0,26	0,35	0,01	0,26
GCCCCUGGGCCUAUCCUAGAA	0,09	0,68	0,63	0,80	0,30
CUGUGCGUGUGACAGCGGCUGA	0,09	2,16	1,89	2,86	0,30
CCCAUACACGGUCGACCUCUU	-0,08	0,05	0,06	0,02	0,28
UUGGCUGGUCUCUGCUCGCAG	-0,09	0,03	0,03	0,03	0,30
GCCGGGCAUGGUGGCUCACG	-0,09	1,37	1,58	0,83	0,31
AGCUCGGUCUGAGGCCCCUCAGU	0,10	3,00	3,52	6,16	0,34
UUCACCCUCUCACCUAAGCAG	-0,08	0,04	0,05	0,01	0,28
UAAUUUUAUGUAUAAGCUAGU	0,10	0,49	0,51	0,43	0,34
AACAUUCAUUGCUGUCGGUGGGU	0,09	1,64	1,53	1,92	0,30
ACUGGACUUGGAGUCAGAAGGC	-0,07	4,29	4,10	4,80	0,25
UCAAGUGUCAUCUGUCCCUAG	-0,08	0,04	0,04	0,02	0,29
UAGUACUGUGCAUAUCAUCAU	-0,07	0,05	0,06	0,01	0,26
ACUCGGCGUGGCGUCGGUCGUG	-0,08	0,80	0,91	0,53	0,27
GGCUCCUUGGUCUAGGGGUA	-0,10	11,97	12,50	10,60	0,34
UGCCUAGGCUGAGACUGCAGUG	-0,08	0,03	0,03	0,01	0,28
UUGUAUCCCACUUCUGACACCA	0,09	1,18	1,17	1,20	0,33
CCCUGGGGUUCUGAGGACAUG	-0,09	0,03	0,03	0,04	0,31
UAAUACUGCCGGGUAAUGAUGGA	-0,09	0,13	0,15	0,08	0,31
UGUUGUACUUUUUUUUUGUUC	-0,07	1,35	4,25	7,50	0,27
GAUCUCACUUUGUUGCCCAGG	-0,08	0,03	0,04	0,01	0,28
UUGAGGGGAGAAUGAGGUGGAGA	-0,07	0,08	0,09	0,04	0,27
AGUGCCUGAGGGAGUAAGAGCCC	-0,09	0,07	0,06	0,08	0,32
CAAAGACUGCAAUUACUUUUGCG	-0,07	0,13	0,18	0,01	0,27
CCUCCGUGUUACCUGUCCUCUAG	-0,08	0,09	0,11	0,03	0,29
AGUUGCCAGGGCUGCCUUUGGU	-0,07	0,02	0,02	0,01	0,28

ACUCAAACCCUUCAGUGACUU	-0,08	0,02	0,01	0,03	0,30
AGGUCUGCAUUCAAAUCCCCAGA	-0,07	0,01	0,01	0,00	0,27
UCUGGGCACAGGCGGAUGGACAGG	-0,07	0,03	0,03	0,02	0,28
AACUGGCCUACAAAGUCCCCAGU	-0,07	0,08	0,10	0,02	0,28
CUGCCAAUUCUAGGUCACAG	-0,07	0,16	0,22	0,01	0,27
UUUAGGAUAAGCUUGACUUUUG	-0,09	0,11	0,12	0,10	0,33
AUAGGACUCAUUAUGUGCCAG	-0,06	0,15	0,21	0,01	0,25
AAAGUUCUGAGACACUCCGACU	-0,08	0,05	0,04	0,06	0,31
UUUCUUCUAGACAUGGCAACG	-0,07	0,03	0,03	0,03	0,28
UCCCUGAGACCCUUUAACCUGUGA	0,09	0,84	0,81	0,91	0,33
UUCUGCCUCUGUCCAGGUCCUU	-0,08	0,08	0,06	0,13	0,31
UCUCUCGGCUCUCGCGGCUC	0,09	1,10	1,10	1,11	0,33
UUGGGGUUUGGGGUGCAGACAUUGC	-0,06	0,04	0,05	0,01	0,25
GUGAGUCUCUAAGAAAAGAGGA	-0,07	0,02	0,02	0,03	0,29
AAUGGAUUUUUGGAGCAGG	-0,08	46,93	47,86	44,53	0,31
ACCGCCUGCCCAGUGA	-0,06	0,26	0,32	0,09	0,25
AAGAUGUGGAAAAUUGGAAUC	-0,07	0,12	0,13	0,08	0,30
CUGUACAGGCCACUGCCUUGC	-0,08	0,24	0,19	0,36	0,34
UAGGAGCUAACAGAUGCCUGUU	-0,06	0,04	0,05	0,01	0,26
CCUCACCACCCUUCUGCCUGCA	-0,07	0,05	0,05	0,05	0,29
CCUCACCAUCCUUCUGCCUGC	-0,08	0,05	0,05	0,05	0,31
AUUGUCCUUGCUGUUUGGAGAU	-0,07	0,12	0,16	0,02	0,27
GGAGAUGGAGGUUGCAGUG	-0,06	0,09	0,13	0,01	0,23
CAAUUUAGUGUGUGUAUUAUU	-0,08	0,08	0,05	0,14	0,33
UACCCAUUGCAUAUCGGAGUUG	0,05	5,19	5,06	5,54	0,21
UCAACAGAACGAGACUCUG	-0,07	0,59	0,80	0,04	0,28
UUCAUUUGGUUAUAAACCGCGAUU	-0,06	0,03	0,04	0,01	0,26
UAUUGCACUCGUCCGGGCCUCC	0,05	3,06	2,59	4,28	0,23
CUAUACAAUCUAUUGCCUUC	-0,07	0,03	0,03	0,04	0,29
UGUCACCCGCUCCUUGCCCAG	-0,06	0,41	0,52	0,12	0,27
CGGGGUCGGCGGCGACGUG	0,08	1,62	1,46	2,03	0,34
CAAGUCACUAGUGGUUCCGUU	-0,06	0,10	0,10	0,38	0,27
AAGUUCUGUUAUACACUCAGGC	-0,08	0,31	0,30	0,32	0,34
UGGGUCUUUGCGGGCGAGAUGA	-0,07	0,17	0,22	0,05	0,29
CAUAAAGUAGAAAGCACUACU	-0,05	137,68	139,23	133,65	0,23
GUGCGUGGUGGCUCGAGGCGGGG	-0,05	0,17	0,23	0,00	0,22
GUGGGGGAGAGGCUGUC	-0,06	0,21	0,37	0,17	0,24
UACAGUCUACAGCCAUGGUCG	-0,07	0,10	0,10	0,11	0,30
UGAGGGAGGAGGUUGGGUA	-0,05	0,09	0,12	0,00	0,20
AAUAGCUCAGAAUGUCAGUUCUG	-0,06	0,03	0,04	0,01	0,25
CUCCGUUUGCCUGUUUCGCUG	-0,06	0,04	0,05	0,01	0,25
UUCAUUUGCCUCCCAGCCUACA	-0,06	0,02	0,02	0,02	0,27
AGGACCUUCCCUGAACCAAGGA	-0,06	0,01	0,01	0,01	0,27
UACACUGUCUGGUAAACGAUGU	-0,06	0,68	0,86	0,20	0,26
UACACAGCCUGUGUCCCCUAG	-0,06	0,04	0,04	0,02	0,26
GAAAGUAAUUGCUGUUUUUGCC	-0,05	0,03	0,04	0,00	0,24
GAGCUUAUUCAUAAAAGUGCAG	-0,06	0,01	0,01	0,02	0,27
UAGGACUUAUGUAUCCGG	-0,06	0,48	0,62	0,11	0,29
CUGGGAGAGGGUUGUUUACUCC	-0,06	0,01	0,01	0,01	0,26
UGACCUCUGGUGAACCAACCA	-0,05	0,07	0,10	0,01	0,23
UGAUUGUUUGAUUUUGGGUU	-0,06	0,02	0,02	0,03	0,28
AUUGUCCUCCUCCUCCUCCAG	-0,06	0,11	0,15	0,02	0,25
ACAAAAAAGCCCAACCCUUC	-0,06	0,06	0,06	0,06	0,29
CAUCCCUUGCAUGGUGGAGGG	-0,06	0,03	0,03	0,04	0,29
AAAAGUUAUUGCGGUUUUGGCU	-0,07	0,07	0,04	0,15	0,32
CAAAAACUGCAUUACUUUUGC	-0,06	0,01	0,01	0,01	0,26

UCAGAACAAAUGCCGGUUCCCAGA	-0,07	0,19	0,10	0,42	0,31
ACUGCAUUAUGAGCACUUAAG	-0,06	0,02	0,01	0,04	0,29
GCCUGCUGGGUGGAACCUGGU	-0,06	0,09	0,10	0,09	0,27
GCUGCGCUUGGAUUUCGUCCCC	-0,05	0,03	0,03	0,02	0,26
AGGGCCCCCCCUCAAUCCUGU	-0,06	0,01	0,01	0,02	0,27
UGAGCUAAAUGUGUGCUGGGA	-0,05	0,02	0,03	0,01	0,24
CAGGGCAGAGGGCACAGGAUCUGA	-0,05	0,07	0,10	0,01	0,24
UCCGGUUCUCAGGGCUCCACC	-0,05	0,02	0,02	0,02	0,26
AGGGCUUAGCUGCUUGUGAGCA	-0,05	0,01	0,01	0,02	0,26
UUAUAUACGGACAACCAUUGU	-0,06	0,02	0,01	0,03	0,28
UCUGGGCAACAAAGUGAGACCU	0,07	0,75	0,42	1,61	0,32
UGUCCUCUAGGGCCUGCAGUCU	-0,05	0,01	0,01	0,01	0,25
GAGGGCGGGUGGAGGAGGA	-0,07	0,55	0,32	1,14	0,33
UGAGGAUGGAUAGCAAGGAAGCC	-0,06	0,02	0,01	0,02	0,27
UACACUGUCUGGUAAGAUGG	-0,07	0,39	0,39	0,39	0,34
AUCAGGGCUUGUGGAAUGGGAAG	-0,06	0,17	0,18	0,15	0,29
AGGAGUUCUGGGCUGUAG	-0,06	14,94	15,31	13,96	0,32
AGCGCGGGCUGAGCGCUGCCAGUC	-0,05	0,01	0,01	0,01	0,25
UAAUCCUUGCUACCUGGGUGAGA	-0,07	0,12	0,12	0,14	0,34
UUCUCUCUGUCUUUCUCUCUCAG	-0,04	0,06	0,08	0,00	0,21
AGACAGUAGUUCUUGCCUGGUU	-0,05	0,01	0,01	0,00	0,24
ACUCCAAGAAGAAUCUAGACAG	-0,06	0,01	0,01	0,03	0,29
UGCCCUGCCUGUUUUCUCCUUU	-0,06	0,18	0,11	0,36	0,30
UUUUGCGAUGUGUUCUAAUUAU	-0,06	0,11	0,10	0,12	0,32
CUCCCCUCUCUUUCCUGUUCAG	0,06	2,65	2,67	2,59	0,31
CAAAAGCAAUCGCGUUUUUGC	-0,05	0,01	0,01	0,01	0,26
AGGGGGCGGGCUCCGGCG	-0,05	0,07	0,08	0,07	0,27
AGGCAAGAUGCUGGCAUAGCU	-0,06	0,09	0,09	0,08	0,31
UGCCAACCGUCAGAGCCCAGA	-0,04	0,03	0,04	0,00	0,22
AACGGCAAUGACUUUUGUACCA	-0,05	0,01	0,01	0,01	0,25
UAGCAAGAGAACCAUUACCAUU	0,06	0,33	0,25	0,52	0,30
UUUUUCAUUAUUGCUCUGACC	-0,06	0,16	0,15	0,18	0,33
CUGGAGAUUAUGGAAGAGCUGUGU	-0,05	0,05	0,05	0,05	0,28
UCAGGUGUGGAAACUGAGGCAG	-0,05	0,01	0,01	0,01	0,25
UGAAGGUCUACUGUGUGCCAGG	-0,05	0,02	0,02	0,02	0,25
CCUAUUCUUGGUACUUGCACG	-0,05	0,01	0,00	0,01	0,26
UUCUGGAAUUCUGUGUGAGGGA	-0,05	0,07	0,06	0,12	0,28
AAUGCACCUGGGCAAGGAUUCA	-0,06	0,21	0,19	0,42	0,33
CACUGUUUACACACUGGCUCUU	-0,04	0,02	0,02	0,00	0,22
CUAGACUGAAGCUCCUUGAGG	0,04	19,33	19,61	18,59	0,22
CUCGCCCUUGUCUCCCGCUAG	-0,04	0,03	0,04	0,01	0,23
AGCCGAAGGUGCUUUCUUCAG	-0,03	0,49	0,67	0,00	0,16
CCUGCCCCUCAUCCAGCCCCA	-0,05	0,01	0,01	0,02	0,25
AUAACAUUGUAAAGCGCUUCUUUCG	-0,06	0,06	0,05	0,09	0,31
UAGCAGCGGGAACAGUUCUGCAG	-0,05	0,15	0,15	0,30	0,26
UCACAGUGAACCGGUCUCUUU	-0,05	0,62	1,75	2,69	0,26
UGCCCUUCUCUCCUCCUGCCU	-0,04	0,13	0,17	0,00	0,22
AUGCCUCCCCCGCCCCGCGAG	-0,04	0,02	0,02	0,01	0,23
UCGACAGCACGACACUGCCUUC	-0,04	0,02	0,03	0,01	0,22
UGUCCUCUGUCUCCAGAC	-0,06	0,11	0,06	0,24	0,30
CUUAUGCAAGAUUCCCUUCUAC	-0,04	0,11	0,11	0,13	0,24
GGGAGAAGGGUCGGGGC	-0,05	0,04	0,03	0,06	0,29
UUUUGUGUCUCCAUUCCCCAG	0,06	0,16	0,06	0,43	0,32
UUAUUUUUUGUUUCGGUCACU	-0,04	0,01	0,01	0,02	0,25
AGGCGGAGACUUGGGCAAUUG	-0,05	0,04	0,03	0,06	0,28
UGUAAACAUCUUGACUGGAAG	-0,03	100,20	101,34	97,26	0,16

