

Table S4. Primers used for RT-qPCR expression analyses.

Name	Sequence	Efficiency	Specificity *
<i>HELPO1.1</i> rep.fw	CCAGATGCCGAGATCAAGCTTCG	1.87	<i>HELPO1</i> helicases (4)
<i>HELPO1.1</i> rep.RV	GGCATAATCATGGCAACCTC		
<i>HELPO1.2</i> rep.fw	CCACCAACTCCCACAGAAT	1.86	<i>HELPO1.2</i> helicases (2)
<i>HELPO1.2</i> rep.fw	TCTAGCACCCCCGATTTATG		
<i>HELPO2_dg</i> .fw	AAACTGCGGACTCCTGAAGA	1.87	<i>HELPO2</i> helicases (6)
<i>HELPO2_dg</i> .rv	CAGCTGTGGTGCTTCCAGTA		
<i>capA</i> .fw	AAATGGACCCCTCCGTTTAC	1.98	<i>capA</i> genes (3) - <i>HELPO1</i>
<i>capA</i> .rv	TTTCTGCAAGGGACCCATAG		
<i>capA2</i> .fw	CCTGTTGTTGCATGATCCAG	1.89	<i>capA2</i> gene (1) - <i>HELPO1</i>
<i>capA2</i> .rv	GATGTGCGCCTCAGTAGACA		
<i>capB</i> .fw	GGGCTTGCTGTATTGGAAAA	1.91	<i>capB</i> genes (2) - <i>HELPO1.2</i>
<i>capB</i> .rv	TGGGGAGCGAGATAGAATTG		
<i>capC</i> .fw	CACGAGCAATTTTTCGAATG	1.87	<i>capC</i> genes (6) - <i>HELPO1.3</i>
<i>capC</i> .rv	GTAAGGGTCCTGAGCAGCAG		
<i>capD</i> .fw	GCAGAGCAGCGAGAGTTTCT	/	<i>capD</i> gene (1) - <i>HELPO1.3</i>
<i>capD</i> .rv	AAAATCCCGGTACGTGTTCA		
<i>capF</i> .fw	CATTGGACTGGGAATCTGCT	/	<i>capF</i> gene (1) - <i>HELPO1.3</i>
<i>capF</i> .rv	CCCTGCTTTTTGACTTCAGC		
<i>pep_fw</i>	CTATCTCGGGAACGGTATATCA	1.89	PC15 V2.0 ID:1092697
<i>pep_rv</i>	CCGCTGGTACTGGTACTATAA		

* In parenthesis is shown the number of gene copies in PC15 genome