AGUUUUGCAUAGUUGCACUACA	-0,04	0,01	0,01	0,01	0,23
UUGCAUAGUCACAAAAGUGAUC	-0,04	0,01	0,00	0,02	0,25
GACCAGCCUGAGCAACCU	-0,05	0,70	0,66	0,83	0,29
UAUGUAACACGGUCCACUAACC	-0,04	0,04	0,05	0,02	0,22
CCUAUUCUUGAUUACUUGUUUC	-0,05	0,02	0,01	0,03	0,26
AAGGGCUUCCUCUCUGCAGGAC	-0,05	0,03	0,03	0,05	0,27
GCUGACUCCUAGUCCAGGGCUC	0,05	1,43	1,32	1,73	0,30
ACUGUAGUAUGGGCACUUCAG	-0,04	0,01	0,00	0,02	0,25
GUCAUACACGGCUCUCCUCUCU	-0,04	0,04	0,03	0,04	0,26
GGGCGACAAAGCAAGACUCUUUCUU	-0,03	0,05	0,07	0,00	0,19
UCCACUCUCCUGGCCCCCAG	-0,04	0,01	0,01	0,02	0,24
CCGGUCCCAGGAGAACCUGCAGA	-0,04	0,01	0,00	0,01	0,24
UAUGGAAAGACUUUGCCACUCU	-0,04	0,08	0,10	0,03	0,21
UGGUAGACUAUGGAACGUAGG	-0,04	0,10	0,10	0,10	0,25
CCAGUAUUAACUGUGCUGUGA	-0,04	0,01	0,01	0,02	0,25
UGGGGAGCUGAGGCUCUGGGGGUG	-0,04	0,01	0,00	0,01	0,24
UCAGGACACUUCUGAACUUGGA	-0,04	0,01	0,01	0,01	0,23
UCGGCCUGACCACCCACCCAC	-0,04	0,02	0,03	0,00	0,21
ACCUCUGUGUGCAUGGAUUA	-0,04	0,01	0,00	0,01	0,24
CACACACACACACACGUAAU	-0,04	0,14	0,11	0,22	0,26
UAUAAAAUGAGGGCAGUAAGAC	-0,04	0,02	0,01	0,03	0,24
UGGAGGAGAAGGAAGGUGAUG	-0,03	0,03	0,04	0,01	0,20
UGAGACCUCUGGGUUCUGAGCU	0,05	0,36	0,18	0,81	0,33
CAGCAGCACACUGUGGUUUUGU	-0,04	0,01	0,00	0,01	0,23
AUGACCUAUGAAUUGACAGAC	-0,04	0,50	0,53	0,41	0,26
GCAAAGCACACGGCCUGCAGAGA	-0,04	0,05	0,04	0,05	0,25
AGUUCUUCAGUGGCAAGCUUUA	0,06	0,45	0,52	0,27	0,34
AGCGAGGCCCCGUCUCUA	-0,03	0,03	0,04	0,01	0,20
AGCAUACACCGUAGUCCUAGA	-0,03	0,16	0,21	0,00	0,20
AGAGUUGAGUCUGGACGUCCCG	-0,04	0,01	0,00	0,01	0,23
AAUCCUUUGUCCUGGGUGAGA	-0,05	0,12	0,11	0,14	0,32
UGGGCUAAGGGAGAUGAUUGGGUA	-0,03	0,03	0,04	0,01	0,20
CGGCCCCACGCACCAGGGUAAGA	-0,04	0,00	0,00	0,01	0,23
UCUAGUAAGAGUGGCAGUCGA	0,05	0,11	0,04	0,29	0,31
AAGCAAUACUGUUACCUGAAAU	-0,05	0,03	0,01	0,08	0,31
CCUCUCCUCCUGUGCCCCAG	-0,03	0,05	0,07	0,00	0,19
AUCCGCGCUCUGACUCUCUGCC	-0,04	0,01	0,00	0,01	0,23
UGUAGAGCAGGGAGCAGGAAGCU	-0,05	0,56	0,52	0,67	0,34
UCAGCUACUACCUCUAUUAGG	-0,04	0,01	0,00	0,01	0,23
AAUCAGUGAAUGCCUUGAACCU	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,22
UAGCAAAAACUGCAGUUACUUU	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,22
GACUCCCUGAGUAGAACCCUGGA	-0,03	0,00	0,00	0,00	0,21
UCACCCUGCAUCCCGCACCCAG	-0,03	0,01	0,01	0,01	0,22
CUCACUGAUCAAUGAAUGCA	-0,03	0,07	0,10	0,00	0,20
AGAUCGACCGUGUUAUUAUUCGC	-0,03	0,01	0,01	0,01	0,21
UCACUCCUCUCCUCCCGUCUU	-0,03	0,05	0,07	0,00	0,19
UCUUUGGUUAUCUAGCUGUAUGA	-0,03	0,02	0,01	0,02	0,23
GCAUGUGAUGAAGCAAUUCAGU	-0,05	22,26	34,22	20,78	0,34
UUCCUAUGCAUUAUCUUCUUUG	-0,03	0,01	0,01	0,02	0,22
CAUCAGAAUUAUGGAGGCUAG	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,21
GCAGCCCAGCUGAGGCCUCUG	-0,03	0,00	0,01	0,00	0,21
CAGGGCUGGCAGUGACAUGGGU	-0,04	0,04	0,03	0,05	0,25
UGUUCAUUGGAACCCUGCGCAG	-0,03	0,02	0,03	0,01	0,20
AAAGGAGGAAAUAGGCAGGCCA	-0,03	0,03	0,04	0,00	0,19
UGACUUCUACCUCUCCAAAG	-0,03	0,04	0,05	0,00	0,19
UGGAAUGUAAAGAAGUAUGUAU	-0,03	0,04	0,05	0,31	0,17

UGGGUGGGAGACCGCCUG	-0,03	0,13	0,24	0,24	0,22
UCAGAGUCCAAAGUGCUCACCAU	-0,02	0,07	0,10	0,00	0,15
UGAAGUACCAGCUACUCGAGAG	-0,04	0,15	0,06	0,40	0,24
AUGGCCAGAGCUCACACAGAGG	-0,03	0,01	0,01	0,01	0,21
UCUCUCUGACUCCAUGGCA	-0,03	0,03	0,04	0,00	0,19
CUGCCCUAGUCUAGCUGAAGCU	-0,03	0,00	0,00	0,00	0,21
UUAUCCUCCAGUAGACUAGGGA	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,21
AACCCAGUGGGCUAUGGAAAUG	-0,03	0,01	0,02	0,00	0,19
ACUGAUUUCUUUUGGUGUUCAG	-0,03	0,03	0,05	0,00	0,19
CGCGCCGGGCCCGGGU	-0,03	0,02	0,02	0,03	0,23
CGAAAACAGCAAUACCUUUGC	-0,03	0,01	0,01	0,01	0,21
AGCCCGCCCCAGCCGAGGUUCU	-0,03	0,01	0,01	0,01	0,22
AGGGACUGCCUUAGGAGAAAGUU	-0,03	0,01	0,00	0,01	0,21
CGUCCCGGGGCGCGCAGGCA	-0,03	0,03	0,04	0,00	0,19
UCCUGCCUCCUCUGCACCAG	-0,03	0,01	0,01	0,02	0,22
UUUGGGAUUGACGCCACAUGUCU	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,21
AAGCUCAGGUUUGAGAACUGCUGA	-0,03	0,16	0,22	0,00	0,18
CUUUCAGUCGGAUGUUUGCAGC	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,21
UAGUGAGUUAGAGAUGCAGAGCC	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,21
GUGAGGACUCGGGAGGUGG	-0,04	0,06	0,04	0,13	0,26
CGUCAACACUUGCUGGUUCCU	-0,05	0,43	0,59	0,43	0,33
CAGCCCUCCUCCCGCACCCAAA	-0,03	0,00	0,00	0,00	0,20
CCCUCAUCUCCCCUCCUUUC	-0,02	0,05	0,07	0,01	0,17
CACAUUACACGGUCGACCUCU	-0,03	0,02	0,02	0,02	0,21
CGGCCCCGGGCGUGCUGCUGUCCU	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,21
UCAGUGUCUGGAUUUCCUAG	-0,03	0,02	0,03	0,01	0,18
UGAGGAGGAUCUGAAGGAUUGG	-0,03	0,02	0,03	0,00	0,18
GAACUCACCCUCUGCUCCCAG	-0,03	0,12	0,17	0,00	0,18
AAUCAUACAGGGACAUCAGUU	-0,03	0,01	0,01	0,00	0,20
UCUGGGAGGUUGUAGCAGUGGAA	-0,03	0,02	0,03	0,00	0,18
AGUGGAUGAUGGAGACUCGGUAC	-0,03	0,01	0,01	0,01	0,20
CUACCCCCCAUCCCCUGUAG	-0,03	0,02	0,03	0,00	0,18
UCUGGCAAGUAAAAACUCUCAU	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,20
GCCCAAAGGUGAAUUUUUGGG	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,20
CGGGUAGAGAGGGCAGUGGGAGG	-0,02	0,02	0,03	0,00	0,18
CGCACCUGCCUCACCCACAG	-0,02	0,14	0,19	0,00	0,18
UGCUGAUGGCAGAUGUCGGGUCUG	-0,02	0,57	0,79	0,00	0,16
GGCGCCGCCGCCUCCGCCUCCGCC	-0,03	0,03	0,03	0,01	0,18
UUGUCUCUUGUCCUCACACAG	-0,03	0,01	0,01	0,01	0,21
UUGUGAAGAAAGAAUUCUUA	-0,03	0,00	0,01	0,00	0,19
AGAAGUAAUUGCGGUUUUGCCA	-0,02	0,02	0,03	0,00	0,18
GAACGGCUUCAUACAGGAGUU	-0,03	0,01	0,01	0,01	0,19
CCACUUGGAUCUGAAGGCUGCCC	-0,03	0,00	0,00	0,00	0,20
UGGCCCUGACUGAAGACCAGCAGU	-0,03	0,15	0,18	0,10	0,23
AGCCCCUGCCCACCGCACACUG	-0,03	0,00	0,00	0,00	0,20
UCAGGACUUUUUCUCUGA	-0,02	0,02	0,03	0,01	0,18
UAUGGAGUGGACUUUCAGCUGGC	-0,03	0,01	0,01	0,00	0,19
UUUCUCUCUCCACUCCUCAG	-0,03	0,01	0,01	0,02	0,21
UUAGAGGCUGGAAUAGAGAUUCU	-0,03	0,01	0,00	0,01	0,21
UCCACUGCCACUACCUAAUUU	-0,02	0,03	0,04	0,00	0,16
CUGCAAUGUAAGCACUUCUAC	-0,03	0,01	0,01	0,03	0,23
UGACAGCGCCUGCCUGGCUC	-0,03	0,00	0,00	0,00	0,19
UCUUUUUCUUUGAGACUCACU	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,19
UUCACAUUGUGCUACUGUCUGC	-0,03	0,00	0,00	0,00	0,19
CUAUACAAUCUACUGUCUUUC	0,04	0,29	0,23	0,45	0,34
CGUGCCACCCUUUCCCCAG	-0,03	0,01	0,01	0,02	0,21

AGGAAGCCCUGGAGGGGCGUGGAG	-0,03	0,01	0,01	0,02	0,21
CCCCGGGGAGCCCGGCG	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,20
UACUAACUGCAGAUUCAAGUGA	-0,03	0,00	0,00	0,01	0,20
GGGUGCGGGCCGGCGGGG	-0,02	0,06	0,08	0,01	0,17
CUUAUCAGAUUGUAUUGUAAUU	0,03	1,56	1,62	1,42	0,27
ACGUUGGCUCUGGUGGUG	-0,03	0,02	0,02	0,04	0,23
AACAUAGAGGAAAUUCCACGU	-0,03	0,04	0,03	0,07	0,26
AAUCAUUCACGGACAACACUU	-0,02	0,02	0,02	0,02	0,20
AGGGCCGAAGGGUGGAAGCUGC	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,19
UUAGCCAAUUGUCCAUCUUUAG	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,19
ACUCUUUCCUGUUGCACUAC	0,04	0,21	0,15	0,35	0,32
ACCGUGGCUUUCGAUUGUUACU	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,19
AUCAUACAAGGACAAUUUCUUU	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,19
CAUGACGUCACAGAGGCUUCGC	-0,02	0,03	0,04	0,00	0,16
AGGAUGAGCAAAGAAAGUAGAUU	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,19
UAUGUAAUAUGGUCCACAUCUU	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,19
AUCACACAAAGGCAACUUUUGU	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,19
UGGCAGUGUCUUAGCUGGUUGU	-0,02	0,00	0,01	0,00	0,18
AAACUCUACUUGUCCUUCUGAGU	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,19
ACUUGUAUGCUGCUCAGGUAG	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,19
AAAAGCUGGGUUGAGAGGGCAA	-0,03	0,28	0,32	0,16	0,27
CAACUAGACUGUGAGCUUCUAG	-0,02	0,02	0,03	0,00	0,16
UACAAGUCAGGAGCUGAAGCAG	-0,02	0,01	0,01	0,00	0,17
UAAAACUGCAGUUUUUUUUGC	-0,02	0,04	0,05	0,01	0,17
UGUAAACAUCUCGACUGGAAG	0,04	1,16	1,05	1,43	0,33
CCCUUCCUCACUCUUCUCUCAG	-0,02	0,01	0,01	0,02	0,19
UGUCUUUCUUCUCUCCCUUGCAG	-0,02	0,16	0,22	0,00	0,16
GUUCAAAUCCAGAUCAUAUAC	-0,02	0,02	0,03	0,00	0,16
CUAUUAUCAAACAUUUCCU	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,18
UUCUCUUUCUUUAGCCUUGUGU	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,17
AUCAUGAUGGGCUCUCGGUGU	-0,02	0,02	0,02	0,03	0,19
AAAAGGCGGGAGAAGCCCCA	-0,02	0,01	0,00	0,01	0,19
AAGGCCUUUCUGAACCUUCAGA	-0,02	0,02	0,03	0,00	0,16
CGGUGGACUGGAGUGGGUGG	-0,02	0,60	0,83	0,00	0,14
UGGUUGACACAGCGAGACUCUGU	-0,03	0,05	0,03	0,09	0,25
GGGGCUGGGCGCGCGCC	-0,02	0,16	0,20	0,05	0,20
GGAGAAUUAUCCUUGGUGUGU	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,18
UGAGGCGGGGGGGCGAGC	-0,04	2,96	3,38	1,86	0,33
AAAAGUAUUUGCGGGUUUUGUC	-0,02	0,01	0,01	0,02	0,19
CUGGGACAGGAGGAGGAGGCAG	-0,02	0,02	0,03	0,00	0,16
AGAGUCGGCGACGCCGCCAGC	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,17
AGGUUGGGAUCGGUUGCAAUGCU	-0,02	0,01	0,01	0,02	0,19
UGC UUAACCUUGCCCUCGAAA	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,18
UGUCCUCUGUCCUCAG	-0,02	0,01	0,01	0,02	0,19
UUUGUGACCUGGUCCACUAACC	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,17
AGUGGGGAACCCUCCAUGAGG	-0,02	0,01	0,00	0,01	0,18
UAGGUAGUUUCAUGUUGUUGGG	-0,02	0,01	0,00	0,02	0,19
UACUUUUCUAGGUUGUUGGGG	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,17
AGGAGGAAUUGGUGCUGGUCUU	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,17
CCCGGACAGGCGUUCGUGCGACGU	-0,02	0,03	0,05	0,00	0,14
GGAGGAACCUUGGAGCUUCGGC	-0,02	0,01	0,00	0,01	0,19
CGUGGAGGACGAGGAGGAGGC	-0,03	0,06	0,05	0,10	0,23
CCAGGGUUUCGAGGCUGUAGUGUC	-0,02	0,03	0,05	0,00	0,14
CACUAGAUUGUGAGCUCCUGGA	0,04	1,94	1,91	2,03	0,32
UUGGAGGCGUGGGUUUU	-0,02	0,14	0,31	0,52	0,19
UCGGCCUGGGGAGGAGGAAGGG	-0,02	0,01	0,02	0,00	0,15

UGGGAGGGGAGAGGCAGCAAGCA	-0,02	0,06	0,09	0,00	0,15
CAACCCUAGGAGAGGGUGCCAUUCA	-0,04	0,22	0,21	0,24	0,34
UGGGAAAGACAAACUCAGAGUU	-0,02	0,15	0,20	0,00	0,14
UAUGGCUUUUUAUUCUAUGUGA	-0,02	0,02	0,01	0,03	0,19
UCGACCGGACCUCGACCGGCU	0,04	2,09	2,15	1,93	0,34
GCAGUGGCUCUGAAAUGAACUC	-0,02	0,01	0,02	0,00	0,15
GCUGGGCAGGGCUUCUGAGCUCCUU	-0,02	0,01	0,02	0,00	0,15
ACGGGGAGUCAGGCAGUGGUGGA	-0,02	0,01	0,02	0,00	0,15
CCUGGACACCGCUCAGCCGGCCG	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,17
AGCUUUUGGGAUUCAGGUAGU	-0,02	0,01	0,01	0,02	0,19
UAGGUGGCGCCGGAGGAGUCAUU	-0,02	0,03	0,03	0,02	0,17
GUAGAUUCUCCUUCUAUGAGUA	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,18
UGAGGGUGUCAGCAGGUGACG	-0,02	0,01	0,02	0,00	0,15
AGGCCUGUCCUCUGCCCCAG	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,17
UACCCUGUAGAACCGAAUUUGUG	-0,03	0,09	0,03	0,25	0,30
GGGACUAGGAUGCAGACCUCC	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,17
UUACAGGCGUGAACCACCGCG	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,17
ACUCCAUUUUGUUUGAUGAUGGA	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,17
CAUGCAGGAUAGAAAGAAUGG	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,16
UAAACUUUAAGUGUGCCUAGG	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,17
UAGAUAAAAUUAUUGGUACCUG	-0,02	0,00	0,01	0,00	0,16
AGGGGGAUGGCAGAGCAAAAUU	-0,02	0,03	0,02	0,04	0,20
UGAUUGUCUCCCCACCCUCA	-0,02	0,16	0,22	0,00	0,15
AACUCUGACCCCUUAGGUUGAU	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,17
UUUCCCUUCCAUCUUGGCAG	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,17
UUGGGAGGGAAGACAGCUGGAGA	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,17
UCAGUUCAGGCCAACCAGGCU	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,17
AUCAUAGAGGAAAAUCCAUGUU	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,17
UUGUACAUGGUAGGCUUUCAUU	-0,03	0,05	0,14	0,21	0,24
AGCCUGGAAGCUGGAGCCUGCAGU	-0,02	0,01	0,01	0,03	0,20
AGCUUCCAUGACUCCUGAUGGA	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,17
CUUUGCUUCCUGCUCCCCUAG	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,17
UGUCGUGGGGCUUGCUGGCUUG	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,16
CAUAGCCCGGUCGCGUGGUACAUGA	-0,02	0,34	0,23	0,64	0,18
AAUGUGGAAGUGGUCUGAGGCAU	-0,02	0,02	0,03	0,00	0,14
UUCUGGAUAACAUGCUGAAGCU	-0,02	0,03	0,05	0,00	0,14
UGUGUGUGUAGAGGAAGAAGGGA	-0,02	0,12	0,17	0,00	0,14
AACUGGCCCUCAAAGUCCCGCU	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,17
UGGAGGGUGUUUCUGAGACAGU	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,16
UAGGGGAAAAGUCCUGAUCCGG	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,17
UGCCUGCAUGGUGUCCCCACAG	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,16
CGGAGUUGGACCUGGGACUUGC	-0,02	0,01	0,00	0,01	0,17
GCUAAGGAAGUCCUGUGCUCAG	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,17
UGGCCCAAGACCUCAGACC	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,16
AAAAGGCAUUGUGGUUUUUG	-0,02	0,02	0,02	0,01	0,15
UUUGAGGCUACAGUGAGAUGUG	-0,03	0,14	0,06	0,37	0,28
GUGGGUGCUGGUGGGAGCCGUG	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,16
AGGGACGGGACGCGGUGCAGUG	-0,02	0,02	0,02	0,02	0,16
UGGGAACGGGUUCCGGCAGACGCUG	-0,02	0,03	0,02	0,03	0,18
UUUCCGGCUCGCGUGGGUGUGU	-0,03	0,38	0,38	0,39	0,33
GGUGGUUGAGGCUGCAGUAAGU	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
UCGGCUCUCUCCCUACCCUAG	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,16
GUGCAAAAGUCAUCACGGUU	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,16
UGACGCCCCUUCUGAUUCUGCCU	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,17
UUCUGGGCUUCUCCUCUGUAG	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,16
CACAUGGCCGAAACAGAGAAGU	-0,02	0,01	0,00	0,01	0,17

GGGGCUGGGGCCGGGGCCGAGC	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
CAAAACUGGCAUUUACUUUUGC	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,17
CAAAAACACAGUUUCUUUUGC	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,16
AAUGUGGACUGGUGUGACCAAA	-0,02	0,02	0,03	0,01	0,15
UAUGUAACAUGGUCCACUAACU	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,16
CGGAUGAGCAAAGAAAGUGGUU	-0,01	0,03	0,03	0,00	0,14
AUAAUACAUGGUUAACCUCUUU	-0,02	0,01	0,00	0,01	0,17
UAGGCAGUGUAUUGCUAGCGGCUGU	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
CCGCCGCGGGGGCGCGCC	-0,02	0,05	0,04	0,06	0,20
CGGGUGGAUCACGAUGCAAUUU	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,17
UCCCUGAGACCCUAACUUGUGA	-0,03	0,15	0,13	0,20	0,33
UUCGCGGGCGAAGGCAAAGUC	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
UGGUGGGCCGCAGAACAUGUGC	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,16
UGGGAAAGAGAAAGAACAAGUA	-0,01	0,14	0,19	0,00	0,14
CAAAACCGCGAUUACUCUUGCA	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,16
UUGCUCUGCUCGCCCCGCCCCAG	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
GGGUUUGUAGCUUUGCUGGCAUG	-0,01	0,04	0,05	0,00	0,14
GCAGUGGUGGUUCUGUGG	-0,01	0,07	0,10	0,00	0,14
UAUGGCUUUUCAUCCUAUGUGA	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
AGAUGUCCAGGCCACAAUUCUCG	-0,01	0,05	0,08	0,00	0,14
AGGUGCUCAGGCUGGCUCACA	-0,01	0,07	0,10	0,00	0,14
UAGGAUGGGGGUGAGAGGUG	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
AAUCGUACAGGGUCAUCCACUU	-0,02	0,05	0,16	0,24	0,24
UUCGCCACUUCCCUCCUGCAG	-0,01	0,02	0,02	0,00	0,14
UCUGUCAUUUCUUUAGGCCAAUA	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
AGGCGAUGUGGGGAUGUAGAGA	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
AGGGUAAGCUGAACCUCUGAU	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
UCGGGGCAUGGGGGAGGGAGGCUGG	-0,01	0,43	0,60	0,00	0,14
AGGUUGUCCGUGUUGUCUUCUCU	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
AGGGGGCGCAGUCACUGACGUG	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
CCUCAGGGCUGUAGAACAGGGCU	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
CUACAAAGGGAAGCCCUUUC	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
AAAACUAGGACUGUGUGGUGUA	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
AAUCUCAUGACACUCACUCACU	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
UGCAUGUGCUGUGUGCAU	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
UAGGACUGUGCUUGGCACAUAG	-0,01	0,05	0,07	0,00	0,14
UCCCAGGGUCUGGUCAGAGUUG	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
GUUCUGUUAACCCAUCCCUCA	-0,01	0,13	0,18	0,00	0,14
AAGGUAAUGUUCAGACUUAUGA	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
UCUCUCUCCACUUCCUGCAG	-0,01	0,01	0,01	0,00	0,15
AUCCACCUCUGCCACCA	-0,01	0,02	0,02	0,00	0,14
UUUAGAUUGAACAUGAAGUUAG	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
AGGAGAAGUAAAGUAGAA	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
ACUGGACUAGGAGUCAGAAGG	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
AGUGGGAGGCCAGGGCACGGCA	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
AAAGUGCUUCUCUUUGGUGGGU	-0,01	0,12	0,17	0,00	0,14
GAGAGGAACAUGGGCUCAGGACA	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,17
UCACAAGUCAGGCUCUUGGGAC	-0,02	0,00	0,00	0,00	0,16
AAUGUUUUUCCUGUUUCC	-0,01	0,02	0,02	0,00	0,14
GUGAGGGACUGGGAUUUGUGG	-0,01	0,07	0,10	0,00	0,14
ACGGAGACGACAAGACUGUGCUG	-0,01	0,13	0,18	0,00	0,14
CGGCUCUGGGUCUGUGGGGA	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,16
ACUGGGCAGGGCUGUGGUGAGU	-0,01	0,03	0,03	0,00	0,14
GUGUGACCACCGUCCUGCAG	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
AGGAGGGAGGAGAUGGGCCAAGUU	-0,01	0,14	0,19	0,00	0,14
GGUGGCCCGGCCGUGCCUGAGG	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14

CUACCCUCGGUCUGCUUACCACA	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
CUGACUGUUGCCGUCCUCCAG	-0,01	0,13	0,18	0,00	0,14
CAAAACGUGAGGCGCUGCUAU	-0,03	0,13	0,12	0,16	0,31
CUGGGAUCUCCGGGGUCUUGGUU	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,15
AAAAGUAAUUGCGGUCUUUGGU	-0,02	0,02	0,01	0,03	0,20
CAACCUGGAGGACUCCAUGCUG	-0,01	0,07	0,10	0,00	0,14
ACACUGUCCCCUUCUCCCCAG	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
CCUGACACCCCAUCUGCCCUCA	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
AUCAAGGAUCUUAACUUGCC	-0,01	0,05	0,07	0,00	0,14
UGUGCAGCAGGCCAACCGAGA	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,16
AGAAGUGGCUAUAUAUUGA	-0,01	0,02	0,02	0,00	0,14
CAGCAGGGGAGAGAGAGGAGUC	-0,01	0,07	0,10	0,00	0,14
AGGAGGGAAGGGGCUGAGAACAGGA	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
AGGGGUGGUGUUGGGACAGCUCCGU	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
CGCGCGGCCGUGCUCGGAGCAG	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
AUUGUAGAACCUAAGAUUGGCC	-0,01	0,03	0,04	0,00	0,14
GUAGAGGAGAUGGCGCAGGG	-0,03	0,06	0,04	0,10	0,29
CAAGCUCGUGUCUGUGGGUCCG	-0,02	0,01	0,01	0,01	0,16
UUAGACCUAGUACACGUCCUU	-0,01	0,04	0,05	0,00	0,14
AACUGUUUGCAGAGGAAACUGA	-0,02	0,01	0,00	0,02	0,17
GUGUGGAAGAUGGGAGGAGAAA	-0,01	0,01	0,02	0,00	0,14
AAUCCACGCUGAGCUUGGCAUC	-0,01	0,01	0,02	0,00	0,14
UGAGGCACGACUUGGGAUGAGA	-0,02	0,01	0,00	0,01	0,17
AUAUACAGGGGGAGACUCUUAU	-0,02	0,00	0,00	0,01	0,15
CGGCGGGGACGGCGAUUGGUC	-0,02	0,03	0,02	0,04	0,18
AGAAGGCCUUUCAUCUCUGU	-0,01	0,01	0,02	0,00	0,14
GAGGAAUGAUGAAAAGAA	-0,01	0,01	0,02	0,00	0,14
AAAGACCAUUGAGGAGAAGGU	-0,01	0,02	0,03	0,00	0,14
AAACAAACAUGGUGCACUUCUU	-0,03	0,10	0,09	0,13	0,28
UGGCGGCGGUAGUUAUGGGCUU	-0,01	0,01	0,02	0,00	0,14
UGUGCAAUCCAUGCAAACUGA	-0,02	46,66	46,42	47,28	0,24
GGCGGGCGGCGGAGGGGC	-0,02	0,05	0,04	0,06	0,20
AGAGGUAGGUGUGGAAGAA	-0,01	0,01	0,02	0,00	0,14
CGGGGCCGUAGCACUGUCUGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,15
UCAGGCAAAGGGAUUAUUACAGA	-0,02	0,01	0,00	0,01	0,17
GGGGCCUGGCGGUGGGCGG	-0,01	0,01	0,01	0,00	0,14
UGCCUCUUUCCACGGCCUCAG	-0,01	0,01	0,01	0,00	0,14
UAGCUGUGGCAGCUGCACCACCU	-0,01	0,01	0,01	0,00	0,14
CACCAGGCAUUGUGGUCUCC	-0,01	0,01	0,01	0,00	0,14
GCUGGUGCAAAGUAAUGGCGG	-0,02	0,03	0,02	0,07	0,23
UCUGGUCCUGGACAGGAGGC	-0,01	0,01	0,01	0,00	0,14
CUCCUAUAUGAUGCCUUUCUUC	-0,02	0,01	0,01	0,03	0,18
UGCACGGCACUGGGGACACGU	-0,01	0,01	0,01	0,01	0,15
UCUAUACAGACCCUGGCUUUUC	-0,02	0,02	0,01	0,02	0,16
GGCGACAAAACGAGACCCUGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGGCUGGCUUUCUCUGGUC	-0,03	0,15	0,12	0,24	0,34
UCGCGGUUUGUGCCAGAUGACG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCAAAGUAGUUGCGGCUUUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,15
UGGAGACGCGGCCUGUUGGAGU	-0,01	0,01	0,01	0,01	0,15
GCAGGAACUUGUGAGUCUCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,15
GGGAGCCAGGAAGUAUUGAUGU	-0,02	0,02	0,02	0,04	0,18
CGGCCUGGCGGACGCGGUCGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUCAUUGGAGGGUUUGAGCAG	-0,01	0,01	0,01	0,01	0,15
AAGGAGCUUACAAUCUAGCUGGG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,15
CUGGGAGGUGGAUGUUUACUUC	-0,01	0,01	0,01	0,01	0,15
UGGGCAGGGGCUAAUUGUAGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,15

AACACACCUGGUUAACCUCUUU	-0,02	0,04	0,03	0,05	0,18
UGGAAGGGAGAAGAGCUUUAAU	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,15
UGCCUCCUUGGUCUCCGGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGUGAGGACCCCAAGCUCGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCCUCAGUCCGUUUUGGUCUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,15
AGAGGUUGCCCUUGGUGAAUUC	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,15
UCCGUCUCAGUUACUUUAUAGC	-0,03	0,17	0,15	0,42	0,31
CAAAAACCGGCAUUACUUUUG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UCGGGGAUCAUCAUGUCACGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,16
UUGGCCAUGGGGCUGCGCGG	-0,01	0,01	0,00	0,01	0,15
AAAAGUAAUUGUGGUUUUGGCC	-0,01	0,01	0,00	0,01	0,15
AUUGGCUGUGCAGAUCUUGCCUACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGGGGUCUUGGGCCAUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGCUAGUGAUGCAGGACG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGGGAGAGAACGCAGUGACGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCGCCUUCUCUCCUCCCCCAG	-0,01	0,67	0,85	0,20	0,17
UGAAACAUACACGGGAAACCUC	-0,02	0,07	0,05	0,10	0,24
UAUGGGGCUUCUGUAGAGAUUUC	-0,01	0,00	0,01	0,00	0,14
UCGCCUCCUCCUCUCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAUGAAUCAUGUUGGGCCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUGUUCGUUCGGCUCGCGUGA	-0,01	0,01	0,00	0,01	0,15
GAAAAUGAUGAGUAGUGACUGAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGCUUGUGACUGUGGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCUGGGGGCCACAUGAGUGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCGGAACUUGAGGAGCCGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGCUGUACAUCCAAGGUACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCUGAGCUGAGAACCACUGUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGGCGCGGCCGGAUCG	-0,01	0,01	0,01	0,01	0,14
ACUGGGAAGAGGAGCUGAGGGA	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,15
CUGAAGCUCAGAGGGCUCUGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAUGGUUGACCAGAGAGCACAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGGAGUGCAGUGAUUGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAAGUAAUAUGCACCAAAA	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
GCGGAAGGCGGAGCGGCGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCCGGUGUUGGGGCGCGUCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGAGCCUCAAGCAAGGGACUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACAGUAUAGAUGAUGUACU	-0,01	224,66	225,11	223,48	0,17
CUCGGCGCGGGGCGCGGGCUCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGAAUGUAAGGAAGUGUGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACUGCACUCACCGCACCCGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAAGGCCAGAGGUCCCACAGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAAACGAUGACUCACGCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCAAGUCUGCGUCAUCCUCUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGAGAGAGGACUGUGAGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGUGAGGGCAGGUGGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGAAGGAGACAGGCAGUUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCUGGACUUGGCCUGCUUUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCCCCGGGCAAAGACCUGCAGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAGGAUUGGACCUGGGACUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGUGCCCCACAGUUUGAGUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUAGGAUUGUGCUUCCUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGCGUCUGUCUACGUGGCUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGCUGGACUCAGCGGCGGAGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGGGUCCCCGGUGCUCGGAUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCACCCAGGCAAGGAUUCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCCGUCCCCGUUCGUCCCCGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

GAGGCCAUUCGGCUCUGAGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUAGACUGCCAGACUCCCUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCACUGCAGACUCCUGGGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUCACCUCCCUCCUGGCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGAGGGAAUAGUAAAAGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUUCUAGACUUGCCAACUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCGGGCUGGCCUGCUGCUCCGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAUUGGGUGGUCUGAGGCAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAUCCCCAGAAAGGACUUGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAAGUAGUUUCAUGAUAAAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAGACAUAGUUGCAAGAUGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUCUUCUGCCUGGCUCUCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGGGUUCUGAGACAGACAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAUCCGUCCGUCUGUCCAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCCUCCUUCUGUCCCCACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUUUACCGUCCCACAUACAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUAUUCAGACAAGGCCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGCAGGGGCCGGGUGCUCACCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCUGCCUCUCCUCUUGCCUGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCACCUGCCGAGCACUGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCUGUAUUGUCAGGUAGUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGGGCAGCGUGUGGCUGAAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCGCUCGGAGCUUUGACUUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGACACAUGGUCUACUUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUACAUGUCAGAUUGUAUGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAUCGGACCCAUUUAAACCGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGACGGAGAACUGAUAAAGGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGUAUUACAUGGCCAAUCUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUGGGACUCUGUGUUUUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGAAAGAGCAGUUGGUGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAGGUAACUGUGAUUUUUUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGCAGGGAAGGUGGGAGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGACCUGGCUGGGAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGAGCUGGACUACUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUGUCUGGGGCCUGGUGAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCUGUAUUUAGUCAGUUUUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAUUUAUCUGUUGGGAAGCUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUCUGGUCUUUCCUUGACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAAAUUCUUGAUCAGAAGCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUCACUCGGCUCGGCCCACUAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGUUCUUAGCAUAGGAGGUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGCCCCCAGGCUUCACUUGGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACUCUGCCUGUAGGCCGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAGCCCAGCAGUUAUCACGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUUCAACCUCAGGACUUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGCGGCCGGAAGCUGGCUGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACAAAUACAGGAAAGAGUUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGAGGAAGCUGUGGAGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUGGACAGAAAACACGCAGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGCCAAACUGCAGUUUUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGUGCCGCCAUCUUUUGAGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUUCACCUGGUCCACUAGCCGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCUGUCUGUGGAAAGGAGCUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGGCUGUGAUUGACCAGCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAAACCAUAGUUACUUUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAGAAUAGGAGGGACUUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

CAGCCUCUGCCCUUGGCCUCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGCGCGCCAGCUCCGGGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGCCUUGUCCUGUCCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUUUGGACAUAGUGGCGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGUGGGGCUCCGGGACGGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGUGGAUGCAAUGUGACCUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUCUGCCCGCAUGCCUGCCUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACGGCCAGGCGGCAUUGGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGGAGAAGAGUGGUGAAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUAGAAUGGAUUUUACAUGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCCGGACAAGAGGGAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGUCCAUAUAUGGGUAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGGGAGUGGCUGGGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGGCUUGUGGGGACCCUGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGUGUAGGCUGGAGCUGAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGCAGGCGAGGCUGGGCUGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCGGUGGGGCCGGAGGGGCGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAUGAUACAGGUGGAGGUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGGGACAGGGAGGGUCGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGCUGGAGCGAGUGCAGUGGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAGAUAGACAAUUGGCUAAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUCAUUCUCCUCUGUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCCCCGGCCUCUGCCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAGGCACGCGGUGAAUGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGUCUCCUGUUCUCUGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGCCUCUUCAGCGCUGUCUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGAUUACAAGUGUCGGCCAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUGAGUCGUGCCUUUCUGAAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUAGUGAGGGACAGAACCAGGAUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAUCACUAACCACACGGCCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCAUUUAAGUAGUCUGAUGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUAGCGGUGGACCGCCCUGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACUCCAAACACUCAAACUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGAAAUGGGAAGAACUAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAUUGUAGCCUUUUGGAGUAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCAGGACAGGCAGAAGUGGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGGGAGGAGGAGCGGAGGGGCCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGCUGGGUGCUCUUGUGCAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGAUUCUGUAGCUUCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGAGACUGAUGAGUUCGGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAAUUCUGAUUUUCCACUGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGCCAGCCCCGUUCCAGGGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUUACAGACAAGAGCCUUGCUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGAAGGCUUGGCAGGGAAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCUCAGGGAUGAUAACUGUGCUGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAGAUGCCGCCUUGCUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAUUUGGUUUCUGAGGCACUAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGUGCUGUCAUAGCUGAGGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCACGUGCUUCUCUUUCCGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAUGUCUGGCCUGUCCCAGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGUCCAGGCAGACUCUCCUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGUCCUUCUUGAAGCGGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCCGCCUCUCGCUGCUCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGCUCAGGGAUUGGAUGGAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACUUCUGCCUCCCAGAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAAAUCCUUUUUGUUUUUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

CAGAAGGGGAGUUGGGAGCAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGGCCCGGGCUUUCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGCUAGGGCCUGCUGCCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGACUGAGAGGAGGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGCCAUCCUCCCUCCCUAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAACAGCAUCCUCCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCCAAAAAGCAGGCAGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCACCUGGCUGGCCCGCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUAAGGGACGGAGAGUAGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUGCCCAGAACUCAGUCCAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGCUCAGGGUACAAAGGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGAAGCAAGAGAACCCUGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAUUUAACUCGGUGCUCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUGGCCUUUGGACUACAUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGAACAGGAGCAUAGAAAGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUAAGCAGGGGCUCUGGGUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCCUGAGUGGCAAGGCUGCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUUUGGGAUCCUCUUUUCUAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUUCAGAAAGGUGCCAGUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGAAUAGGGGAUAUCUCAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCCGCGGGGAUCGCCGAGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGAGGGGUCCCGCACUGGGAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGAGGCGCAGGCUCGAAAGGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUCUAAAGGGAAGCGCUUUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAACGCGCUUCCCUAUAGAGGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAGUAAUUGCAGUUUUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGCGAGUCUCCGGCGGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGGGACUGGGGGUGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGCGGGGCAGGUCCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCGGCCGGAACGCCGCACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGAGCUCCAUUUUCACCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCCCUUUGUACCCCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGGGGAGCAGAAGGAGAACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUCUUCUCUCCUCCAAACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUCAAAAUGGGGGCGCUUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAACGGUGAGAUUUUGUUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCGUUAUCAGAGAUUCCAGACAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGAGAAAGCAGGGGUGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCACCUGACCUCCCAUGCCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGCAGACAAUGCCUACUGGCCUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGUCCGGGAAGUGGAGGAGG	-0,01	0,01	0,01	0,01	0,14
CCAGUCCUGUGCCUGCCGCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGCCCCCUCCGUGCUGCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGACAGGAGAGCAUUUUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUAGUCUCAUGAUCAGACACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGCCACAACUACCCUGCCACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUCAGUAAGUGGCACUCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGAAGUGAUGUGUAACUGAUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GACACGGGCGACAGCUGCGGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGAAGAGCUGUACGGCCUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGGAGUUGGGUGUAUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAACCUGUGUUGUUAAGAGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGAGAAGGUGGAAGUGCAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGGUGGGAGCAGAUUUUUGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAGUAGAGGGAGGAAUCGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGGACGGGGGCUCUGGGCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

CGAGAUCCUGUGAACUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGCUCAGGCUUGCCUUGCCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGAAGGCACAGCUUGCACGUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACUGCAGACGUGGCAAUCAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCCCCAACCUAUUCAGUUAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCCUGCCACUCACUGGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGCAGAAGUGGGGUCGACAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGGGAUCUGGAGGCAUCUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGGGGGAGGAGACCCUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGUUGUCUGUGAUGAGUUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGGGUUCUGGGUUGGGUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGCGGGUCGGGUCUCGAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGGCUCCGUGUCUUCACUCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGUCCAGAGGGGAGAUAGGUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCUUUGCCUAUUCUAUUUAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGAGAUCGUCGAGGUUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGUGCAAGUGUAGAUGCCGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUCCUACCCUACCUGAAGACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGGACUUGGAGUCAGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUAGAUACGAGCACCAGCCAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGCUCAGCGAGUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGCUUGGUCUGUAGCGGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAUUUACUCUGCAAUCUUCUCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACUGAACCAGGAGUGAGCUUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGCGGACCUGGGUUAGCGGAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAAGCCAGCUCUGGUCUGGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACUCACGAAGUAUACCGAAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUGACACCUCUGUGAGUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGAUCAUGGGACUGUCUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGAGCAGUGCCGCGCAAGGCGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGAGGUUGGGAAGGGCAGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAACGCCUGUUCUUGCCAGGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGCACCCUGUGGCUCCACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACUCAAAAAGCUGUCAGUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAUGAUGAUGGUGAUAAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUCCAGUCCUCUGCCGUCCCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCCCUUUGUCAUCCUUCGCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUCACCCCAACUCUGCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAGACAGAAUUCUAUGCACUUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGUAUAAAUGUAUACACAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGUUGCCUGUGAGGUGUUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGCAGGCCUGUGUACAGCACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGCUCUGUAGUAAGAUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAACCUCGACGAUCUCCUCAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCCACUACUUCACUUGUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUCUAGCUGCCAAAGGCGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGGUGAAUUUGUAGAAGGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAUGAUGCUGCUGAUGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGCAACAAGAAACUGCCUGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUAAGACGAACAAAAGGUUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGUUCCGUCAAGCACCAUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAGUGCUUCCAUGUUUGAGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUAUACCUGUUCGGUCUCUUUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGCUUUCUAGUCUCAGCUCUCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCCUACCCCUCCACUCCCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAUCGGAAAGGAGGCGCCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

ACUCAAAAGAUGGCGGCACUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAGAGGUGGGGACUGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCAGGCACAGACAGCCCUGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCGGCAUGUCCAGGGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAUUGUUUCUUUUGCCGUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAGGGACCAAGCAUUCAUUAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUAUUAAGGACAUUUGUGAUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGGAUCAUUUUGCAUCCAUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGACUGGACUCCCGGCAGCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAUUAUAUGUAUGAUCUGGAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGAUGGAGGAGGGGUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCUGAGCUCCAUGGACGUGCAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAACAGUGACUUGCUCUCCAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGUGAUUGAUAGCUAUGUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUGCCAUCCUGGUCCACUGCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGACCAGGACUGGAUGCACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAGGAUUCUGCUGUCGGUCCACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAAACGACAAUGACUUUUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAAGUAACUACGGUUUUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGAGUGACAAGCUGGUUAAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGCCACAAUGGGUUAGAAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGUGUCAAU AUGCGAUGAUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAGUGUGCCGUGGUGUGUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGCCUGCCCGGCUCUCGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCAUGACAGAGGAGAGGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCAGGGCUGGGGAUUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGAGAUAGAUUAAGAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUCCUGAGUGUAUGUGGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGGGUGGUCGGCCUGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCGUCUCUUCUGUUCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGGGACAGAUGGAGAGGACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGCACUCUGGCCUUCUCCCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACUGCCUGAACUACUGGAACAUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUCGGUGGACCUCAGAACAUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCUCCCUACCUGUGAUUGGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUGCCUCUUUACUCUGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCCCCCAAACUCUGAUUCACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGCUUAAUAUGAAUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUAGCUAACCGAUACAUGGAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAUUUUAAGUAGGUCCUGUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUAUUUCAAGGACAGCUGGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCAAGGAAAGAAGAGGAUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGCAUCUGGGAAGAGAAAGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCUGCCCCCAUACUCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAGGUGAGGUUCUUGGGAGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCUUCCUCUCCAUGGGUCUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUCCUGCCCGCCUCUCUGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUAGGUGGGGGGCUUGAAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAAUAAAUGUCUGUUGAAUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGCCAGGGCAGGAGGUGGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCUGGGCUGGGACGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGAGGGUGUGGAAGACAUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCCUCUGUGACGUCACGGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGCCCUGUCUCCUCCCAUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAAAGGUGGAGGGGUUGUCAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGGACUUAGGGUCAGAAGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

GAGGUUUUCUGGGUUUCUGUUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGAGGAGGGGAUCUUGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGGCCUUGACUUGACUCUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGGAAAGCGAGUAGGGACAUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAUUGCCAGGGAGUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAAGAGCCCUUGUGGAGACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCGCGCCCCGGCUCCCGUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACCCAGUCUCCGGUGCAGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGAGAGAAAGGCAGUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUUCUCUUGUGGCUCAAGCGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCGCCUGAGCUAGCUGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCGGCAGAGCUGGGGUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUACAAAUGAUUACUGUUUACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUGACUUCUUCAGGCCUCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGUAGAGCAGGUUAAAAGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUGGUCCCCUUAACCAGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACUUGGAAAGGCAUCAGUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACCGGGGAUGGCAGAGGGUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGGGCAGAGCCAGCUUCCUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCAACGAACCUGAGCCACUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGUGGCCAGAGCCUUCAGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGUGGGCUUCCCGGAGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCUCAAGGAGGUGUCGUUUAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGUCUGCUGAGUUUCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAUCUGAGUCAGGAGCUCUCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGUCUGGGCGGACAGCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCACAGUGGUCUCUGGGAUUAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGAGACUCAUGUAAAACAUCUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGAAUUCUUGGCCUUAAGUGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUGCAUUGUAUUUUUAGGUCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGUGUUUCUCUCAUCUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGUGGGUAUGGAGGAGCCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCCUCUCUCGGAGUCGCUCGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUCAGUGACUCCUGCCCCUUGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GACAGAGUGCCACUUAUCUGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAGCCUCAGUCUCUGUAUCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCGAGGUUGCCCUUUGUAUAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUUAGGAUUAGGUCGUGGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUUGCCUUUUUGUUCCCAUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGAUGUGGAAGGAGUUAUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCUAAAUCUGAAAGUCCAAAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCGAGGACCCCUCGGGGUCUGAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGUCUCUUGGCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAACAAACACCUGUAAAACAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGUGUUGUCUACGAGGGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAGGGGUGUAUGGCAGAUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACACGGAGGGUGGCUUGGGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGCAAUACAGUACAAUAUAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGUGGUAGGAUGUAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAGUCUGCUGAGGUUGGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAUGUGAUCUUUUGGAUGUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCAGCGGGGUGUAGUGGAUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGCGCACAGCCCACGUCCCCGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAGUGCCUCCCUUUAGAGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGUAGAUUUUCCUUCUAUGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCUACGCUGCUCUCACUCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

ACUGGGCUUGGAGUCAGAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUCAUUUCCAAAAUACUGGUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGUUCUGUGAUACACUCCGACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCAGGGAGGCUGGGAGGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGUCGUCUUGCAGGGCUUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACACAGGAAAAGCGGGGCCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUCUACAUUAAUGAAAAGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCAGUGUAGUUAGCUGAUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUUUGGAGAAGGGGCCUUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCUCCUCCUCUCCGGGUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACGGGCAGGGCAGUGCACCCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUAGUGGGAAGCUGGCAGAUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUCUCUCGCCCUUGGCCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCCCUCCACUUUCCUCCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGACCCACCCGGCCGGGAUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUGAAUGAUGGGUUCUGACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCAAGUAAUUCAGGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACCCAGAGCAUGCAGUGUGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGAACUGUUAAGAACCACUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGCAGUGACUGUUCAGACGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUAAAACGUGGAUGUACUUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCGAGGACUGGUGGAAGGGCCUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGUUGGGCAGUGAGGAGGGUGUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUCUGUAAGAGAAAGUAAUAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUAGACACCUCCAGUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGAGUCUAGGAUUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAGGAGACGGGAACAUGGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGGUAAGAGAUUUGGGCAUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUAAAGGAUAUAGAAGGUUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUCUGCAAAGAGAUACUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGCCGAGCUGAGCUUAGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGUAGAAUGAGGCCUGACAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGGGGAUGAGGACAGUGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGACUGAUCCUCUCGGGCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACACAUAGCAGGUGUAUAUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUCGUGCAUCCUUUUAGAGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUCUGGAGGGAAGCACUUUCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAUGGUUCCCUUUAGAGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAAACUGCAAUUACUUUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCGGAGAGAGAAUGGGGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCUCUAGAAAGAUUGUUGACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAUUACAGCACAGCCAUUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUAGAAAUGCAUGACCCACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGCGCCUGCAGGAACUGGUAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGAGAGAGCUCGAUUGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGGGCCAUGGAGCAGCCUGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCCUCCUGACAUUCCACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCCUCCACAGCCCCUGCUCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCCAAGGGUGAGAUUGCUGCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGAGCCAUGAGGGUCUGUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGCAGCAGUGGCAAGACUCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACAGCCCUGUGAUCUUUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGAAGGGACAAGUCAGAUUAGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAUCCAUCUCUGCCUGUAUUGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCCAGCCAACGCACCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GACUGACACCUCUUUGGGUGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

CACUGGCUCUUUCUGGGUAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGGCUGCAGAGAGACUCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUACCGUUGCCAGCCCGGCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCUCAGGAUUCACACUUGUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGCCCCCAGGAGGACCUAAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGGCACCGAGGCAGCUCUCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACGAACUCAUAAGAUAUACCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACUGUGUAGCUUUGAGUAAGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCUUGAACAGUGCCCAGCAUAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCGGGUUUAGAGGUUUCUGUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGAGGGACGCAGGGCGCCCGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCAUUCGGCUGUCCAGAUGUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCCAGGGCGACGCGGCGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUUUUGCAGGUUUGCAUUUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGAAAUGUUUAGGACCACUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGUAUCCGUUUGGGGAUGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGUGGAUAUUCUUCUAUGUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCCGCCACCGCCUUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCCUUCUGUCUGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCUGGGAAAUUGGACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCUGAGACCCUAACCUUAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGAGCUAGCCAGGCAUAUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCUCUACUGACUUGCAACUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGUUGGCUGCAGUUAAGGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGGCAUAUUUGGUUAACUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCAGCGCGUUUUCAGUUUCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUCUCUCUGGAUCCCAUGGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUACCUCAUCUAGAAUGCUGUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUAAGACUUGCAGUGAUGUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGUCUUUUGCUCUGCAGUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAGUGACUGAGCUGGAGCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACCCCUAAGGCAACUGGAUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAUGGCACAAACUCAUUCUUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCCUUCAGGAGAAAUGGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACGUUUGAAUGCUGUACAAGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUAGCACACAGAUACGCCCAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGACCAUGGGUUCUCAUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGUCCUAAGGUUGUUGAGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGGUUUUCUCUUCAAUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGACGUGGUGAAGGAUUGAGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGCCCUGGCUUUAGCAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAGGACACUGGUGUCAACGGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUACCUCAGUUUUAUCAGGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCUGUGAAGGGCUGGUGCUCUAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGCACAUUAGGAACUUUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGCUACAAAUCGCGUCUGUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACAUUACAGACAGCUCUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCUGGAGUGAGCGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGCCUCUCGGUCUGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUAUCUCAGGAGGCCUCCCAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGCCUCUUCUUCUCCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCACAAAUCUAUAAUAUGCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCUACAGUUACUUUUGCACCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUGGGCACAGAAUCUGGACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUCUAUACUCUGUCACUUUAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGAUCACUCUGCCUCCUCAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

AAUUGUUGUGAUUAUUCUCUGUUAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGCCUCACUGUAUCGCCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAUAUGAUGAAACUCACAGCUGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUACCUUCUGGUUCAGCUAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCCCCAACAAGGAAGGACAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUGGUUCAGGGAGGGUCCCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGGUGAGGGCAUCUGUGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGUCUAGGCCCCGUGAGAGACUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGCAGGUUCUCACCCUCUCUAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGAUCGCGGGCGGGUGGCGGCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGAGGCAGUGGGCGAGCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCUUCUGCUCCGUCCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAAACUGCAGUUACUUUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGGGUGGGGGAAUUCAGGGGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGAGGCUCGUGGCAGCUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAGUGAUUGUGGUUUUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUAGUUGUAUUGUAUUGCCAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACGGUGAGCCUGUCAUUAUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCACUCUCACCUUGC UUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCUUUGUUUUUAAUUCACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAUUUUUGUGAUGUUGCAGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAUUGGGAGCUGCCCUUCUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGUGGAUCCUGGAGGAGGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAGGGCCGCAGAUUGGAGACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCGUGUCCCUCUUGUCCACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUGGUCAGAUUGUAGUAUAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCAGUAGUGUAGAGAUUGGUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGAUUAUCUUAACUCUCUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGGGUAGGUGGGGCUCCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCGGCCGCGGCGCGUAGCCCCCGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGAUUCUUGGACCCGUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUUCCACACUGACACUGCAGAAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGUGCCCCUACUUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGUGGGGAUUUGUUGCAUUAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGCGGGCCGCGCCGGGACUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGAGCCCGGGCCGCGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACCUUCCUGCCCUCAGGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGUGUUCACAGCGGACCUUGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGUUGAAGUGUAAUCCCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCUUAUUCACCGGAGUCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAGGCUCUGCAGUGGGAACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAAGAAGGCGGUCGGUCUGCGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGAAGUGCACUCAUGAUUAUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCAGAGAACAAAGGACUCAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACUAGUAAUGUUGGAUUAGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGUGGGCUCAGCUCUGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCCCUCCUUUCUUCCCUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCAGCAUUAUGUCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGGAGGAGACUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGGCUGAAGGAAGAUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGAAUAGAGUCUGAAGAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUCCACUUCUGCCUGCCCUGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGGUGGCUUCCUUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCACAAGGUAAUUGACUGGCGUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCUGGGCGAGGCUGGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCAGUCCAUGGGCAUAUACAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

ACCAGGCAAGAAUAUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGAGUGUGGAUCCUGGAGGAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUACACAUACACGCAACACACAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACGGGAUUGCAGGCUGUAUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUACUGUGAAUUUCACUGUCACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCUGCCAGCACCUCUCCUGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGAGGCGCUCACUCUCUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGCACUGUGAGUUGGCUGGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGUCGUAUGUGUGACGCCAUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAACCACACUGUGGUGUUAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGUUCAGAAGUGUUCUGAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGAAGGGGACGAGGGUUGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAGUGAUUGCAGUGUUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCAGUUACUUUUGCACCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGAAAUGCUGGACUAAUCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUAGCACCUUGCAGGAUAAGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAUAUAUACCACAGUGGGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUCCAUAGGUGAUGAGUCAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCCGCCAGUCGGUGGCCGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGGAGUGGGUGGGAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGGAAUUGGAGUCAAAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGCAGCUGCCUCUGAGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCAGUGUUUGUUUUGCCCACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCCUGGGUCUCUGGCCUGCGCGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCGCACCCGACCACAUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGACCUCGGCGACCCCUCACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUAGGUGACAGUCAGGGCGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACCUCUCCGCUCCGCACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGGAUUGAAGAGACGACCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACCCCUUCUGUCUCCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGUGGCCGGCAGGCGGGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCAUGAACUGGGUCUAGCUUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGAGGUGGAACAGCAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCAGGUGCUCACUUGUCCUCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGUGAUUUGAGGAUUAUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUAUGGACUUUUCUGAUACAAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCAGCAGAGAAUAGGACUACGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGAGUCAGGGUGGGGCUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUACGUGACCAGAAGUUUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGCAGGCUGGGAUCUGGGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCAGGACCUGAGUGACAAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGACGUUCACCCCGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCUUUCUCCUGAUCUCAGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGUGGGGCUUCGACCCUAACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCCAAGUGGAAGUUACUUUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGUGAUCGUCUCUGCUGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCCCUUCUCCUGCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCAUAACAUACCCUGCCUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGCUCAUGUGUCUGUCCUCUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGAUGGAAAAGAUGAAUUCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUUGGGCAGGAGGGACCCUGUAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACUGCAUCAGGAACUGAUUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGGUAGACACUGACAACGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAACCGCAGUAACUUUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGGAGAAGGCUGUUUACUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUCCGCCCGCCGGGCGUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

UGCUAUGCCAACAUUUGCCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCGGGGUAGAGCUGGCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGAGUCCUGGGGAAUGGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUCACAUUGCCAGUGAUUACCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGGGUCUUGGGAGGGAUGUGAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGAGUGUGACAAUGGUGUUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCCCUCCGCCCGUGCACCCCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCCCGCGUGUGGAGCCAGGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAUGAAAUGAGCCCAGCCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCUUGUCGCUGCGGUGUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAGUGCUUCGAUUUUGGGGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGGCUAUCUCACGAGACUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCCUUCUCCUGGGCCCUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGAAAUGAGGCUGGCUAGGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCUCGAGGAAAGAAGCACUUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGGCCGGAGGUGCAAGGGCGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACACCCUCUUUCCCUACCGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGAAGGCAGCCAUGUGCUUUGGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAGAGCAGAGAAGAUGGCACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUCAUGUUUGGGCUGAUGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCGGCCGGUGUCUACCCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGAAAAAACUGGUGUGUGCUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACGGCAAAGAAACAAUCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAUGAAGCAGUGGGUAGGAGGAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCGUACAAACUCUGCUGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGGAGUAGGAUGUAUGGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAUACAAUCUGACAUGUAUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGGGGGAAGGAAACAUGGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGACAGGGCAAUUUCACGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAGCGCUUCCCUUUGGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGAAGAGACUGAGUCAUCGAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGCCAUGCAUUUCUAGAACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGUGGAGUGGGGUGCCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCUACAGAGCUCCAUCUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAAUCUGUUGGUAAAAGCCUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUAGAUGUGCGACAAGACUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGGGUGGAGCCCUGGAGUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGCAGAGAGGAAGCCCUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCUCCUGAAUCCUGUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACACACUGCAAUUACUUUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGCCCCUCUCUGCUCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAUCCCCACCCCAUCCCGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCCAGGUUCCCUUGGCCGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGGGGCAGGGACGGGUGGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGGCAUGCUGGGAGAGACUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGGAAACUGAAGCUGAGAGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAUGGAGCUGGGAUACUCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUAGAAAUCCAGAAUCUGAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGAGGAAGAAUUGGCUGGUUCUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGCUCUGAGAAGGGGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGGCUCUGGCUGGCGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGGCAGAAGCAGGAUGACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCCCCGGGCAGUGUGAUCAUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAUCCUCGUCUCCCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGUAGAAGGCUGUAUAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGCUCACUGUUCUCCCCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

UCGGGCCUGGGGUUGGGGGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGCGCCUGUGAUCCCAAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUCGGCUGCGGUGGACAAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGUAAUAUAAAUUUAAUUUAUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUAGAGCUGAGGACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCCUUGAGCCUGAUCCCUAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAUCCUGCUCCACAGGGCAGAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAAACUGCAGUUACUUUUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUCACCCAGCUCUCUGGCCUCUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCCGCGGUCGCGCUGAGUCACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGUAGGAGAUUGAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGAGGUGAAUGUGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUUGACCAUAGAACAUGCGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACCCCCUGUUUCCUGGCCAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAACUCUUGCAGUCUUAGAUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGCCAUAGGAAGCUUGGAGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGGGUGGAGGGCCAAGGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGAGAAAGCUAGAAGCUGAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUUUUGAUAAACAGUAAUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGGGACAGGAUGAGAGGCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCAGGCUUCUAUGAGAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGUCUGUGCCUGCUGUACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGGGGUGUGGAGCCAGGGGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACCCACCCCUCUCCACCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUCUGCCUGCAUUCUACUCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCAGUUCUGAGCACAGUACAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAGUGUGGCUCAGCGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGCGGAGCCUGGAGAGAAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAUUUCUUUCACUACUUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCGGGGAGGAAGUGGGCGCUGCUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAAUGGUAAAGCGAUGUCACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCACCAGCCAGGCAUUGCUCAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCACUGGAGUUUGUUUCAUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGGGGCUGGGGGAGCACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAACUGUAAUUACUUUUUGUAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGUGGGGUUGGAGAGCUGGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCAGCAGGACGGGAGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGGUAGGGUUUGGGGGAGAGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGGUGAUGGGUGUGGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGUUAUCCUGCUGUGUUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCCUGGGGCUGGGCAGGCGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGCCCCUGUGCCGCCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGCUUUGCUCAGCCAGUGUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCAGAGGCAGAGAGGCUCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAUCAGAAGGUGAUUGUGGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGUGUAGUUCUGAGCAGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAUACGUCUGGUUGAUCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUAAUAGUAUCUACCACAAUAAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACCAUUAGAAGAGCUGGAAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCUICCUUUCUCAGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUGCUUUGUAAUGUGGACUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGGACCCAGGACAGGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGUAUGUGUGCAUGUGCAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAGGCCACAUUCUCCUGUGCAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCCUUGGACUUUUGCUGAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACCUCUCCUGGCAUCGCCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

UCAAAAUGUAGAGGAAGACCCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGUUAUCCUGUCCUGUUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGAGCCUCUCUCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGGGUGAGAUGGGGAGGAGCAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGCGCACAGUCUGGGUCCCCGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUGGGAGGACAGGAGGCAGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGACCCACCCCCUCCGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGUCUGCUUCCUGUGGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAUUUCAUAUGGUCCAACUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGUGGACACGGUGGUGUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCGGGGACAGGCCAGGGCAUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCACUAAAGAAACACUGGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCAUUUUUUGUUCUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCCUGAGCCAUUCUGAGCCUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCGGAGCCAGGAUGCAGCUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGAGUGGGAGCCCCAGUGUGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGUCUUACCCAGCAGUGUUUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAUCACUAAUCUCCACUGCCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGGACUUGGAGGCAGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGAGAACUGAAAGUGGAGCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGGGAAGAAAAGGUGGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCCUGGGCCGGCCUUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGUGGGCUCAGGCUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUUGGGAUUCAGCAGGACCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGACAGAAAACACGCAGGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCCAUGCCAUAUUUGCCUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGAUCCACAGAGCUAGUCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGUGCCCACUCCGCAAGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCAGGCAGGAGCCGGACUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUAACUCCUUUCACACCCAUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUCGCUUUACCAUUCAUGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGUGCCUUCUUUUGGAGCGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUCGCGCGGUUGCGAGCGCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGAGGCGGGGCCAGGAGGGUGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGUCCUGCUUCUGUUGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACGUGACCAGAAGAAGACAAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAGGUUCACCUGAUGGCCAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCAGCAGGAACAGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGCAGGGCCUGGCGCAGGCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAGUGAUCGUGGUUUUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCUCAUCCCCAUCUCCUUUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGGCUCCAGGUGACGGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUUGCAUGACCCUGGGAGUAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACGGAUGUUUGAGCAUGUGCUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGACUUUAAGGGAAUUGGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGCGGCUGUGUCUUCACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GACUCACUCACAGGAUUGUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAAGGAAAUUGAAUUCAUUUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUACAGGCUGGAUUGGGCUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGAGAUGCUGGGACUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGAGGUGUGAUCUCACACUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGAGGCCUGCCUCUCCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGACCUGGCCCAGACCUCAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGGAUGGGAGGCCAGGAUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGAAGGGGCUGUGUGCUGUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUGAUUAUUGAUUGGACCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

GAGCUUGGAUGAGCUGGGCUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGUGGAUAGGGGAGUGUGUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAGGAGGGGGAUGAGGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAUUGGUACGUCUGUGGGUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGGGGUGGGGGGCGUGGGCGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGCGGAGCUUCCGGAGGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGUCAGGACCUUGGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAAAACUGCAAUACUUUUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUGCAGUACAGGUGUGAGCA	-0,02	0,04	0,03	0,07	0,21
UGUGGGUGGGAAGGACUGGAUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGAUUUGGAGAAGUGGUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGCACUUGUCUCAGUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAUGGGAGUUCGGGGUGGUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAGGACCUGCACCUUCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGUCACGUCUCUGCAGUUAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCCACCUCUCUCUCCUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGCGGGGAUUCCAAUUAUUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGGGCAGCGUGGGUGUGGCGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGACUUUUUCAGAUUUGGGGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUUUUGCGGUCUGGGCUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCGUGGCCUGGUCUCCAUAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGGCGGGGGCAGGUGUGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCCCUGAACGAGGGGUCUGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCAUCACCUUUCGGUCUCCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUCCCCAGUUCUGUUGCACUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGUAGAGAAGGAGCUCAGAGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGCCAUGUCUAAGAAGAAAAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGUUCUGCUGUUCUGACUCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGGAGAUGCUCAGGCAGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGCAGGGAGGUGGGACCAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGAGGGAAUACAGAGGGCAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGUGAUAGAGAUUCUUUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUCUAGGAUUGUUGGAGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUAUUCUGUACCAGGGAAGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCUGGGUUGUCCCCUCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCAAAAACCUUAAUUACCUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAGACCGUGACUACUUUUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAUGGAUAAAAGACUACAUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUGCCUGCUAUGUGCCAGGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCAGUAGCCAGUGUAGAUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUGGGGCAUGGAGUCCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACACAAGUGGCCCCCAACACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUGGAUUUUCUGGGCCUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGCUGGAGGUGUGAGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGCCGCCGCCUGUCUCCACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAUGAUGAUGGCAGCAAUUCUGAAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGGUACGGCCAGUGGGGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCUGUUGGAGGGGGCAGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGGUUUGGGGAGGAUUUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCAGAGACUGGAGCUGACUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCUGCUCUGUGACUCUGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUGUAGUAGUCAAGGCAUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGAGCGGCCCCCGGGUGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGCUUUUGGCCCGGGUUAUAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUCCUGUCCUCCAACCAGACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCCAGGCUCUGAAGGGAAAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

UGGGAGGGCGUGGAUGAUGGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUCUAAAUGCAGCAUGCCAGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCUGAGGUCCGGGCUGUGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAGGUUUUGUGGUUUUUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGAUAGGAAGAAUGAAGUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGAGUAGUGGCGCGCGGCGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCUAGCCACAGAUGCAGUGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGCAGGGUUUGCUUUGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUUCAUGUAGAUGUUUAAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGAGUGGAAUUCACAGUAUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACAACUAUGGAUGAGCUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAGCCUACUGGAGGAUAAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCAGGGGCUGGUGCUGGGCGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUCUGUCUCUGCCCUGGCAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACUGUAGGUGAUGGUGAGAGUGGGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACAGGCUUAGAAAAGACAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGCAGUGCGCAGGGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGUGAGCGCUCGCUGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGAGCUGGAACCAGAUCCAGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUUUAUAUGUACUGGAGCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCAGGUGGAUUGUUGGAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGUGGUCAGAGGGCUUAUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGUACAACCUUCUAGCUUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCAGGGGUCGGGUGGGCCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGGUAUGUAGUAGGUAAUAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGAGUGGGAGCCGGUGGGGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGGGUUGGGUGGAGGCUCUCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAGCUGGCUGAAGGGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGACCCUGCAGCCUUCCACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCUUCUCUUGCACACCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUUGAAGUCAGAACC CGCAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAGGAUACCCUUGUAUGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUAGGCACCAAAAAGCAACAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAGAUGGACGUACUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAGAUGGACAAUUGGCUAAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAGCUGGGCUGAGAGGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGGGUUUUGAGGGCGAGAUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUUGGGACAAGAGGACGGUCUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGAGGAGGGGCUGGCAGGGAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACCUGGGACUCGGACAGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGGUUGGGGCGGGCUCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAGCCUCUCCUGCCCUUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCCUCUGUUUUCUUUCCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAUACUAAGUAAAAAUUCAGUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGAGAGAGAAAAGAGACAGAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGAAGGCCCGGCGGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCAGGGCCUGCUCCACCCCGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGAGGGCAUGCAGGCCUGGAUGGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUAGGAACAGUUGAAUUUUGGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCAGGGCCAGCAGGGAAUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACCAGGGCAGAGCAGGGCUGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAAUCUCAAUUACUUUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAUGAGAACCCAGAUUACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCUGUCCCUUGUCUCCUACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGUGGAAGAAGGUCUGGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUAUACAGGGGGAGACUCUCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

CUCACUCUCAGUCCCUCCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCAUCACAGCCUUUGGCCCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACGGUGCUGGAUGUGGCCUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUCUGCUCUGCUCUCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAUCUCCAGUACAGUGUUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAUUGUCUUCAUAUCUAGAAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGGGCCAGAGCAGAGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCUGCCAGGCCACCUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGCUGAGGGCAGGAGGCCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAAGAACUCUUAACCCAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACUGGGCACCAAGUCUGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGGGGGCAGGAGGGGCUCAGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAGUAAUUGUGGAUUUUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGUGCUCCCAGGGCCUCGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUCUUUCUUCAGCUUCCUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCGGGGAGUCUGGGGUCCGGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCUGGAAGUCCUCUUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAAGCUCUGACAUCCUGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGAGAUCCAGUGCUCGCCCGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGUCCCUUGAGAAUCUCAUGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGCGAGGGCGGCUGAGCGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGCACACACAGGCCGGGCGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUCCGGUCUGUGAGCCCCGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGGUGGUCUCUAGCCAAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGUCCCGGGGAGGGGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGAGCCAGUGGAAUGGAGAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAUCGCCCCACCUUCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAGGGGGAUGGGCGAGCUUGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUUGUGCUUGGCUCUGUCAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGACGUAGCUGGCCAGACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCCUGGAGCUACUCCACCAUCUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCGGUGCUCUGCGGGCCGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGUAACAUUCCACAGGCUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAGUCAUGGCUCUGCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACAUCACUGCAAGUCUUAACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAAGGAACUAAGAGUUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAGUAAUUGCGGGUUUUGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUGCCAGCCAGGGGUCCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCAGGUCUGGGGCUGAAACCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGUGCAGUGCUGCAUCUCUGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGCUGGCAGGGCAAGUGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCUCAAGAGGGAGGCAAUCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACAGGACUGACUCCUACCCCAGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGCAGAUGAAAAUAUCUAGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGUUCUUUGGUCUUUCAGCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUAGAGAGGAAAAGUUAGGGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAACUAAUCUCUACACUGCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACAUCACAGCAAGUCUGUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCGGGAGAAGGAGGUGGCCUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGCCUGUCCUCCCGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAGUGGGGCUGCUGUUAUCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGAAGAGGAGGUGCUCUGUAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCCUGUGGCUCUCCUCUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAAUAGAGUAGGCAAAGGACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUCCUCUCUUCCUCCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGGGGUGAGGUUGGUGUCUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

CCUGCUGGUCAGGAGUGGAUACUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGAUGGCUCCUCCAUGUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAAGGAAGGAGGCUGGACAUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCCUGAUGCGGUCACUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGAUGAGGGAUUGAAGUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCAAGGCGGCAUCUCUCUGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGCCAGAGGAGCCUGGAGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAGUAAUCGCGGUUUUUGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUAUGUAUAUGUGACUGCUACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUUCCUGCCAUUCCCUUGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACAUGGAUGGAAACCUUCAAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGGGAGCUGGGGUCUGCAGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGUGGGGCUGGAGGUGGGGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCUCUGUGACUUUGGACCAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGGCUGGGAUGGGCCAUGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCAUUGACUUCUCACUAGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGGGACAGGGAUCAGCAUGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAUGCUGACCUCUCCUGCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAUCUCACCGCUGCCUCCUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAAUUGCGUUUGGACAAUCAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGCAGUAGAUUGAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGAGAGCAGGGUAUUGUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCUGCCACCUCUCCGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGUGGCAGAGGAGGGACUUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAGGUUAUAGGGCAUGGGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCUGGUAAAAUGGAACCAAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGACUGCCUGAUCUGGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGGGAUGUGCAUGCUGGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGGACAUGUGUGAGCCAGGCAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGUCUUCUCUGCCCUCCAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAAGUAAUUGUGGAUUUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCGUCGCCGCCACCCGAGCCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGUUCUACAGUCAGAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCUUCCCCCGCCACCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGCAGACUGUGAGGGAAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCCCCGGCGCGGGCGGGUUCUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCUGAACUGGGCUGAGCUGGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUUGGGGUGCAGGGGUCUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAGUAAUUGCGAGUUUUACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCGAACUCUCCAUCCUCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACCUUUGCCUCUCCCCUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUACUUCUACCUGUGUUUAUCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAGGCAGCAGUGCUCUCCUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCUGCGUAGGAUCUGAGGAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGACUUUUGGGGGCAGAUGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUAGGCAUGAGGCAGGGCCCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAAACCCACAAUUAUGUUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAUGAUUCAUCAGACUCAGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAUCUCUAAGGAACUCCCCAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAGGGAGUCAGGGGAGGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACUACUUUGUUUGAUUUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGAAUCCUCUUUCCUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCCUCGUCAGGUCCCCGGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCUGAUCGCCUCUCAGCUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCUGCGGGCUGCGGUCAGGGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUAAGCAGGAAUAGAAUUUA	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14

UAUGGAGGUUCUAGACCAUGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGCUCUGACUCUGUGCCCACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAGGCUGAGAAGGUGAUGUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUAGGGGCGUCCCGGGCGCGCGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAGAUGGUGCUGUGCUGAGGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAACCACCACUGUCUCUCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGACCAUCCUGCCUGCUGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACCUUGGCCCCUCUCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUCCCAUGCCAAGAACUCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCUCUCUGGCUCUCCCCAAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGGAGCCAUGAGAUAAAGAGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUAUGGDUUACUAGUUGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAACCUAGGUGGUCAGAGUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAUCAUACACGGUUGACCUAUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCUGCUUCCCUUGGUCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGUAGUUGGUUUGUAUGAGAUGGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGAGGUGGUACUAGGGGCCAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGUAGCCUGGGAGCAAUGGGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGACCUCUCCUCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCGGGGCGCCGCGGGACCGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCUGGUCCAAUGCCUGGGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCAGUGUAUUGUUAGCUGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUCCCUCCGUGGUUACCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCGUGUCUUGUGUUGCAGCCGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGCAGGAGGGCUGUGCCAGGUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGAGGGUGUGGUAUGGAUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCUGUGCCCGGCCACUUCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACUGCAUUCUGCUUGGCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGCUCUGUUAGCCUUGGCUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCACACCUGCCUCGCCCCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUUUGGGAUGGAGAGAGGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCUGGGCCUCUGCUCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAGCAGGCACAGACAGGCAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGGACAUACUUAUGCUAAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAUCAUGUGCAGUGCCAAUAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAUGAGCUCAUUGUAAUAUGAG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UGGUGGAGGAAGAGGGCAGCUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGUAAGGAUAGGAGGGUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACAGUCUCCAGUCACGGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAGCACCAGGAUAUUGUUGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGACUUUCAGGGGCAGCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUUGUGUUCUCUAGAUCAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGGAGGGGCUGGGUUUGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUCUCCCCUUGUCUCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAGUUAACUAAAAUGGACUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCCCUAUCUCACUCUCCUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAUGGUGCCCUAGUGACUACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGUCCCAUUAUUGGUGAUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGGUGUGGAAAGAGGCAGAACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUGCGGAGAGGGCCACAGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGUGGUCCUGGCGCGUUCGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUGGGUGGGGAGGAGAAGUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGGGCAGCAGAGGACCUGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAGCUUGUAUCUAUAGGUAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGUACACACGUGCCAGGCGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACUGUUUCCUUUCUGAGUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

CAAGCUCGCUUCUAUGGGUCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCCCUUUGUCAUCCUAUGCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUGGUUUACAAAGUAAUUCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAUUCGUUUCUAGGGGAAUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUCAGAUCAGAGCCUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCACAACAACCUUGCAGGGUAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCCCUUCUGCAGGCCUGCUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCGCAGACAGGGACACAUGGAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAGUAAUUGCGGAUUUUGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGUUUUCAACUUAACAUGGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAUUUUUGAGUGUUUGGAAUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGGCUGAGCUGAGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGCCUGCCCAGCCCUCCUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACCGACUCUGUCUCCUGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGGACAGUGAGGUAGAGGGAGU	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
AUAAUACAACCUGCUAAGUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGCGGAACGCUGGCCGGGGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCGGGGGUGGCGGCGGCAUCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACAACAAAUCACUAGUCUCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAGGGAGGCUGGUUUGGAGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCUCUCUGUCCACCCAUAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUAUUAAUAGCCACUUCUGGAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGUGCUUACCCCUACCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUGGGGACAUUUUGCAUUCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUCCUAGUCACGGCACCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCUGGACCCAGCGUAGACAAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGAAGCCUUCUCUGCCUACG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACGCGCAGACCACAGGAUGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCUCUGACUUUAUUGCACUACU	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,15
GGCUACAACACAGGACCCGGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGAACAGCUGGGUGAGCUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACGGGUUAGGCUCUUGGGAGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGUAAUUGUUCCGCUGCCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGCAGAGUUUGUACGGACCGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUCUGCUCUCUUGUUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACUCGUGUCAAAGCCUUUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCCUCUCCACCCCUUGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAACCGUCUAGUUACAGUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGAUGAAGCUCUGUUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGCCAGGCACAGAGUAAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACUCUGGAGAGUGACAAUCAUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGGGAAAGUUCUAUAGUCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCUGCAACUUUGCCUGAUCAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUCACAUUCUGGCUCUGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGCCACCACACCUACCCCUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAGAACCUCAGUUGCUUUUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGAGCUGUGGAAGCAGUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUCCCUCUCCAAUGUGUCUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUGACACUUCUGUGAGUAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCAGGGAGACAGUGUGUGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAAUAGGAAAGAGGUGGGACCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGCUCUUAUCAUCAACGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGCCAGCCCCUGCUCACCCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGGCAUUAGUGGGACUUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUAGUGCUCUCCGUUACAAGUA	-0,01	0,01	0,00	0,01	0,15
AUCUGCCAGCUUCCACAGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

CCAGGAGGCGGAGGAGGUGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGUGGGUGGGCAGAAGUCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCUCCAAAAGAAAGCACUUUCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGUGCGGAAAUGCUUCUGCUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAAGCGCUCCCCCUUUAGAGGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGACUGACCUUCAACCCCACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCUGAAUUACCAAAGCUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGCUGUGGGUUCUUAUCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGUGUGCACCUGUGUCUGUCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUUAAGGACACUGAGGGAUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGGUGUGGGGAGAGAGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGAUUUUUGGAUCAGGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCCUACUGAGCUGAUUAUCAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUGGAAAGCAUGCAUCCAGGGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAUCCCAAUGCUAGACCCGGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAUCCCUUUUUCUGUCCUCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGCAGGGUGGUGCUGUCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGAGGCAGCGCUCUCAGGAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCGGGGCAGGCGGCUGGGAGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUAGCAAUUGCUCUUUUGGAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCCUUGUCUCCUUUCCCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGUGCCUCGGCAGUGCAGCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGUGUGAGUACAGAGAGCAUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCCCCCUGGCCCCAAACCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGAGCUCCGAUCCCAUCCACC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAGAACUGUUGCAUUUGCCCU	-0,02	0,04	0,01	0,11	0,27
GGCCAGCCACCAGGAGGGCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGUUGGGUCUAGGGGUCAGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAGGUAAUUGUGGUUUCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCACUGAACAUAUGAAUGCAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAGAGCAGUGUGUGUUGCCUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGAGGGGUAGAAGAGCACAGGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGAGUUCCUGGAGCCUGGUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCAGCCUGUGUCCACCUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAACCCUGUCCUCUCCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGUGACCGCAGAUGGGAA	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UCGGUCCCUAACCCCUCCGGAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUCUCUUCUCUCCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAGGCUGGCCGUGAUGAAUUC	-0,01	0,01	0,01	0,02	0,15
UAGAACACUCUGGCCCAUCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUCUGGUCUUGCCACCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUCUCUGCUGGGGUUUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGUCACUCGAUGACCACUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGACCCCAUGUCGCCUCUGUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUCAGAUAAACAGUAUUACAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUGUUCUGUCUUUCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUCCUCGUCUGUCUGCCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGGAGGUGUGGAGUCAGCAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCCCCUGCUCUUUGUCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CACAAGGUAAUUGGUUUACCU	-0,01	0,01	0,01	0,02	0,15
UGAAGCUCUAAGGUUCCGCCUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGGGGCGGCUUGUGGAGUGU	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UCUUCACCUGCCUCUGCCUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGCAGGCAGAAGUGGGGCUGACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGUGGGAUGGAGAGAAGGUUAGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCGGCCGCCGGCUCGCCCCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

AGGCAGUGUAUUGUUAGCUGGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUUGGGAACAUUUUGCAUGUAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUUGUCAUGUUUUUCCCUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAUUAUUGUACAUCGGAUGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUGUGGGAUGGUAAAACCGCUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAGUAACUGCGGUUUUUGCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGCGGCGGGGAGGUAGGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAUCUACUGGGCAGCAUUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGGCCAGGGAGCAGCUGGUGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUUCCCUUCAGAGCCUGGCUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGACGGGAGGAAAGAAGGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGGCUGUUGUGGUGUGCAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAUGGGGUAGGGCAGAGUAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUAUACGGCCUCCUAGCUUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAAGGCCAAAGGAAGAGAACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGUGCGCAGGGAGACCUCUCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGGCUAGGGAAAAUGAUUGGAU	0,02	0,12	0,01	0,42	0,27
AACUAGCUCUGUGGAUCCUGAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGGCAGGGCCCCCGCUCCCC	-0,02	0,04	0,01	0,11	0,24
UACAGAUGCAGAUUCUCUGACUUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCAAUAUUGGCUGUGCUGCUCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUUGUGUCAGUUUAUCAAAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGUGUGUGUGUUUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGCCGCUCUUCUCCUGCCCACA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCGGGCGGAGGUGGUUGAGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAUCAUCAGUCUGAUAAACAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCUGACAGCAGGGCUGGCCGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACAGAGGACAGUGGAGUGUGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGCAAGUGUCAGAGGCGAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGUGGCUGGUCAUGAGGCUAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGCCUGCCUCUCCUCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
ACCUGAGGUUGUGCAUUUCUAA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAGUAAUCACUGUUUUUGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCACUCUAGGGUUGGGGACAGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGUCGACCAGUUGGAAAGUAAU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAAUCCCAUGGUGCCUUCUCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GACAAUUGUUGAUCUUGGGCCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGAUCUUUGACUCUGGCAGUCUCCAGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAAACUGGAGCGCCUGGAGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUGACAUCAGUGAUUCUCCUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUCUGCUGGGCUUUCUGGUGUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGCCCCUCCUGCCCCACAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUAUCCCCACUCUCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGGUUUGGAUAGAUGCAAUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AACUCUAGCCUGAGCAACAG	-0,02	0,03	0,01	0,09	0,21
CAUCUCCCGCCUCCUUUCCCGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGAUUUCUUUGUGAAUCACCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAAGUGGCAGAGUAUAGACAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UACCUGGGAGACUGAGGUUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUGGGCUGGGCUGGGUUGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAUAUUAUACAGUCAACCUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCAGCUCUGGUGGAAAAUGGAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAUGCGCCGCCACUGCCCCGCGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGGCCCCGGCGACGUCUCACGGUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCAGGUAAUUCAGGAUA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAAUACUGUCUGGUAAAACCGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14

CCUUCACUGUGACUCUGCUGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GUUCCCUCCACCUCUCAGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUCCUCUUUCGUCCUUCCACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGGUUAUCCGUGUUGCCUUCG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
AGGAGGAUGGAGAGCUGGGCCAGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGAAGGAGGCUUGGUCUUAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAAAGCAUCAGGAAGUACCCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACCUUGGCUCUAGACUGCUUACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AUGGCAUCGUCCCCUGGUGGCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGACCCUGGUCUGCACUCUAUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAGCCUUCAGAUCUUGGUGUUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
ACUGGACUUGGAGUCAGAAGAGUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUGGGGGACGCGUGAGCGCGAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUUCCAGACGCUCCGCCCCACGUCG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
GCGCUGACCCGCCUUCUCCGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCUUCUGUUGUCUGUGCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGCCUCUCCUUCCCUCCAG	-0,02	17,04	17,40	16,08	0,28
CUCAUCUGCAAAGAAGUAAGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGGGUUCUGGGGAUGGGAUUU	-0,01	0,03	0,02	0,04	0,17
GAUAUCAGCUCAGUAGGCACCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGCCUCUGUCCCCACCCAG	-0,01	0,01	0,01	0,01	0,14
CGGGGGCGGGGCCGAAGCGCG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCCUGGGGGCCCGCACUCUCGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGUUUUGCAGGUUUGCAUCCAGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GAAUAUGGGUAUAUUAGUUUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CAGGGGCUGGGGUUUCAGGUUCU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GGCUCAAUCUCUGGUCCUGCAGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
GCUGGUUUCAUAUGGUGGUUUAGA	-0,01	0,01	0,00	0,01	0,14
CAGAGAAUUGUUUAAUC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCGGGGCAGAUUGGUGUAGGGUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UAUCCAGCUUGUUACUAUAUGC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGGGGGCACUGCGCAAGCAAAGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UUCCUCAGUUAACUUUCCUGGA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCUGCUGCCUUCACCUGCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGCAUGACCCUUCUCCUCCCCAC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGGCUGUGAUGCUCUCCUGAGCCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCCCACAUGCAGGGUUUGCA	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UGAGGAUAUGGCAGGGAAGGGGA	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
AAAAGUAAUUGUGGUUUUUGCC	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
CCGCUCUUCCCCUGACCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAAGGCACUAUGAGAUUUAGA	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
CCUCUGAAAUUCAGUUCUUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CCCAUGCCUCCUGCCGCGGUC	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UUACACACAACUGAGGAUCAUA	-0,01	0,01	0,01	0,01	0,14
CGCGGGCGCUCCUGGCCGCCGCC	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AGAGGCUUUGUGCGGAUACGGGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCACGCGGAGAGAUGGCUUUG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCUCUUAUCUACCCCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
UCAAUUGCUCAGACUCCUGUGGU	-0,01	0,01	0,01	0,01	0,14
UGAUCAGGCAAAAUUGCAGACU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAGCAUUCUUUCAUUGGUUGG	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CGUCCACCCCCACUCCUGU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
CUCGAGUUGGAAGAGGCG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
AUCUGGAGGUAAGAAGCACUUU	-0,01	0,00	0,00	0,00	0,14
AAACUACUGAAAAUCAAGAU	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UGUGACUUCUCCCCUGCCACAG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14

ACUCCAGUUUUAGUUCUCUUG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UUGAGCAAGUGAAGUAUGUGGU	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UUCACAAGGAGGUGUCAUUUAU	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UGGGUUCUGGCAUGCUGAUUU	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UUUCUAAUUUCUCAGUGGGGCUC	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UUUGUAUGGAUAUGUGUGUGUAU	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UCAUCCCCCUCGCCUCUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
UCCUCUUCUCCCUCUCCAG	-0,01	0,01	0,00	0,02	0,15
UGAGCGCCUCGACGACAGAGCCG	0,03	0,40	0,35	0,55	0,34
AGCUCUGCUGCUCACUGGCAGU	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
AGAAGGGGUGAAAUUUAAACGU	-0,01	0,01	0,01	0,01	0,14
UUGGACGGUAAGGUUAAGCAA	-0,01	0,01	0,00	0,01	0,14
GUUCCUGCUGAACUGAGCCAG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
GCGACCAUACUUGGUUUCAG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
AUAAAGCUAGAUAAACGAAAGU	-0,01	0,01	0,01	0,01	0,14
AACCCGUAGAUCCGAUCUUGUG	0,03	0,16	0,12	0,29	0,33
AUAUUACCAUUAGCUCAUCUUU	-0,01	0,01	0,00	0,01	0,14
UUCAACGGGUAAUUUAUUGAGCA	-0,01	0,01	0,01	0,03	0,16
GGAUUCAGAGCAGAAUUCUACCAG	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
CCACCUCCCCUGCAAACGUCCA	-0,02	0,04	0,02	0,08	0,23
UUUCUUCUAGACAUGGCAGCU	-0,01	0,01	0,00	0,02	0,14
UGCCUGUCUGAGCGUCGCU	0,02	18,69	19,59	16,36	0,31
CAGGAGUGGGGGGUGGGACGU	-0,01	0,00	0,00	0,01	0,14
ACCCUUUUUCUCUUUCCAG	-0,01	0,15	0,03	0,45	0,18
UACACAAGAAAACCAAGGCUCA	-0,01	0,07	0,04	0,15	0,17
UUAUCAGAAUCUCCAGGGGUAC	-0,02	0,41	0,39	0,70	0,33
CUGGCCUCUCUGCCCUUCCGU	-0,02	1,12	1,31	0,64	0,33
ACGCCCUUCCCCCCUUCUUCA	0,02	2,25	2,39	1,88	0,33
UCCUGUCUUUCCUUGUUGGAGC	-0,01	0,24	0,29	0,12	0,14
UCUCAGCUGCUGCCUCUCCAG	-0,01	0,02	0,00	0,06	0,20
AUCAUAGAGGAAAAUCCACGU	-0,02	0,05	0,01	0,14	0,22
AUCAACAGACAUUAAUUGGGCGC	0,02	1,36	1,29	1,54	0,23
AAGCCCUUACCCCAAAAAGUAU	-0,01	0,25	0,04	0,81	0,14
AACACACCUAAUUAAGGAUUA	-0,02	0,10	0,08	0,16	0,33
AGGGAAAAAAAAAAGGAUUUGUC	0,02	0,19	0,03	0,59	0,27
UUGGGGAAACGGCCGUGAGUG	-0,02	0,13	0,11	0,17	0,29
UGAGAACCACGUCUGCUCUGAG	-0,02	8,56	8,28	9,27	0,33
CAGUCUUGCUIUGUCACCCAUG	-0,01	0,02	0,00	0,07	0,20
AAAAGUACUUGCGGAUUUUGCU	0,02	0,12	0,07	0,25	0,32
CCUCUGGGCCCUUCCUCCAG	-0,02	0,42	0,40	0,45	0,34
ACUGCCCUAAGUGCUCUUCUGG	-0,02	0,69	0,69	0,67	0,33
AAGAGAGGAGCAGUGGUGCUGUGG	-0,01	0,05	0,03	0,09	0,15
UGAGUGUGUGUGUGUGAGUGUGU	-0,02	0,34	0,34	0,35	0,32
GAUGUCACUCCUCUCCCUUCU	-0,01	0,04	0,03	0,09	0,15
GUUCUCCAACGUAAGCCCAGC	-0,01	0,02	0,00	0,07	0,20
UUGCCACACUGCAACACCUUACA	-0,01	0,04	0,00	0,15	0,19
UUGCAGCUGCCUGGGAGUGACUUC	-0,02	0,28	0,29	0,25	0,32
AAUAAUACAUGGUUGAUCUUU	-0,02	0,10	0,06	0,23	0,30
ACAGGGAGGAGAUUGUA	-0,01	0,12	0,01	0,40	0,16
GAGCCAGUGGUGAGACAGUGA	-0,01	0,18	0,00	0,65	0,18
UGGAGUCCAGGAUCUGCAUUUU	-0,01	0,03	0,00	0,09	0,18
UCCAUGUUUCCUCCCCUUCU	-0,01	0,21	0,25	0,12	0,14
CUCGGGAGGGCAUGGGCCAGGC	-0,01	0,31	0,25	0,45	0,14
AGGUAAUUUUGGAGCAGG	-0,01	0,02	0,00	0,06	0,17
UGUAAACAUCCCCGACUGGAAG	-0,01	67,74	68,03	67,00	0,23
CUAUACAACCUACUGCCUCCCC	-0,02	0,16	0,12	0,26	0,33

UCCUCCUCUACCUCAUCCCAGU	-0,01	0,06	0,00	0,21	0,18
UACGUAGAUAAUAUGUAUUUU	-0,01	0,24	0,01	0,84	0,24
UUCCAUGCCUCCUAGAAGUUCC	-0,01	0,02	0,00	0,07	0,17
GCAUUGUGCAGGGCUAUCA	-0,01	0,12	0,00	0,41	0,18
UCCCUGUCCUCCAGGAGCUCACG	0,01	1,10	1,01	1,33	0,30
GAAGUUGUUCGUGGUGGAUUCG	-0,01	0,07	0,03	0,18	0,27
AAAAGCUGGGUUGAGAGGGU	-0,01	0,02	0,00	0,09	0,16
GCGACCCACUCUUGGUUUCCA	-0,01	0,04	0,00	0,15	0,17
CUAUACAACUACUACUUUCCC	-0,01	0,14	0,11	0,21	0,28
UGUGCAAUCUAUGCAAAACUGA	0,01	14,53	14,55	14,49	0,25
CUGCCUGUUCUCCACUCCAG	-0,01	0,06	0,00	0,20	0,16
CUGGGUUGGGCUGGGCUGGG	-0,01	0,03	0,00	0,09	0,15
CGGGCGUGGUGGUGGGGGUG	-0,01	0,09	0,00	0,31	0,16
AAACAUUCGCGGUGCACUUCUU	-0,01	0,05	0,03	0,09	0,19
CCUGUUCUUCUCUGGGCGCUCC	0,01	0,20	0,04	0,63	0,14
UGACUGAGCUUCUCCCCACAG	-0,01	0,36	0,03	1,21	0,26
GAAGCUCUCCCCUCCCCGAG	-0,01	0,13	0,00	0,45	0,14
UGGAGUUAAGGGUUGCUUGGAGA	-0,01	0,02	0,00	0,06	0,14
GAGACUGGGGUGGGGCC	-0,01	0,02	0,00	0,06	0,14
UGGUCUGUUAUUCUCUUUUUGGCC	-0,01	0,02	0,00	0,06	0,14
GCUCGGACUGAGCAGGUGGG	-0,01	0,13	0,00	0,45	0,14
GUGAGUGUGGAUUUGGCGGGGUU	-0,01	0,02	0,00	0,06	0,14
AGCUGUCUGUGUUUUCUUCUCAG	-0,01	0,02	0,00	0,06	0,14
UCGUUUGCCUUUUUCUGCUU	-0,01	0,02	0,00	0,09	0,14
ACCCUGAACCACUGCAUACACU	-0,01	0,02	0,00	0,09	0,14
UGUUCUCUUUGCCAAGGACAG	-0,01	0,05	0,00	0,20	0,14
UGGUCAGAGGCAGCAGGAAUGA	-0,01	0,02	0,00	0,09	0,14
CACCUUUGUGUCCCCAUCCUGCA	-0,01	0,03	0,00	0,12	0,14
CUGAUAAGAACAGAGGCCAGAU	0,01	1,48	1,62	1,09	0,21
UCGUACCGUGAGUAAUAUGCG	0,01	56,38	56,03	57,28	0,17
UGCGACAUUGGAAGUAGUAUCA	-0,01	0,09	0,00	0,31	0,14
AGCUGGUGUUGUGAAUCAGGCCG	-0,01	0,23	0,00	0,81	0,14
AAUGCAGCCUGAGUAGUACU	-0,01	0,02	0,00	0,09	0,14
UUGUGCUUGAUCUAACCAUGU	-0,01	0,06	0,02	0,19	0,27
ACCGUGCAAAGGUAGCAUA	-0,01	0,17	0,17	0,15	0,19
CUCUCACCACUGCCCUCCCACAG	0,01	0,15	0,00	0,53	0,24
UCCCUCGCCUUCUCACCCUCAG	-0,01	0,06	0,04	0,12	0,27
UGAGGUAGUAAGUUGUAUUGUU	-0,01	19,85	20,24	18,84	0,23
UUUGGCAUUGGUAGAACUCACACU	0,00	175,22	174,57	176,89	0,16
GAAUGUUGCUCGGUGAACCCCU	-0,01	0,86	0,97	0,85	0,33
CAGCAGCAAUUC AUGUUUUGAA	0,01	1,28	1,46	0,82	0,30
UAGAGAGGGGAAGGAUGUGAUGU	-0,01	0,30	0,19	0,57	0,22
GUGAAUUACCGAAGGGCCAUA	-0,01	0,05	0,02	0,11	0,26
ACUCCAGCCCCACAGCCUCAGC	0,01	0,09	0,05	0,20	0,32
CCAGAGCAGCCUGCGGUAACAGU	-0,00	0,02	0,00	0,08	0,14
UGAGGUAGUAGUUUCUU	0,00	0,08	0,03	0,20	0,19
CCUCCUGCCUCCUUGCUGU	-0,00	0,19	0,11	0,40	0,34
UAUGGCACUGGUAGAAUUCACU	-0,00	15,70	15,75	15,54	0,28
GGGCUGGGGCGCGGGGAGGU	0,00	0,39	0,37	0,44	0,31
UCUUCUCUGUUUUGGCCAUGUG	-0,00	0,41	0,52	0,60	0,34
CUGGUACAGGCCUGGGGGACAG	0,00	0,09	0,05	0,21	0,31
AGGGGUGCUAUCUGUGAUUGA	-0,00	0,40	0,33	0,57	0,34
AAUGCACCCGGGCAAGGAUUCU	0,00	1,92	1,81	2,19	0,27
UAUUCAUUUAUCCCCAGCCUACA	-0,00	0,38	0,41	0,32	0,34

stat	pvalue
3,71	2,05E-04
3,07	2,16E-03
-3,02	2,53E-03
2,69	7,09E-03
2,63	8,57E-03
2,52	1,16E-02
2,47	1,36E-02
2,30	2,12E-02
2,18	2,93E-02
2,18	2,93E-02
-2,13	3,32E-02
2,08	3,71E-02
2,08	3,76E-02
1,90	5,73E-02
-1,88	6,02E-02
1,82	6,80E-02
1,82	6,83E-02
-1,81	6,96E-02
1,81	6,97E-02
-1,81	7,00E-02
-1,80	7,18E-02
-1,73	8,43E-02
1,69	9,02E-02
-1,54	1,24E-01
1,52	1,29E-01
-1,50	1,34E-01
-1,48	1,38E-01
1,47	1,41E-01
-1,45	1,47E-01
-1,43	1,52E-01
-1,43	1,54E-01
1,39	1,64E-01
-1,37	1,70E-01
-1,35	1,77E-01
1,35	1,77E-01
-1,34	1,81E-01
-1,31	1,90E-01
-1,30	1,92E-01
1,29	1,97E-01
1,29	1,97E-01
-1,29	1,99E-01
-1,29	1,99E-01
1,28	2,01E-01
-1,24	2,15E-01
1,22	2,21E-01
-1,22	2,23E-01
-1,21	2,27E-01
1,20	2,31E-01
-1,19	2,35E-01
1,16	2,45E-01
1,16	2,46E-01
-1,13	2,60E-01
-1,12	2,64E-01
1,11	2,66E-01

-1,11	2,68E-01
-1,10	2,70E-01
1,08	2,80E-01
-1,06	2,89E-01
1,04	2,96E-01
-1,02	3,08E-01
-1,02	3,08E-01
1,00	3,16E-01
0,98	3,26E-01
0,97	3,32E-01
0,97	3,33E-01
-0,97	3,34E-01
-0,95	3,42E-01
-0,95	3,43E-01
-0,93	3,53E-01
-0,92	3,55E-01
-0,92	3,57E-01
-0,92	3,58E-01
0,92	3,59E-01
-0,91	3,61E-01
0,91	3,64E-01
-0,90	3,68E-01
-0,90	3,68E-01
0,90	3,70E-01
-0,89	3,71E-01
-0,89	3,73E-01
0,89	3,73E-01
0,88	3,78E-01
-0,87	3,84E-01
-0,87	3,85E-01
-0,86	3,91E-01
0,85	3,93E-01
-0,85	3,94E-01
-0,85	3,98E-01
0,84	3,98E-01
-0,83	4,06E-01
-0,82	4,10E-01
-0,82	4,11E-01
-0,82	4,13E-01
-0,82	4,15E-01
-0,80	4,25E-01
-0,78	4,35E-01
-0,77	4,40E-01
-0,77	4,41E-01
0,77	4,43E-01
0,73	4,66E-01
-0,73	4,67E-01
-0,72	4,71E-01
0,71	4,76E-01
0,71	4,79E-01
-0,71	4,79E-01
-0,71	4,81E-01
-0,70	4,87E-01
-0,69	4,91E-01
-0,68	4,94E-01
0,68	4,98E-01

0,67	5,06E-01
-0,66	5,06E-01
-0,66	5,07E-01
-0,66	5,09E-01
-0,66	5,11E-01
-0,66	5,12E-01
0,65	5,13E-01
0,65	5,13E-01
-0,65	5,15E-01
-0,65	5,16E-01
-0,65	5,16E-01
-0,64	5,19E-01
0,64	5,21E-01
-0,64	5,25E-01
-0,63	5,28E-01
-0,63	5,29E-01
0,62	5,32E-01
0,62	5,34E-01
-0,62	5,38E-01
0,61	5,45E-01
-0,60	5,51E-01
0,60	5,51E-01
-0,59	5,52E-01
-0,58	5,60E-01
0,58	5,62E-01
-0,57	5,66E-01
-0,57	5,67E-01
-0,56	5,72E-01
-0,56	5,75E-01
0,56	5,78E-01
-0,55	5,81E-01
0,55	5,82E-01
0,55	5,83E-01
-0,54	5,86E-01
-0,54	5,87E-01
0,54	5,87E-01
0,54	5,90E-01
-0,54	5,90E-01
-0,54	5,90E-01
-0,54	5,92E-01
-0,53	5,93E-01
0,53	5,95E-01
-0,53	5,97E-01
-0,53	5,98E-01
-0,53	5,99E-01
0,52	6,04E-01
0,51	6,09E-01
-0,51	6,09E-01
0,51	6,10E-01
0,51	6,13E-01
-0,50	6,14E-01
-0,50	6,14E-01
-0,50	6,17E-01
-0,50	6,20E-01
0,49	6,24E-01
0,49	6,24E-01

-0,49	6,28E-01
-0,48	6,30E-01
-0,48	6,31E-01
-0,48	6,31E-01
-0,48	6,33E-01
0,47	6,36E-01
-0,47	6,38E-01
-0,47	6,39E-01
-0,47	6,40E-01
0,47	6,41E-01
-0,47	6,42E-01
0,46	6,45E-01
-0,46	6,46E-01
0,45	6,54E-01
-0,45	6,55E-01
-0,44	6,58E-01
-0,44	6,58E-01
-0,44	6,61E-01
-0,44	6,61E-01
-0,44	6,63E-01
-0,43	6,67E-01
-0,42	6,71E-01
-0,42	6,75E-01
-0,42	6,75E-01
-0,42	6,75E-01
-0,41	6,79E-01
-0,41	6,80E-01
-0,41	6,81E-01
-0,41	6,84E-01
0,41	6,85E-01
0,41	6,85E-01
-0,40	6,86E-01
-0,40	6,89E-01
-0,40	6,89E-01
-0,39	6,95E-01
-0,39	6,96E-01
0,39	6,97E-01
-0,39	6,98E-01
-0,39	6,98E-01
-0,39	6,98E-01
-0,39	7,00E-01
-0,38	7,01E-01
-0,38	7,03E-01
-0,38	7,05E-01
-0,38	7,05E-01
-0,38	7,06E-01
0,38	7,06E-01
-0,38	7,06E-01
-0,38	7,07E-01
-0,37	7,08E-01
-0,37	7,10E-01
-0,37	7,11E-01
-0,37	7,12E-01
-0,37	7,15E-01
-0,36	7,16E-01
-0,36	7,16E-01

-0,36	7,17E-01
-0,36	7,17E-01
0,36	7,18E-01
-0,36	7,19E-01
-0,36	7,20E-01
-0,36	7,20E-01
-0,36	7,22E-01
-0,35	7,24E-01
-0,35	7,25E-01
0,35	7,26E-01
-0,35	7,28E-01
-0,34	7,31E-01
-0,34	7,31E-01
-0,34	7,32E-01
-0,34	7,33E-01
-0,34	7,35E-01
0,34	7,36E-01
-0,34	7,37E-01
0,33	7,38E-01
-0,33	7,39E-01
-0,33	7,42E-01
-0,32	7,45E-01
-0,32	7,48E-01
-0,32	7,50E-01
-0,32	7,50E-01
-0,32	7,50E-01
-0,31	7,53E-01
-0,31	7,53E-01
-0,31	7,58E-01
-0,31	7,58E-01
-0,31	7,60E-01
0,30	7,62E-01
0,30	7,62E-01
-0,30	7,62E-01
-0,30	7,66E-01
-0,30	7,66E-01
0,30	7,68E-01
-0,30	7,68E-01
0,29	7,71E-01
0,29	7,72E-01
-0,29	7,73E-01
-0,29	7,74E-01
-0,29	7,74E-01
-0,29	7,75E-01
-0,29	7,75E-01
-0,28	7,76E-01
0,28	7,79E-01
-0,28	7,80E-01
-0,28	7,80E-01
-0,28	7,83E-01
-0,28	7,83E-01
-0,27	7,85E-01
-0,27	7,86E-01
-0,27	7,87E-01
-0,27	7,87E-01
-0,27	7,88E-01

-0,27	7,90E-01
-0,27	7,91E-01
-0,26	7,93E-01
-0,26	7,95E-01
-0,26	7,95E-01
-0,26	7,95E-01
-0,26	7,95E-01
-0,26	7,96E-01
-0,26	7,96E-01
0,26	7,98E-01
-0,26	7,98E-01
0,26	7,98E-01
-0,25	8,00E-01
-0,25	8,00E-01
-0,25	8,00E-01
-0,25	8,02E-01
-0,25	8,05E-01
-0,25	8,05E-01
-0,25	8,06E-01
-0,25	8,06E-01
-0,25	8,06E-01
-0,24	8,07E-01
-0,24	8,08E-01
-0,24	8,08E-01
0,24	8,09E-01
-0,24	8,11E-01
-0,24	8,11E-01
0,24	8,13E-01
-0,24	8,13E-01
-0,24	8,13E-01
0,24	8,13E-01
-0,24	8,14E-01
-0,24	8,14E-01
-0,23	8,15E-01
-0,23	8,17E-01
-0,23	8,18E-01
-0,23	8,18E-01
-0,23	8,18E-01
-0,23	8,18E-01
-0,23	8,19E-01
-0,23	8,20E-01
-0,23	8,20E-01
-0,23	8,20E-01
-0,23	8,21E-01
-0,22	8,22E-01
-0,22	8,23E-01
-0,22	8,24E-01
-0,22	8,24E-01
-0,22	8,24E-01
-0,22	8,25E-01
-0,22	8,25E-01
-0,22	8,26E-01
-0,22	8,26E-01
-0,22	8,26E-01
-0,22	8,26E-01
-0,22	8,27E-01

-0,22	8,27E-01
-0,22	8,29E-01
-0,21	8,30E-01
-0,21	8,31E-01
-0,21	8,31E-01
-0,21	8,32E-01
-0,21	8,33E-01
-0,21	8,34E-01
-0,21	8,34E-01
-0,21	8,34E-01
0,21	8,35E-01
-0,21	8,35E-01
-0,21	8,35E-01
-0,21	8,35E-01
-0,21	8,37E-01
-0,20	8,38E-01
-0,20	8,38E-01
-0,20	8,38E-01
-0,20	8,38E-01
-0,20	8,39E-01
-0,20	8,39E-01
-0,20	8,40E-01
-0,20	8,41E-01
-0,20	8,41E-01
0,20	8,43E-01
-0,20	8,44E-01
-0,20	8,45E-01
-0,20	8,45E-01
-0,19	8,45E-01
-0,19	8,46E-01
0,19	8,47E-01
-0,19	8,48E-01
-0,19	8,48E-01
-0,19	8,48E-01
-0,19	8,48E-01
-0,19	8,50E-01
-0,19	8,51E-01
-0,19	8,51E-01
-0,19	8,51E-01
0,19	8,51E-01
-0,19	8,52E-01
-0,19	8,52E-01
-0,19	8,53E-01
-0,19	8,53E-01
-0,18	8,54E-01
-0,18	8,54E-01
-0,18	8,54E-01
-0,18	8,54E-01
-0,18	8,54E-01
-0,18	8,55E-01
-0,18	8,56E-01
-0,18	8,57E-01
0,18	8,57E-01
-0,18	8,58E-01
-0,18	8,58E-01
-0,18	8,59E-01

-0,18	8,59E-01
-0,18	8,59E-01
-0,18	8,59E-01
-0,18	8,60E-01
-0,18	8,60E-01
-0,18	8,61E-01
0,18	8,61E-01
-0,17	8,61E-01
-0,17	8,62E-01
-0,17	8,62E-01
-0,17	8,62E-01
-0,17	8,63E-01
-0,17	8,63E-01
-0,17	8,63E-01
-0,17	8,63E-01
-0,17	8,64E-01
-0,17	8,64E-01
-0,17	8,64E-01
-0,17	8,64E-01
-0,17	8,65E-01
-0,17	8,66E-01
-0,17	8,67E-01
0,17	8,67E-01
-0,17	8,67E-01
-0,17	8,67E-01
-0,17	8,69E-01
0,17	8,69E-01
-0,16	8,69E-01
-0,16	8,70E-01
-0,16	8,71E-01
-0,16	8,72E-01
-0,16	8,73E-01
-0,16	8,73E-01
0,16	8,73E-01
-0,16	8,74E-01
-0,16	8,74E-01
-0,16	8,75E-01
-0,16	8,75E-01
-0,16	8,75E-01
-0,16	8,75E-01
-0,16	8,76E-01
-0,16	8,76E-01
-0,16	8,77E-01
-0,16	8,77E-01
-0,15	8,77E-01
-0,15	8,78E-01
-0,15	8,78E-01
-0,15	8,79E-01
-0,15	8,79E-01
-0,15	8,79E-01
-0,15	8,80E-01
-0,15	8,80E-01
-0,15	8,80E-01
-0,15	8,81E-01
-0,15	8,81E-01
-0,15	8,81E-01

-0,15	8,81E-01
-0,15	8,82E-01
-0,15	8,82E-01
-0,15	8,82E-01
-0,15	8,82E-01
-0,15	8,82E-01
-0,15	8,82E-01
-0,15	8,82E-01
-0,15	8,83E-01
-0,15	8,83E-01
-0,15	8,83E-01
-0,15	8,83E-01
-0,15	8,84E-01
-0,15	8,84E-01
-0,15	8,84E-01
-0,15	8,84E-01
-0,14	8,85E-01
-0,14	8,86E-01
-0,14	8,86E-01
-0,14	8,86E-01
-0,14	8,86E-01
-0,14	8,86E-01
-0,14	8,87E-01
-0,14	8,87E-01
-0,14	8,87E-01
-0,14	8,87E-01
-0,14	8,87E-01
-0,14	8,87E-01
-0,14	8,88E-01
-0,14	8,88E-01
-0,14	8,88E-01
-0,14	8,88E-01
-0,14	8,88E-01
-0,14	8,88E-01
-0,14	8,89E-01
-0,14	8,89E-01
-0,14	8,90E-01
-0,14	8,90E-01
-0,14	8,90E-01
-0,14	8,90E-01
-0,14	8,90E-01
-0,14	8,91E-01
-0,14	8,91E-01
-0,14	8,91E-01
-0,14	8,91E-01
-0,14	8,91E-01
-0,14	8,92E-01
-0,14	8,92E-01
-0,13	8,93E-01
-0,13	8,93E-01
-0,13	8,94E-01
-0,13	8,94E-01
0,13	8,95E-01
-0,13	8,95E-01

-0,13	8,96E-01
-0,13	8,97E-01
-0,13	8,97E-01
-0,13	8,97E-01
0,13	8,98E-01
-0,13	8,99E-01
-0,13	8,99E-01
-0,13	8,99E-01
-0,13	8,99E-01
-0,13	8,99E-01
0,13	8,99E-01
-0,13	8,99E-01
-0,13	9,00E-01
-0,13	9,00E-01
-0,13	9,00E-01
-0,13	9,00E-01
-0,13	9,00E-01
-0,12	9,01E-01
-0,12	9,01E-01
-0,12	9,01E-01
-0,12	9,02E-01
-0,12	9,02E-01
-0,12	9,02E-01
-0,12	9,02E-01
-0,12	9,02E-01
0,12	9,02E-01
-0,12	9,03E-01
-0,12	9,03E-01
-0,12	9,03E-01
-0,12	9,03E-01
-0,12	9,03E-01
-0,12	9,04E-01
-0,12	9,04E-01
-0,12	9,04E-01
-0,12	9,04E-01
-0,12	9,05E-01
-0,12	9,06E-01
-0,12	9,06E-01
-0,12	9,06E-01
-0,12	9,06E-01
-0,12	9,06E-01
-0,12	9,06E-01
-0,12	9,07E-01
-0,12	9,07E-01
-0,12	9,07E-01
-0,12	9,08E-01
-0,12	9,08E-01
-0,12	9,08E-01
-0,12	9,08E-01
-0,12	9,08E-01
-0,12	9,08E-01
-0,11	9,08E-01
-0,11	9,09E-01
0,11	9,09E-01
-0,11	9,09E-01
-0,11	9,09E-01

[illegible]

[illegible]

-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,20E-01
-0,10	9,21E-01
-0,10	9,21E-01
-0,10	9,21E-01
-0,10	9,21E-01
-0,10	9,21E-01
-0,10	9,21E-01
-0,10	9,21E-01
-0,10	9,21E-01
-0,10	9,21E-01
-0,10	9,21E-01
-0,10	9,21E-01
-0,10	9,22E-01
-0,10	9,22E-01
-0,10	9,22E-01
-0,10	9,22E-01
-0,10	9,22E-01
-0,10	9,22E-01
-0,10	9,22E-01
-0,10	9,22E-01
-0,10	9,23E-01
-0,10	9,23E-01
-0,10	9,24E-01
-0,09	9,24E-01
-0,09	9,24E-01
-0,09	9,24E-01
-0,09	9,24E-01
-0,09	9,25E-01
-0,09	9,25E-01
-0,09	9,25E-01
-0,09	9,25E-01
-0,09	9,25E-01
-0,09	9,25E-01
-0,09	9,25E-01
-0,09	9,25E-01
-0,09	9,26E-01
-0,09	9,26E-01
-0,09	9,26E-01
-0,09	9,27E-01
-0,09	9,27E-01
-0,09	9,27E-01
-0,09	9,27E-01
-0,09	9,27E-01

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

-0,08	9,35E-01
-0,08	9,35E-01
-0,08	9,35E-01
-0,08	9,35E-01
-0,08	9,35E-01
-0,08	9,35E-01
-0,08	9,35E-01
-0,08	9,36E-01
0,08	9,36E-01
-0,08	9,36E-01
-0,08	9,36E-01
-0,08	9,36E-01
-0,08	9,37E-01
-0,08	9,37E-01
-0,08	9,37E-01
0,08	9,38E-01
-0,08	9,38E-01
-0,08	9,38E-01
-0,08	9,40E-01
-0,07	9,41E-01
-0,07	9,42E-01
0,07	9,42E-01
-0,07	9,42E-01
-0,07	9,43E-01
-0,07	9,45E-01
-0,07	9,45E-01
-0,07	9,45E-01
0,07	9,46E-01
-0,07	9,46E-01
-0,07	9,46E-01
-0,07	9,46E-01
0,07	9,47E-01
-0,07	9,48E-01
-0,07	9,48E-01
0,07	9,48E-01
-0,07	9,48E-01
-0,07	9,48E-01
-0,06	9,48E-01
0,06	9,49E-01
-0,06	9,50E-01
-0,06	9,52E-01
-0,06	9,53E-01
-0,06	9,53E-01
-0,06	9,54E-01
-0,06	9,54E-01
-0,06	9,54E-01
-0,06	9,55E-01
-0,06	9,55E-01
-0,06	9,55E-01
-0,05	9,56E-01
-0,05	9,57E-01
-0,05	9,57E-01
-0,05	9,57E-01
-0,05	9,58E-01
-0,05	9,59E-01
-0,05	9,60E-01

-0,05	9,60E-01
-0,05	9,60E-01
-0,05	9,60E-01
-0,05	9,62E-01
0,05	9,62E-01
-0,05	9,62E-01
-0,05	9,62E-01
-0,05	9,63E-01
-0,05	9,63E-01
0,05	9,63E-01
-0,05	9,63E-01
-0,05	9,63E-01
-0,05	9,63E-01
-0,04	9,64E-01
0,04	9,66E-01
-0,04	9,66E-01
-0,04	9,68E-01
-0,04	9,69E-01
-0,04	9,69E-01
-0,04	9,69E-01
-0,04	9,69E-01
-0,04	9,69E-01
-0,04	9,69E-01
-0,04	9,69E-01
-0,04	9,69E-01
-0,04	9,69E-01
-0,04	9,69E-01
0,04	9,69E-01
0,04	9,70E-01
-0,04	9,70E-01
-0,04	9,70E-01
-0,04	9,70E-01
-0,04	9,71E-01
-0,03	9,72E-01
0,03	9,73E-01
-0,03	9,74E-01
-0,03	9,75E-01
0,03	9,75E-01
-0,03	9,79E-01
0,03	9,79E-01
-0,02	9,81E-01
-0,02	9,82E-01
0,02	9,83E-01
-0,02	9,86E-01
0,02	9,87E-01
-0,01	9,89E-01
-0,01	9,89E-01
0,01	9,89E-01
-0,01	9,90E-01
0,01	9,91E-01
-0,01	9,93E-01
0,00	9,98E-01
0,00	1,00E+00